Metric correlations with GC content

	PAMNet	GDT-TS	TB-MCQ	TM-score	INF	LociPARSE	BARNABA-eSCORE	cgRNASP	Clash	IDDT	Recall	RNA-BRiQ	RASP	RNArank	F1	RNA3DCNN	Precision	DFIRE	RMSD	ARES	3dRNAscore
NuFold	0.06	0.20	0.07	0.18	0.06	0.06	0.25	0.25	0.06	0.11	0.14	0.16	0.32	0.15	0.13	0.29	0.02	0.27	0.35	0.33	0.01
Alphafold3	0.01	0.13	0.38	0.01	0.01	0.16	0.22	0.20	0.04	0.20	0.01	0.26	0.32	0.04	0.03	0.26	0.09	0.27	0.26	0.56	0.25
RNAJP	0.17	0.04	0.02	0.01	0.28	0.06	0.13	0.24	0.24	0.18	0.19	0.13	0.25	0.29	0.26	0.20	0.37	0.19	0.20	0.55	0.62
SimRNA	0.19	0.05	0.02	0.17	0.11	0.27	0.25	0.29	0.39	0.11	0.16	0.37	0.33	0.02	0.23	0.22	0.27	0.32	0.09	0.33	0.44
DRfold2	0.03	0.16	0.11	0.23	0.22	0.30	0.19	0.19	0.01	0.01	0.37	0.19	0.19	0.42	0.35	0.26	0.32	0.30	0.32	0.27	0.29
DRfold	0.07	0.09	0.32	0.17	0.08	0.30	0.02	0.07	0.29	0.40	0.42	0.23	0.03	0.27	0.37	0.12	0.30	0.25	0.24	0.49	0.28
Vfold	0.02	0.40	0.01	0.39	0.46	0.02	0.11	0.04	0.05	0.39	0.30	0.34	0.02	0.19	0.46	0.09	0.64	0.08	0.26	0.38	0.27
RNAComposer	0.18	0.10	0.17	0.03	0.08	0.11	0.23	0.10	0.47	0.19	0.13	0.05	0.27	0.37	0.19	0.19	0.54	0.26	0.30	0.36	0.58
FARFAR2	0.31	0.01	0.16	0.03	0.27	0.10	0.29	0.33	0.39	0.29	0.14	0.07	0.34	0.08	0.23	0.25	0.31	0.31	0.24	0.07	0.77
DeepFoldRNA	0.22	0.11	0.04	0.26	0.26	0.12	0.21	0.21	0.04	0.30	0.19	0.26	0.31	0.23	0.24	0.32	0.29	0.28	0.18	0.44	0.54
RhoFold	0.03	0.28	0.45	0.34	0.27	0.19	0.13	0.24	0.28	0.28	0.28	0.42	0.02	0.26	0.08	0.30	0.06	0.21	0.34	0.22	0.43
3dRNA	0.35	0.17	0.24	0.01	0.18	0.33	0.17	0.20	0.15	0.20	0.18	0.23	0.21	0.41	0.11	0.34	0.00	0.27	0.27	0.51	0.53
RoseTTAFold2NA	0.13	0.11	0.17	0.04	0.03	0.09	0.39	0.30	0.11	0.11	0.04	0.21	0.44	0.35	0.25	0.40	0.45	0.40	0.44	0.32	0.73
trRosettaRNA	0.30	0.32	0.02	0.30	0.08	0.47	0.26	0.25	0.45	0.31	0.61	0.40	0.31	0.39	0.57	0.36	0.01	0.31	0.38	0.41	0.51

Absolute correlation

1

0.75

0.50

0.25

0