Manipulación de datos, más allá de lo básico

Curso de introducción a 😱

Pablo Cabrera-Álvarez

🕝 | 🛩 @pablocalv

Julio 2019



Vamos a utilizar el conjunto de datos gss_cat. Para poder reescribirli voy a guardarlo como gss:

```
gss <- gss_cat
glimpse(gss)</pre>
```



• Ordenar el conjunto de datos por age ascendente y year descendente:



• Crear una variable que sea id con un identificador único:

```
gss <- mutate(gss,</pre>
             id = 1:nrow(gss)
 glimpse(gss)
## Observations: 21,483
## Variables: 10
## $ vear
         <int> 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2012, 2012, 2012, ...
## $ marital <fct> Never married, Never married, Never married, Never mar...
## $ race
         <fct> White, Black, White, Black, White, White, Other, Other...
## $ rincome <fct> Not applicable, Not applicable, Not applicable, Not ap...
## $ partyid <fct> "Other party", "Ind, near dem", "Ind, near rep", "Not st...
## $ relig <fct> None, Protestant, Protestant, None, None, Protestant, ...
## $ denom <fct> Not applicable, Baptist-dk which, Baptist-dk which, No...
## $ tvhours <int> 5, 4, 1, 3, 0, 0, 5, 3, 2, NA, NA, 1, 3, 1, 2, 4, 1, 2...
## $ id
           <int> 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16,...
```



• Reordenar las variables para que id sea la primera del data frame:

```
gss <- select(gss,</pre>
             id, everything())
 glimpse(gss)
## Observations: 21,483
## Variables: 10
       <int> 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16,...
## $ id
## $ year <int> 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2012, 2012, 2012, ...
## $ marital <fct> Never married, Never married, Never married, Never mar...
## $ race <fct> White, Black, White, Black, White, White, Other, Other...
## $ rincome <fct> Not applicable, Not applicable, Not applicable, Not ap...
## $ partyid <fct> "Other party", "Ind, near dem", "Ind, near rep", "Not st...
## $ relig <fct> None, Protestant, Protestant, None, None, Protestant, ...
## $ denom <fct> Not applicable, Baptist-dk which, Baptist-dk which, No...
## $ tvhours <int> 5, 4, 1, 3, 0, 0, 5, 3, 2, NA, NA, 1, 3, 1, 2, 4, 1, 2...
```



26.00

##

37.00

• Filtrar lo casos que sean mayores de 25 años:

48.00

50.15

61.00

89.00



• **Renombrar** la variable rincome → income bands:

```
gss <- rename(gss,
             income bands = rincome)
 glimpse(gss)
## Observations: 19,139
## Variables: 10
## $ id
                <int> 2269, 2270, 2271, 2272, 2273, 2274, 2275, 2276, 2...
## $ year
                <int> 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2...
## $ marital
              <fct> Married, Never married, Never married, Never marr...
## $ age
                <fct> White, White, Black, Other, White, White, ...
## $ race
## $ income bands <fct> $25000 or more, $25000 or more, $25000 or more, $...
## $ partyid
               <fct> "Not str republican", "Ind, near dem", "Not str de...
## $ relig
                <fct> Catholic, None, Catholic, Catholic, Catholic, Cat...
## $ denom
                <fct> Not applicable, Not applicable, Not applicable, N...
## $ tvhours
                <int> NA, 3, 2, 3, NA, NA, 0, 3, NA, NA, NA, NA, 1, NA,...
```

Manipulación de datos, más allá de lo básico

- Un toque de elegancia: el uso de *pipes* %>%
- Agrupar datos
- Resumir variables
- Combinar filas
- Combinar columnas
- De archivo largo a ancho: spread
- De ancho a largo: gather
- Crear funciones

Operar con *pipes* %>% 🖇

Espíritu tidyverse

```
gss <- gss_cat
gss <- arrange(gss, age, desc(year))
gss <- mutate(gss, id = 1:nrow(gss))
gss <- select(gss, id, everything())
gss <- filter(gss, age > 25)
gss <- rename(gss, income_bands = rincome)</pre>
```

¿Cómo simplificar el código?

gss está repetida 11 veces

Espíritu tidyverse

```
gss <- gss_cat
    arrange(age, desc(year))
    mutate(id = 1:nrow(gss))
    select(id, everything())
    filter(age > 25)
    rename(income_bands = rincome)
```

