



Tecnológico Nacional de México Instituto Tecnológico de Tijuana

Subdirección Académica

Departamento de Sistemas y Computación

SEMESTRE:

Febrero-Julio 2021

CARRERA:

Ingeniería en Sistemas Computacionales e Ingeniería en Tecnologías de la Información y Comunicaciones

MATERIA Y SERIE:

Minería de Datos BDD-1703 TI9A

UNIDAD A EVALUAR:

Unidad IV

NOMBRE DEL TRABAJO:

Evaluación U4

Evaluación de la Unidad 4

NOMBRE Y NÚMERO DE CONTROL DE LOS INTEGRANTES:

Rodriguez Medrano Marco Antonio 17210635

NOMBRE DEL DOCENTE:

José Christian Romero Hernández





Instrucciones

Desarrolle el siguiente problema con R y RStudio para la extracción de conocimiento que el problema requiere. Implementar el modelo de agrupación K-Means con el conjunto de datos Iris.csv que se encuentra en https://github.com/jcromerohdz/iris utilizando el método kmeans() en R. Una vez que se obtenga el modelo de agrupamiento hacer el análisis.

de visualización de datos correspondiente. Al finalizar el desarrollo explicar detalladamente en qué consiste el modelo de agrupación K-Means y cuáles fueron sus observaciones en el análisis de visualización de datos.

Instrucciones de evaluación

- Tiempo de entrega 3 días
- Al terminar poner el código y la explicación en el branch correspondiente de su github así mismo realizar su explicación de la solución en su google drive.
- Finalmente defender su desarrollo en un video de 8-10 min el cual servirá para dar su calificación, este video debe subirse a youtube para ser compartido por un link público.

```
# Implementación de nuestro espacio de trabajo
setwd("C:/Users/DELL/Desktop/Semestre9/MineriaDatos/EvaluacionU4")
getwd()
#Importación del Dataset iris
dataset = read.csv('iris.csv')
#Seleccionando los datos que usaemos
dataset = dataset[1:4]
#Instalacion de la librería cluster que usaremos para encontrar
los clusters
#install.packages("cluster")
library(cluster)
# Insertamos nuestra semilla de aleatoriedad, en la función
kmeans, esto es necesario para establecer el centro,
# cuál es la cantidad de grupos que queremos y se agruparán
set.seed(101)
irisCluster <- kmeans(dataset[,1:4], center=3, nstart=20)</pre>
irisCluster
```







#Resultado

```
K-means clustering with 3 clusters of sizes 62, 38, 50
Cluster means:
 sepal_length sepal_width petal_length petal_width
                 2.748387
3.073684
                             4.393548
5.742105
     5.901613
                                         1.433871
                                         2.071053
     6.850000
     5.006000
                 3.418000
                             1.464000
                                         0.244000
Within cluster sum of squares by cluster:
[1] 39.82097 23.87947 15.24040
(between_SS / total_SS = 88.4 %)
Available components:
[1] "cluster"
                                                              "tot.withinss" "betweenss"
                  "centers"
                                 "totss"
                                               "withinss"
   "size'
                  "iter"
                                 "ifault"
```

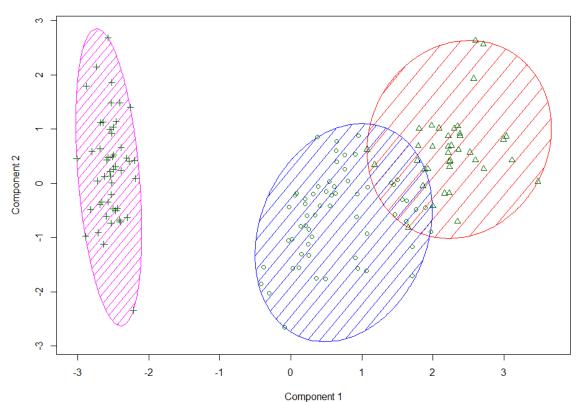
#ploteando(graficando) los clusters

library(cluster)

clusplot(iris, irisCluster\$cluster, color=T, shade=T, labels=0,
lines=0)

#Resultado

CLUSPLOT(iris)



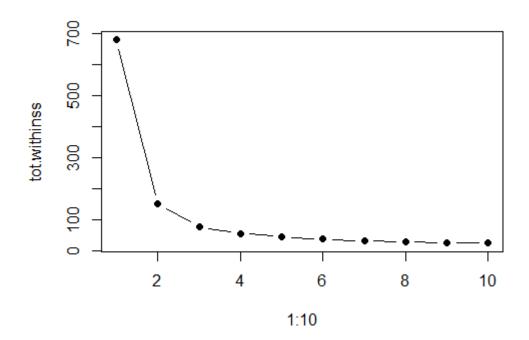
These two components explain 95.02 % of the point variability.







```
#Aplicaremos el método del codo para ver mejor la implementación
de los datos.
tot.withinss <- vector(mode="character", length=10)
for (i in 1:10){
   irisCluster <- kmeans(dataset[,1:4], center=i, nstart=20)
   tot.withinss[i] <- irisCluster$tot.withinss
}
#Visualizamos el método.
plot(1:10, tot.withinss, type="b", pch=19)
#Resultado</pre>
```



Quiero darle crédito a mi empresa; miembro del equipo Ramon Loaiza Chavez,

#porque me ayudó a resolver un problema en el programa, sin su ayuda no podría entregar esta evaluación