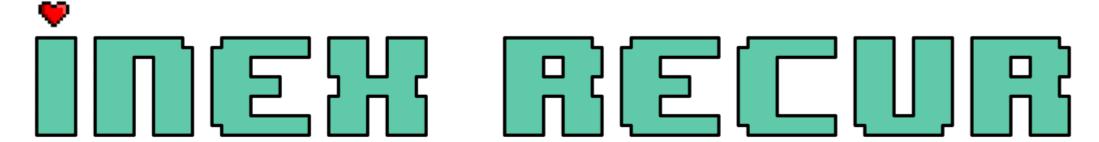
JOSE GABRIEL GARCIA PARDO

ALFREDO TORREGROSA LLORET

BWA



JAUIER DE LA TORRE COSTA

AITANA PASCUAL BELDA



- 1. Introducción
- 2. Materiales y métodos
- 3. Resultados
- 4. Conclusiones
- 5. Bibliografía

- Introducción
- 2. Materiales y métodos
- 3. Resultados
- 4. Conclusiones
- 5. Bibliografía



¿Qué es un algoritmo recursivo?

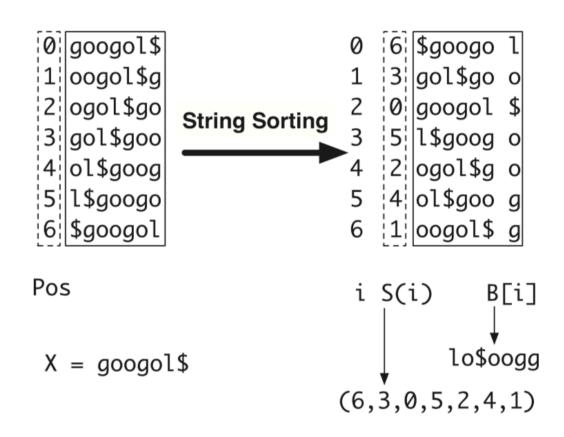


La recursividad es una técnica de programación que se utiliza para realizar una llamada a una función desde ella misma.

OBJETIVO

Implementación del algoritmo BWA para alinear secuencias cortas dentro de una secuencia larga de referencia, permitiendo huecos y errores.

El algoritmo BWA



Construcción del Suffix Array

Si el string W es un substring de X, la posición de cada ocurrencia de W en X va a darse en un determinado intervalo del suffix array.

 $\underline{R}(W) = \min\{k : W \text{ is the prefix of } X_{S(k)}\}\$

 $\overline{R}(W) = \max\{k: W \text{ is the prefix of } X_{S(k)}\}\$

El algoritmo BWA

Exact matching: Backward search

Sea:

- C(a) el número de símbolos en X[0,n-2] que son lexicográficamente menores que a.
- O(a,i) el número de ocurrencias de a en B[0,i]

Si W es un substring de X:

$$\underline{R}(aW) = C(a) + O(a,\underline{R}(W) - 1) + 1$$

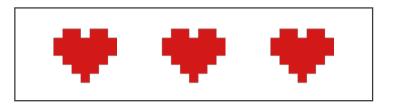
$$\overline{R}(aW) = C(a) + O(a, \overline{R}(W))$$

El valor Z y el vector D:

Sobre este par de vectores recae la eficiencia del algoritmo BWA, supongamos por ejemplo el siguiente caso:

El valor Z representaría el número de errores restantes que nos podemos permitir.





Las acciones de **inserción**, **sustitución** o **deleción** supondrán disminuir en uno el valor de Z.

Cuanto más alto, más permisivos a fallos estaremos siendo

El valor Z y el vector D:

El vector D se calcula antes de entrar en el algoritmo InexRecur.

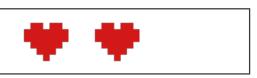
Es uno de los puntos más importantes del mismo, y representa el número de fallos que debemos disponer antes de entrar a realizar

operaciones en cada posición:

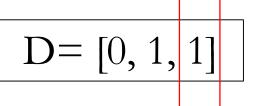
```
CALCULATED(W)
k \leftarrow 1
l \leftarrow |X| - 1
z \leftarrow 0
for i = 0 to |W| - 1 do
k \leftarrow C(W[i]) + O'(W[i], k - 1) + 1
l \leftarrow C(W[i]) + O'(W[i], l)
if k > l then
k \leftarrow 1
l \leftarrow |X| - 1
z \leftarrow z + 1
D(i) \leftarrow z
```

El valor Z y el vector D:

Supongamos...