Espíritu tidyverse

gss <- gss cat %>%

```
arrange(age, desc(year)) %>%
        mutate(id = 1:nrow(gss cat)) %>%
        select(id, everything()) %>%
        filter(age > 25) %>%
        rename(income bands = rincome)
 glimpse(gss)
## Observations: 19,139
## Variables: 10
## $ id
                <int> 2269, 2270, 2271, 2272, 2273, 2274, 2275, 2276, 2...
## $ year
                 <int> 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2014, 2...
## $ marital
                <fct> Married, Never married, Never married, Never marr...
## $ age
                ## $ race
                <fct> White, White, Black, Other, White, White, ...
## $ income bands <fct> $25000 or more, $25000 or more, $25000 or more, $...
## $ partyid
                <fct> "Not str republican", "Ind, near dem", "Not str de...
## $ relig
                <fct> Catholic, None, Catholic, Catholic, Catholic, Cat...
## $ denom
                <fct> Not applicable, Not applicable, Not applicable, N...
## $ tvhours
                 <int> NA, 3, 2, 3, NA, NA, 0, 3, NA, NA, NA, NA, 1, NA,...
```

Operar con %>%

• Las *pipes* o tuberías **transportan un objeto**, generalmente un data frame, a lo largo de una serie de **funciones** que sucesivamente van transformando los datos:

```
gss_cat %>%
  select(race, partyid) %>%
  filter(race == "White")
```

Operar con %>%

5 White Not str democrat
6 White Strong democrat

• También se pueden incluir funciones que generen otros objetos (e.g. gráficos o análisis):

```
gss_cat %>%
  select(race, partyid) %>%
  filter(race == "White") %>%
  head()

### # A tibble: 6 x 2
### race partyid
### <fct> <fct>
### 1 White Ind, near rep
### 2 White Not str republican
### 3 White Independent
### 4 White Ind, near rep
```

Operar con %>%

• En ocasiones es necesario referirse a los datos dentro de un pipe, para ello se puede utilizar el punto (.).

```
gss_cat %>%
   mutate(id = 1:nrow(.)) %>%
   select(id) %>%
   head()
## # A tibble: 6 x 1
        id
##
##
     <int>
## 1
## 2
## 3
## 4
## 5
         5
## 6
         6
```

Uso de las *pipes* en el código

- Evitar *pipes* de **más de diez líneas**, en ese caso crear varios objetos
- Utiliza *pipes* siempre que haya dos o más funciones, pero no en caso de que corresponda usar una única función:

```
gss_cat %>% select(race, age) # mal
gss_cat %>% #bien
  select(race, age) %>%
  filter(race == "White")
```

Utiliza el atajo Ctrl + Mayús + M para insertar pipes %>% en RStudio



¿Se puede hacer un *pipe* que culmine en la función table()? ¿Cuál será el comportamiento?

```
gss_cat %>%
  select(race, marital, partyid) %>%
  table()
```



```
, , partyid = No answer
4‡4‡
4‡4‡
                   marital
## race
                     No answer Never married Separated Divorced Widowed
##
     Other
                                                       3
                                                                3
                                            6
     Black
##
                                           14
     White
                                           15
                                                      3
##
                                                               17
                                                                       12
     Not applicable
##
                                                                        0
                                                       0
                                                                0
##
                   marital
排 race
                     Married
##
     Other
                          11
##
     Black
##
     White
                          42
##
     Not applicable
##
   , , partyid = Don't know
##
##
                   marital
                     No answer Never married Separated Divorced Widowed
#非 race
     Other
##
                             0
                                                      0
                                                                0
     Black
##
                                                                        0
                                                       0
                                                                0
```

Agrupar means group 🕿



Agrupar casos

```
group_by(.data, ...)
```

• La función group_by() permite agrupar los casos según una o varias variables:

```
gss group <- gss cat %>%
          group by (race)
 glimpse(gss group)
## Observations: 21,483
## Variables: 9
## Groups: race [3]
## $ year <int> 2000, 2000, 2000, 2000, 2000, 2000, 2000, 2000, 2000, ...
## $ marital <fct> Never married, Divorced, Widowed, Never married, Divor...
## $ age <int> 26, 48, 67, 39, 25, 25, 36, 44, 44, 47, 53, 52, 52, 51...
## $ race <fct> White, White, White, White, White, White, White, White...
## $ rincome <fct> $8000 to 9999, $8000 to 9999, Not applicable, Not appl...
## $ partyid <fct> "Ind, near rep", "Not str republican", "Independent", "...
## $ relig <fct> Protestant, Protestant, Protestant, Orthodox-christian...
## $ denom <fct> Southern baptist, Baptist-dk which, No denomination, N...
## $ tvhours <int> 12, NA, 2, 4, 1, NA, 3, NA, 0, 3, 2, NA, 1, NA, 1, 7, ...
```

