Отчет по заданию №1 "**Метрические алгоритмы классификации**". Алгоритм k ближайших соседей

Содержание

1	Вве	дение	:				
2	Экс	Эксперименты 2					
	2.1	Скорост	гь поиска ближайших соседей				
		2.1.1	Дизайн эксперимента:				
		2.1.2]	Результаты				
		2.1.3 I	Выводы				
	2.2	Зависим	мость точности модели от количества соседей и метрики				
		2.2.1	Дизайн эксперимента				
		2.2.2]	Результаты				
		2.2.3]	Выводы				
	2.3	Сравне	ние точности взвешенного метода и метода без весов				
		2.3.1	Дизайн эксперимента				
		2.3.2]	Результаты				
		2.3.3]	Выводы				
	2.4	Анализ	модели с лучшим качеством				
		2.4.1	Дизайн эксперимента				
		2.4.2]	Результаты				
		2.4.3]	Выводы				
	2.5	Примен	ение трансформаций к тренировочной выборке				
		2.5.1	Дизайн эксперимента				
		2.5.2]	Результаты				
		2.5.3]	Выводы				
	2.6	Примен	пение трансформаций к тестовой выборке				
		2.6.1	Дизайн эксперимента				
		2.6.2]	Результаты				
		2.6.3 1	Выводы				
3	Cpa	внение	экспериментов 5 и 6				
4	Доп	олнени	re 8				
	4.1	Adversa	rial validation				
	4.2	Новые	метрики расстояния				
	4.3		метрики качества				
	4.4	Ансамб	ль алгоритмов				

1 Введение

В этом документе представлен отчет о проделанных экспериментах по практическому заданию N1, анализ результатов.

Краткое описание задания: необходимо реализовать алгоритмы k ближайших соседей и кроссвалидации, провести эксперименты с датасетом изображений цифр **MNIST**.

2 Эксперименты

В этом блоке приведены все обязательные эксперименты, которые изложены в формулировке задания.

2.1 Скорость поиска ближайших соседей

2.1.1 Дизайн эксперимента:

Были протестированы 4 алгоритма поиска 5 ближайших соседей с разными размерами признакового пространства:

Размеры признакового пространства:

		10
•	$\mathrm{wmy_own}$	• 10

«brute» «kd tree»

• «ball_tree» • 100

2.1.2 Результаты

Алгоритмы:

Подробные результаты экспериментов приведены в таблице 1:

Таблица 1: Результаты эксперимента №1

размерность	алгоритм	время работы
10	my_own	68.07
	brute	7.84
	kd_tree	0.44
	ball_tree	1.72
20	my_own	76.82
	brute	7.95
	kd_tree	1.40
	ball_tree	6.63
100	my_own	78.31
	brute	8.28
	kd_tree	82.76
	ball_tree	97.67

2.1.3 Выводы

Самым стабильным алгоритмом оказался «brute», который практически не деградирует с ростом размерности. Как и ожидалось, алгоритмы, реализованные на деревьях, сильно замедлились на признаковом пространстве размерности 100.

2.2 Зависимость точности модели от количества соседей и метрики

2.2.1 Дизайн эксперимента

В этом эксперименте была рассмотрена зависимость точности и времени работы модели k ближай-ших соседей от следующих параметров на 3 валидационных фолдах:

- k от 1 до 10 (только влияние на точность).
- Евклидова или косинусная метрика.

2.2.2 Результаты

Зависимость средней точности от числа соседей для различных метрик приведена на графике 1 Измерения скорости для евлидовой и косинусной метрик приведены в таблице 2.

Рис. 1:

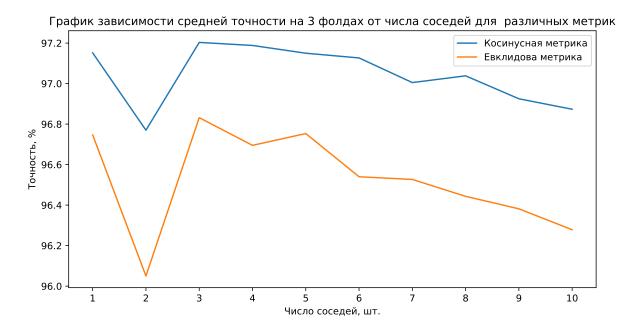


Таблица 2: Скорость работы метрик (измеренная при кросс-валидации на 3 фолдах)

метрика	время
евклидова	103.42
косинусная	101.69

2.2.3 Выводы

Из графика на Рис. 1 видно, что:

- 1. Наибольшая точность алгоритма достигается при k=3 для обеих метрик.
- 2. С увеличением количества соседей (при $k \ge 5$) точность начинает убывать.
- 3. Точность алгоритма с косинусной метрикой превосходит точность алгоритма с евклидовой метрикой $\forall k \in \{1, \dots, 10\}$

Из таблицы 2 видно, что скорость работы алгоритмов практически не зависит от выбора данных метрик.