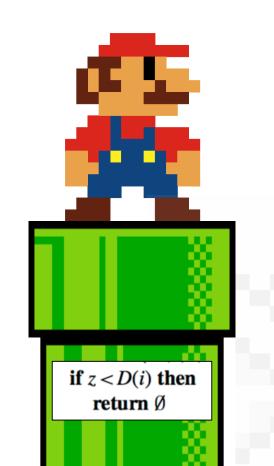
$$Z=2$$





$$Z = 2$$

 $D(i) = 1$
2>1
Entramos!



INEXRECUR(W, i, z, k, l)

if z < D(i) then

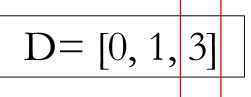
return \emptyset

El valor Z y el vector D:

Supongamos ahora...



$$Z=2$$





$$Z = 2$$
 $D(i) = 3$
 $2 < 3$
NO entramos!



INEXRECUR(W, i, z, k, l)

if z < D(i) then

return \emptyset

- 1. Introducción
- Materiales y métodos
- 3. Resultados
- 4. Conclusiones
- 5. Bibliografía



Materiales y métodos

```
CALCULATED(W)
k \leftarrow 1
l \leftarrow |X| - 1
z \leftarrow 0
for i = 0 \text{ to } |W| - 1 \text{ do}
k \leftarrow C(W[i]) + O'(W[i], k - 1) + 1
l \leftarrow C(W[i]) + O'(W[i], l)
if k > l \text{ then}
k \leftarrow 1
l \leftarrow |X| - 1
z \leftarrow z + 1
D(i) \leftarrow z
```

```
INEXRECUR(W, i, z, k, l)
   if z < D(i) then
      return Ø
   if i < 0 then
      return \{[k,l]\}
   I \leftarrow \emptyset
   I \leftarrow I \cup INEXRECUR(W, i-1, z-1, k, l)
   for each b \in \{A, C, G, T\} do
      k \leftarrow C(b) + O(b, k-1) + 1
      l \leftarrow C(b) + O(b, l)
      if k \le l then
          I \leftarrow I \cup INEXRECUR(W, i, z-1, k, l)
          if b = W[i] then
             I \leftarrow I \cup INEXRECUR(W, i-1, z, k, l)
          else
             I \leftarrow I \cup INEXRECUR(W, i-1, z-1, k, l)
   return I
```



Materiales y métodos

Funciones implementadas

- Script SuffixArray: creación del SA a partir de la secuencia referencia X
- Función C(a): número de símbolos en X[0,n-2] que son lexicográficamente menores que a.
- Función O(a,i): número de ocurrencias de a en B[0,i]
- Función INEXRECUR: posición del SA en el que se ha encontrada el alineamiento.
 - Archivo .txt con la traza