Resumir means summarise



Hacer estadísticos resumen

```
summarise(.data, ...)
```

• La función summarise() es útil para crear estadísticos resumen:

```
gss_cat %>%
summarise(mean_age = mean(age, na.rm = TRUE))

## # A tibble: 1 x 1
## mean_age
## <dbl>
## 1 47.2
```

Hacer estadísticos resumen

• También funciona con data frames agrupados:

#非 3 White

48.7

```
gss_group %>%
summarise(mean_age = mean(age, na.rm = TRUE))

### # A tibble: 3 x 2
### race mean_age
### <fct> <dbl>
### 1 Other 39.5
### 2 Black 43.9
```

Funcionamiento habitual de summarise

• El resumen de los datos con summarise() se suele hacer después de una agrupación de los mismos con group_by():

```
## # A tibble: 3 x 4

## race mean_age sd_age first_rincome

## <fct> <dbl> <dbl> <fct>
## 1 Other 39.5 14.4 $20000 - 24999

## 2 Black 43.9 16.1 $25000 or more

## 3 White 48.7 17.5 $8000 to 9999
```

Funciones de apoyo a summarise

- mean()
- sd()
- median()
- IQR()
- min()
- max()
- qualtile()

- first()
- last()
- nth()
- n()
- n_distinct()
- any()
- all()

Una función extra: frecuencia más repetida

which.max(x)

- Una función auxiliar que no está implementada en *tidyverse* es extraer el nivel con la frecuencia más alta para cada grupo. Para ello es necesario combinar tres funciones de rbase: table(), which.max() y names().
- Lo solucionamos en tres pasos:
 - 1. Con table() se obtienen las frecuencias
 - 2. Con which.max() se selecciona la categoría con mayor frecuencia
 - 3. Con names () se extrae el nombre del nivel del factor

Una función extra: frecuencia más repetida

• Empezamos con la tabla:

```
table(gss_cat$partyid)
```

```
##
                                Don't know
##
            No answer
                                                   Other party
##
                   154
                                                           393
    Strong republican Not str republican
##
                                                  Ind, near rep
##
                  2314
                                                          1791
                                      3032
##
          Independent
                             Ind, near dem
                                              Not str democrat
##
                  4119
                                      2499
                                                          3690
##
      Strong democrat
##
                  3490
```

• El siguiente código da la etiqueta y el nivel de la categoría con mayor frecuencia:

```
which.max(table(gss_cat$partyid))
```

```
## Independent
## 7
```

Una función extra: frecuencia más repetida

• Se aplica la función names () para obtener la etiqueta de la variable:

```
names(which.max(table(gss_cat$partyid)))
```

```
## [1] "Independent"
```

Un ejemplo de la aplicación

• Para cada grupo de la variable race obtener el partido más frecuente con el que se identifican party_id:

```
gss_cat %>%
  group_by(race) %>%
  summarise(most_freq_partyid = names(which.max(table(partyid))))

## # A tibble: 3 x 2

## race most_freq_partyid

## <fct> <chr>
## 1 Other Independent

## 2 Black Strong democrat

## 3 White Independent
```

Crear una variable resumen a nivel individual

• La función group_by() también funciona con mutate() para crear una variable resumen a nivel individual:

```
gss_cat %>%
  select(race, age) %>%
  group_by(race) %>%
  mutate(mean_age = mean(age, na.rm = TRUE)) %>%
  head()
```

```
## # A tibble: 6 x 3
## # Groups: race [1]
##
     race
            age mean_age
     <fct> <int>
                   <dbl>
##
## 1 White
             26
                   48.7
## 2 White
                   48.7
             48
                    48.7
## 3 White
             67
                    48.7
排 4 White
             39
                    48.7
## 5 White
## 6 White
                    48.7
```

Combinar filas []

Combinar filas

• Cargamos dos data frames:

\$ race <fct> White, White, White

```
rows_a <- gss_cat[1:3, c(1, 3:4)]
 glimpse(rows_a)
## Observations: 3
## Variables: 3
## $ year <int> 2000, 2000, 2000
## $ age <int> 26, 48, 67
## $ race <fct> White, White, White
rows_b <- gss_cat[4:6, c(1:4)]
 glimpse(rows_b)
## Observations: 3
## Variables: 4
## $ year <int> 2000, 2000, 2000
## $ marital <fct> Never married, Divorced, Married
## $ age <int> 39, 25, 25
```