2.3 Сравнение точности взвешенного метода и метода без весов

2.3.1 Дизайн эксперимента

Был рассмотрен метод k ближайших соседей «brute» с косинусным расстоянием $\forall k \in \{1, \dots, 10\}$ в двух случаях:

- 1. Взвешенный метод
- 2. Метод без весов

2.3.2 Результаты

Результаты эксперимента №3 приведены на графике 2

Рис. 2:



2.3.3 Выводы

По графику 2 можно заметить, что взвешенный метод лучше по точности во всех случаях, кроме k=1, что является логичным, так как при предсказании по одному соседу веса бесполезны.

5

Число соседей, шт.

6

8

10

2.4 Анализ модели с лучшим качеством

3

4

2.4.1 Дизайн эксперимента

1

Применим лучший алгоритм («brute», косинусная метрика, с весами) к исходной обучающей и тестовой выборке и проанализируем матрицу ошибок (confusion matrix).

2.4.2 Результаты

Значения точности лучшего алгоритма на кросс-валидации, на тестовой выборке и значение точности лучшего алгоритма из интернета представлены в таблице 3. Матрица ошибок представлена на рисунке 3, Визуализированные объекты – на рисунке 4

2.4.3 Выводы

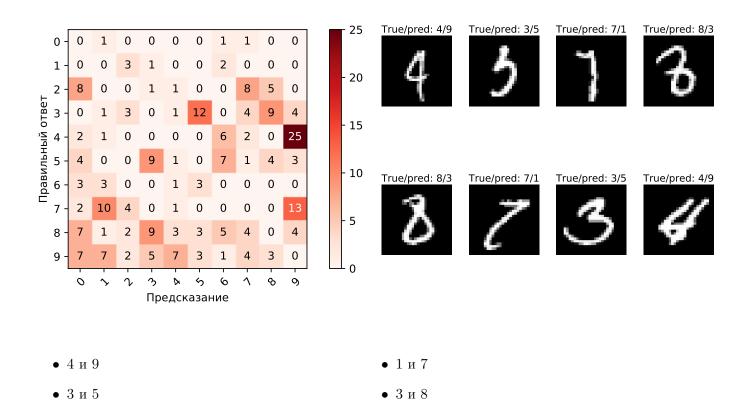
Можно увидеть, что самые частые ошибки происходят на парах цифр, представленных ниже:

Таблина 3:

алгоритм	условия	точность
реализованный по заданию	кросс-валидация	0.9741
	тестовая выборка	0.9752
сверточная нейронная сеть	тестовая выборка	0.9979

Рис. 3: Матрица ошибок для эксперимента №4

Рис. 4: Цифры с ошибками в предсказаниях



Эти пары похожи по написанию, поэтому алгоритму тяжелее отличить их друг от друга. Рассмотрим теперь объекты, на которых произошли ошибки. У них можно заметить характерные особенности:

- 1. Засечки
- 2. Крючки
- 3. Отсутствие некоторых частей

В представленых случаях видно, что написаннные цифры немного деформированы и похожи на другие в некоторых чертах. Эти особенности затрудняют классификацию для алгоритма.

2.5 Применение трансформаций к тренировочной выборке

2.5.1 Дизайн эксперимента

Пусть у нас есть m элементарных преобразований: $\phi_j(x): \mathbb{R}^d \to \mathbb{R}^d, j \in \{1, \dots, m\}$, введем $\phi_0(x) = x$ Создадим новую обучающую выборку:

$$X_{new} = \left(\bigcup_{j=0}^{m} (\phi_j(x_i), y_i)_{i=1}^l\right)$$

Рассматриваемые преобразования¹:

- Поворот на: $5, 10, 15^{\circ}$ (в каждую из двух сторон).
- Смещение на 1, 2, 3 рх (по каждой из двух размерностей).
- Дисперсия фильтра Гаусса² $\sigma^2 = 0.5, 1, 1.5.$

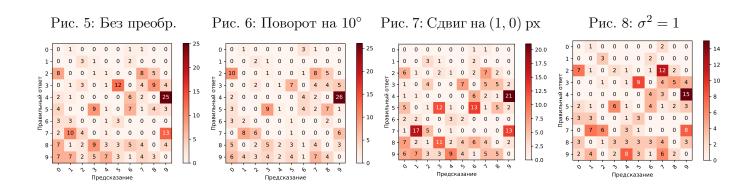
То есть применение конкретного преобразования позволяет нам расширить тренировочную выборку в 2 pasa^3 .