Materiales y métodos

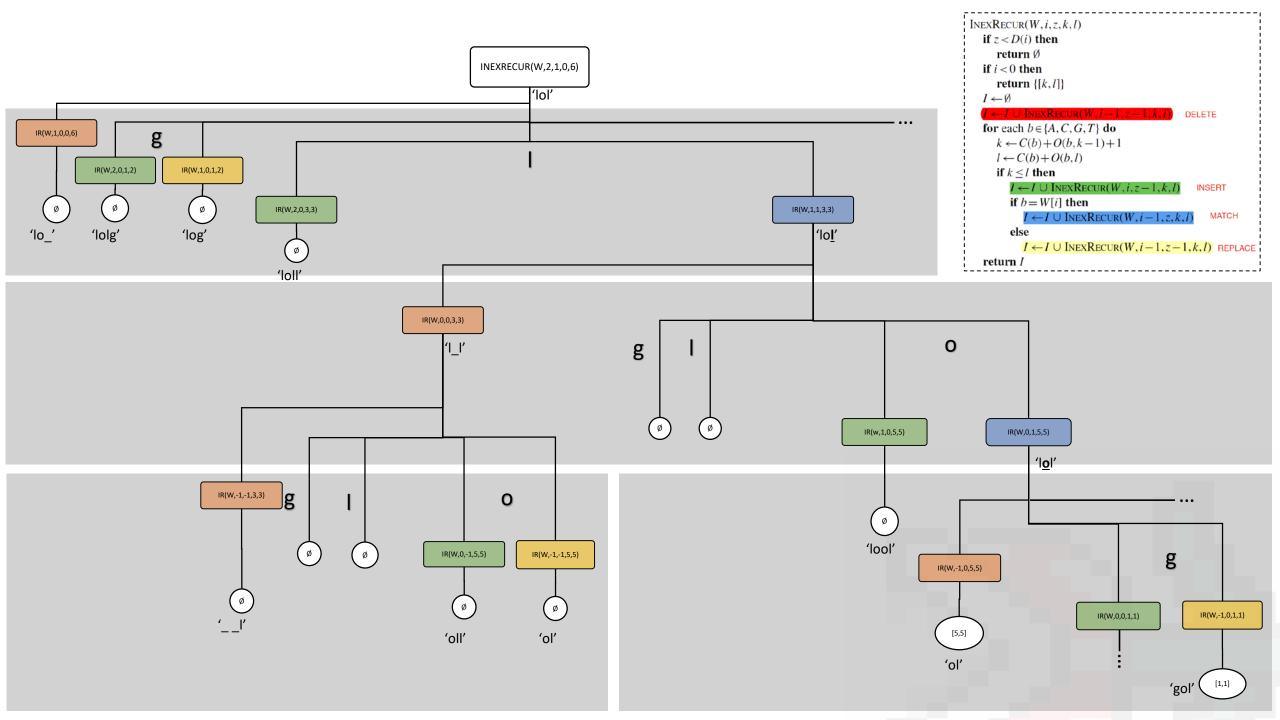
Problema a resolver



Dado X = "googol\$", buscar los posibles alineamientos de W = "lol" con X, siendo:

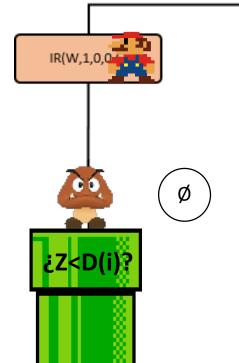
$$Z = 1$$

D = (0,1,1)