Combinar filas

```
bind_rows(..., id)
```

• La función bind_rows() permite combinar dos data frames de filas en un único objeto. La combinación se lelva acabo a partir del nombre de las columnas o variables:

```
bind_rows(rows_a, rows_b)
```

```
## # A tibble: 6 x 4
            age race marital
##
      vear
     <int> <int> <fct> <fct>
              26 White <NA>
## 1
     2000
## 2
     2000
              48 White <NA>
## 3
              67 White <NA>
     2000
## 4
              39 White Never married
     2000
## 5
     2000
              25 White Divorced
## 6
              25 White Married
     2000
```

Combinar variables



Combinar variables

• Partimos de dos data frames:

<int> 1, 2, 4

\$ id

```
gss <- gss cat %>%
  mutate(id = 1:nrow(gss_cat)) %>%
  select(id, everything())
cols_a <- gss[1:3, 1:3]
 glimpse(cols_a)
## Observations: 3
## Variables: 3
## $ id <int> 1, 2, 3
## $ year <int> 2000, 2000, 2000
## $ marital <fct> Never married, Divorced, Widowed
cols_b \leftarrow gss[c(1:2, 4), c(1, 4:5)]
 glimpse(cols_b)
## Observations: 3
## Variables: 3
```

Combinar variables

```
bind_cols(...)
```

• La función bind_cols() realiza una combinación de dos data frames a partir de las columnas; la combinación es posicional por lo que es necesario que los casos (filas) estén ordenados apra que se realice correctamente:

```
bind_cols(cols_a, cols_b)
```

```
## # A tibble: 3 x 6
       id year marital
                                id1
##
                                      age race
##
    <int> <int> <fct>
                              <int> <int> <fct>
                                      26 White
## 1
        1 2000 Never married
                                 1
## 2
     2 2000 Divorced
                                      48 White
## 3
        3 2000 Widowed
                                      39 White
```

Combinar variables, por la izquierda

```
left_join(x, y, by)
```

• La función left_join() sirve para unir dos data frames en base a una o más variables clave, tomando como referencia el data frame x, situado a la izquierda de la definición:

```
left_join(x = cols_a, y = cols_b, by = "id")
## # A tibble: 3 x 5
```

Combinar variables, por la derecha

```
right_join(x, y, by)
```

• La función right_join() sirve para unir dos data frames en base a una o más variables clave, tomando como referencia el data frame y, situado a la derecha de la definición:

```
right_join(x = cols_a, y = cols_b, by = "id")
```

Combinar variables, todas

```
full_join(x, y, by)
```

• La función full_join() sirve para unir dos data frames en base a una o más variables clave:

```
full_join(x = cols_a, y = cols_b, by = "id")
```

```
## # A tibble: 4 x 5
###
      id year marital
                       age race
    <int> <int> <fct>
###
                    <int> <fct>
## 1
       1 2000 Never married 26 White
## 2
    2 2000 Divorced
                       48 White
## 3 3 2000 Widowed
                   NA <NA>
## 4
       4 NA <NA>
                    39 White
```

Variables sin combinar

anti_join()

• En ocasiones es necesario tener un listado de aquellos casos que no se han combinado al no estar en ambos data frames. Para ello se puede utilizar la función anti_join():

```
anti_join(x = cols_a, y = cols_b, by = "id")
```

```
## # A tibble: 1 x 3
## id year marital
## <int> <int> <fct>
## 1 3 2000 Widowed
```



¿Cuál es la diferencia entre las siguientes líneas de código?

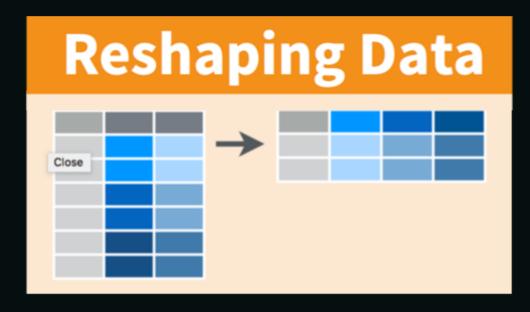
```
left_join(x, y, by = c("region", "id"))
```

```
right_join(y, x, by = c("region", "id"))
```

A formato ancho J

Cambiar la forma de los datos

• En ocasiones los datos deben ser cambiados de forma par apoder ser analizados:



Datos en formato largo

• Datos en formato largo:

muni

```
## # A tibble: 4 x 3
     muni
               item
                       valor_mill
##
     <chr>
                            <dbl>
               <chr>
  1 Madrid
               Poblac.
                              5.7
排 2 Madrid
               Votos
                              2.4
  3 Barcelona Poblac.
                              2.5
  4 Barcelona Votos
                              1.6
```

De largo a ancho

```
spread(data, key, value)
```

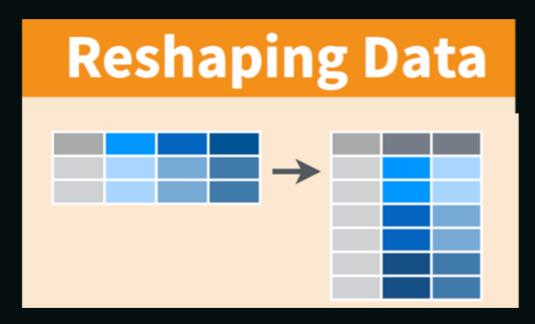
• Para pasar los datos de formato largo a ancho se usa lafunción spread():

```
spread(data = muni, key = item, value = valor_mill)
## # A tibble: 2 x 3
```

A formato largo 1

Cambiar la forma de los datos

• Otra manera de formatear los datos es pasarlos de ancho a largo:



De ancho a largo

• Datos en formato ancho:

```
str(iris)
   'data.frame': 150 obs. of 5 variables:
    $ Sepal.Length: num 5.1 4.9 4.7 4.6 5 5.4 4.6 5 4.4 4.9 ...
    $ Sepal.Width : num 3.5 3 3.2 3.1 3.6 3.9 3.4 3.4 2.9 3.1 ...
##
    $ Petal.Length: num 1.4 1.4 1.3 1.5 1.4 1.7 1.4 1.5 1.4 1.5 ...
##
    $ Petal.Width : num 0.2 0.2 0.2 0.2 0.2 0.4 0.3 0.2 0.2 0.1 ...
##
    $ Species
                  : Factor w/ 3 levels "setosa", "versicolor", ...: 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
##
 head(iris, n = 5)
     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
##
## 1
              5.1
                         3.5
                                      1.4
                                                  0.2 setosa
## 2
              4.9
                         3.0
                                      1.4
                                                  0.2 setosa
## 3
             4.7
                         3.2
                                      1.3
                                                  0.2 setosa
## 4
             4.6
                         3.1
                                      1.5
                                                  0.2 setosa
## 5
              5.0
                         3.6
                                      1.4
                                                  0.2 setosa
```

De ancho a largo

```
gather(data, key, value, ...)
```

• Con la función gather() los datos pasan de **formato ancho a largo**. Los argumentos son los mismos que en la función spread(), pero los valores esperados son distintos. Se espera unas nuevas versiones de estas funciones próximamente: pivot_wide() y pivot_long().

```
gather(data = iris, key = "var", value = "value", Sepal.Length:Petal.Width)
```

```
##
          Species var value
## 1
           setosa Sepal.Length
                                 5.1
           setosa Sepal.Length
## 2
                                 4.9
## 3
           setosa Sepal.Length
                                 4.7
## 4
           setosa Sepal.Length
                                 4.6
## 5
           setosa Sepal.Length
                                 5.0
## 6
           setosa Sepal.Length
                                 5.4
           setosa Sepal.Length
                                 4.6
## 7
## 8
           setosa Sepal.Length
                                 5.0
           setosa Sepal.Length
## 9
                                 4.4
           setosa Sepal.Length
## 10
                                 4.9
## 11
           setosa Sepal.Length
                                 5.4
```

Intro a creación de funciones



La estructura de una función

function(args)

```
mifuncion <- function(argumento1, argumento2, ...) {
  cuerpo
  resultado
}</pre>
```

- El nombre de la función es mifuncion
- Para crear una función se utiliza la función function() {}
- Una función está compuesta por argumentos: argumento1

- En el cuerpo de la función están las acciones
- El **resultado** es el output de la función

Argumentos de una función

• Los argumentos de una función pueden tener valores predeterminados:

```
mifuncion <- function(argumento1 = TRUE, argumento2 = 10) {
  cuerpo
  resultado
}</pre>
```

Retornar un objeto

return(x)

• Para retornar un objeto se utiliza la función return():

```
mifuncion <- function(datos) {
    x <- datos*2
    return(x)
}</pre>
```

Ejemplo:

• Crear una función que multiplique un vector por sí mismo:

```
mult_vector <- function(vector){
   vector_2 <- vector*vector
   return(vector_2)
}
nums <- c(2, 3, 5)
mult_vector(nums)</pre>
```

[1] 4 9 25