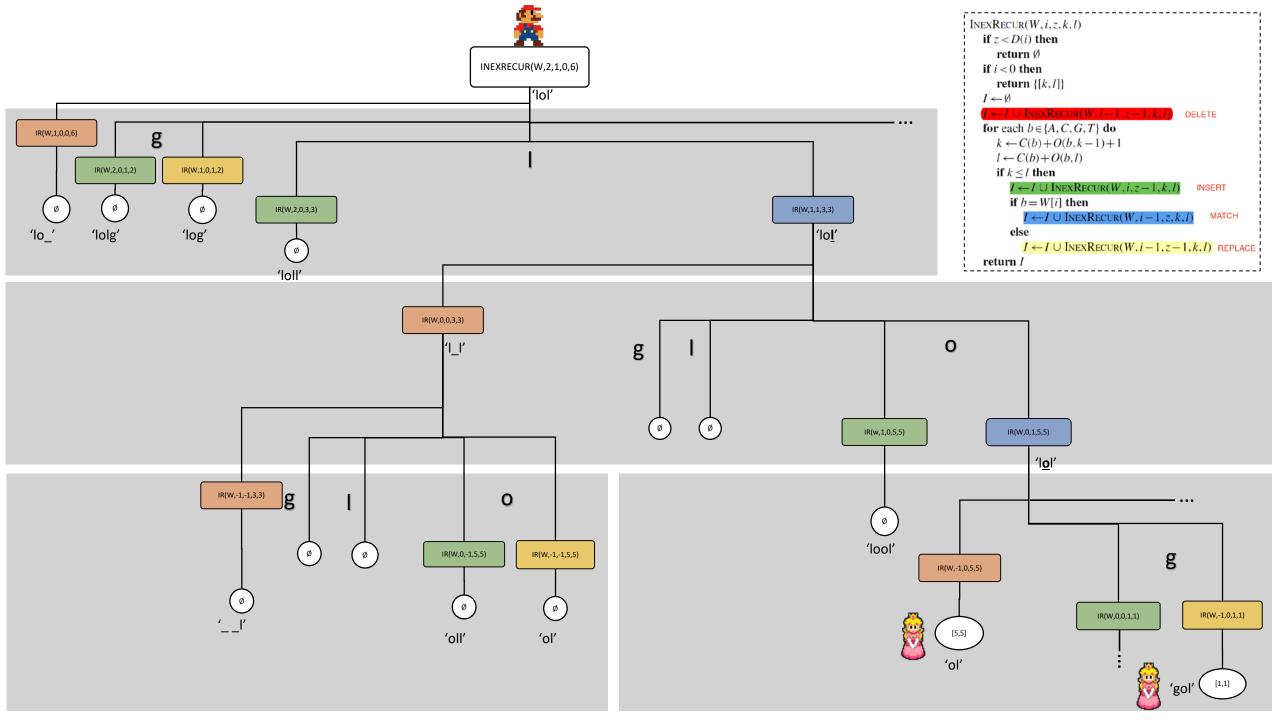








```
INEXRECUR(W, i, z, k, l)
    if z < D(i) then
       return Ø
    if i < 0 then
       return \{[k, l]\}
    I \leftarrow \emptyset
     I \leftarrow I \cup InexRecur(W, i-1, z-1, k, l) Delete
    for each b \in \{A, C, G, T\} do
       k \leftarrow C(b) + O(b, k-1) + 1
       l \leftarrow C(b) + O(b, l)
       if k \le l then
          I \leftarrow I \cup INEXRecur(W, i, z-1, k, l)
          if b = W[i] then
              I \leftarrow I \cup INEXRECUR(W, i-1, z, k, l)
                                                          MATCH
          else
              I \leftarrow I \cup InexRecur(W, i-1, z-1, k, l) REPLACE
    return I
```

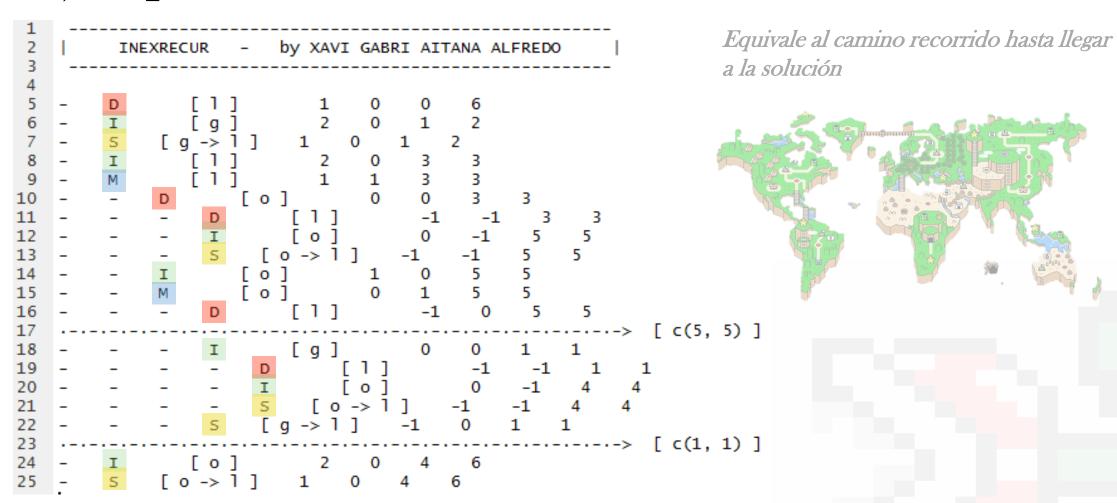


- 1. Introducción
- 2. Materiales y métodos
- Resultados
 - 4. Conclusiones
 - 5. Bibliografía



Resultados

Ejemplo de traza obtenida:



Resultados

Otras búsquedas:

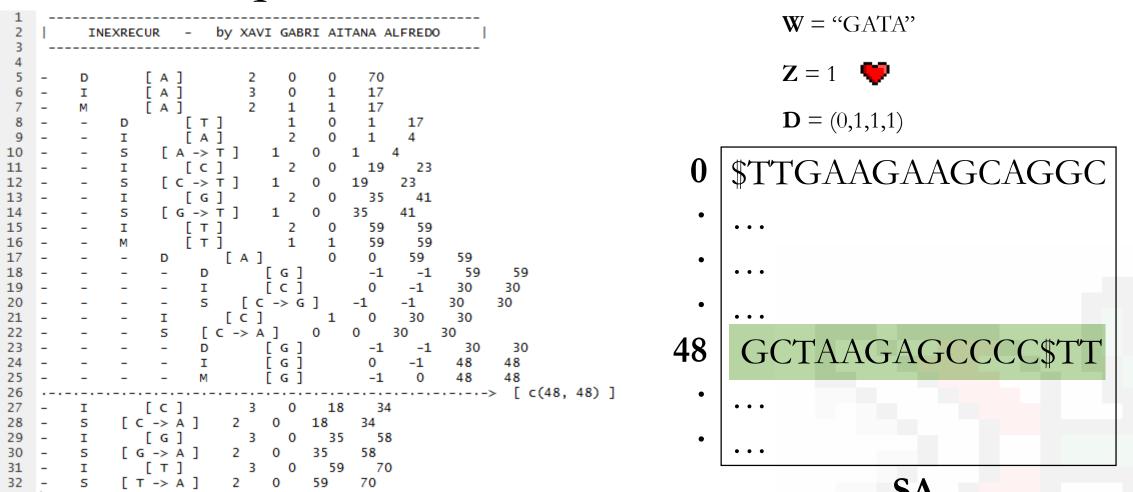
```
INEXRECUR - by XAVI GABRI AITANA ALFREDO
         [ N ]
                                    ·-·-> [ c(5, 6) ]
                               ·-·--> [ c(2, 3) ]
```

```
X = "BANANA$"
\mathbf{W} = \text{"ANA"}
\mathbf{Z} = 1 \ \mathbf{\heartsuit}
\mathbf{D} = (0,1,1)
   $BANANA
   A$BANAN
   ANA$BAN
   ANANA$B
   BANANA$
   NA$BANA
   NANA$BA
```

Resultados

Otras búsquedas:

X = "TTGAAGAAGCAGGCTGCCATGTTGCAAGCTGCCTCA TGGAGGGGGATCAGCTGCGAGGAGCTAAGAGCCCC\$"



- 1. Introducción
- 2. Materiales y métodos
- 3. Resultados
- Conclusiones
- 5. Bibliografía



Conclusiones

- Se ha conseguido implementar de manera exitosa el algoritmo recursivo InexRecur, mediante el cual conseguimos alinear una secuencia corta dentro de otra de mayor longitud, con permisividad a huecos y errores.
- Se podría implementar una aproximación a una *matriz de puntuación* según el valor en que disminuye z en cada una de las llamadas a la función.
- Como líneas futuras, se podría trabajar en la obtención de la función D, que en este caso no ha sido necesario calcular dado que disponíamos de la misma como dato de entrada.

- 1. Introducción
- 2. Materiales y métodos
- 3. Resultados
- 4. Conclusiones
- Bibliografía



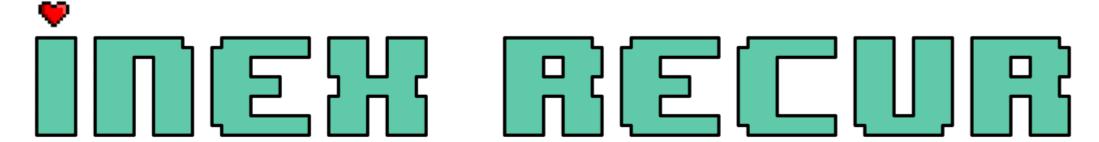
Bibliografía

Li, H. and Durbin, R. (2009). Fast and accurate short read alignment with Burrows-Wheeler transform. *Bioinformatics*, 25(14), pp.1754-1760.

JOSE GABRIEL GARCIA PARDO

ALFREDO TORREGROSA LLORET

BWA



JAUIER DE LA TORRE COSTA

AITANA PASCUAL BELDA