2.5.2 Результаты

Результаты 4 приведены в таблице 4 (только по 3 лучших параметра для каждого преобразования) и на рисунках 5, 6, 7, 8 представлены матрицы ошибок.

Таблица 4: Точность в зависимости от преобразования

тип преобразования	параметр	точность
отсутствует	_	0.945
поворот	5	0.954
	10	0.956
	15	0.954
сдвиг	(1, -1)	0.952
	(1, 0)	0.953
	(0,1)	0.952
размытие	0.5	0.957
	1.0	0.960
	1.5	0.959



2.5.3 Выводы

Можно отметить ряд фактов, которые видны из матриц ошибок:

1. Поворот позволяет алгоритму меньше путать цифры:

• 3 c 5

 $^{^{1}}$ Для трансформаций тренировочной выборки использовалась библиотека **scipy**.

²Важно заметить, что функция scipy.ndimage.gaussian filter принимает в качестве аргумента σ , а не σ^2 .

³Замечание: если размножить тренировочную выборку до вызова функции кросс-валидации, то точность сильно возрастет (особенно при взвешенном методе). Это возникает из-за того, что преобразованные объекты остаются очень близкими к исходным. Чтобы избежать этого — нужно размножать каждый тренировочный фолд отдельно, а тестовый не трогать.

 $^{^4}$ Кросс-валидация проводилась на первых 10000 объектах из тренировочной выборки с целью экономии времени.

- 7 c 9
- 3 c 8
- 2. Сдвиг позволяет алгоритму меньше путать цифры:
 - 4 c 9
 - 3 c 8
- 3. Размытие Гаусса позволяет алгоритму меньше путать цифры:
 - 4 c 9
 - 7 c 9

2.6 Применение трансформаций к тестовой выборке

2.6.1 Дизайн эксперимента

Этот способ основан на преобразовании объектов тестовой выборки. Для каждого объекта тестовой выборки x' получим множество объектов $\Phi(x') = \{\phi_j(x')|j \in \{1,\ldots,m\}\}$. Введем «расстояние» от множества $\Phi(x')$ до объекта обучающей выборки x:

$$\rho(x, \Phi(x')) = \min_{j} \{ \rho(x, \phi_{j}(x') | j \in \{1, \dots, m\}) \}$$

Вычисление k ближайших соседей для $\Phi(x')$ можно организовать следующим образом:

- 1. Для каждого объекта из $\Phi(x')$ найдем него k ближайших соседей из обучающей выборки X
- 2. Среди всех найденных соседей выберем k объектов с наименьшим расстоянием По полученному множеству значений ближайших соседей вычисляется ответ алгоритма.

2.6.2 Результаты

Результаты приведены в таблице 5 (только по 3 лучших параметра для каждого преобразования) и на рисунках 9, 10, 11, 12 приведены матрицы ошибок.

Таблица 5: Точность в зависимости от преобразования

тип преобразования	параметр	точность
отсутствует	_	0.972
поворот	-15	0.976
	-10	0.977
	-5	0.974
сдвиг	(1, -1)	0.977
	(1, 0)	0.978
	(3, -1)	0.976
размытие	0.5	0.972
	1.0	0.963
	1.5	0.951

2.6.3 Выводы

Поворот на 10° против часовой стрелки позволяет избавиться от значительной части ошибок, при которых модель путает $3 \ c$ 5.

Сдвиг на (1, 0) рх убирает ошибки, связанные с идентификацией 8 и 0, 9 и 7.

Размытие Гаусса с $\sigma^2 = 0.5$ хорошо справляется с ошибками вида 3-5, но очень плохо себя показало с 4-9. Этому есть объяснение – 4 и 9 и без преобразований очень похожи, а после размытия Гаусса эти цифры становятся практически не различимы

Рис. 9: Без преобразований и разований и

3 Сравнение экспериментов 5 и 6

Данные эксперименты можно сравнить по двум характеристикам:

- Затрачиваемая память:
 В условиях задачи тестовая выборка в несколько раз меньше, чем тренировочная, поэтому эффективнее увеличивать размеры именно теста.
- Точность алгоритма: Результаты измерений точности приведены в таблице 6

 Таблица 6:

 номер эксперимента
 точность

 5
 0.984

 6
 0.976

4 Дополнение

4.1 Adversarial validation

Рассмотрим альтернативный способ валидации. Основная идея заключается в следующем: нужно добиться того, чтобы алгоритм не смог отличать тренировочную выборку от тестовой.

Для реализации этого нужно сформировать новую выборку $X = X_{train} \bigcup X_{test}$, где X_{train}, X_{test} – объекты тренировочной и тестовой выборок соответственно (без меток классов). Поставим каждому объекту из X_{train} в соответствие метку «0», а каждому из X_{test} – «1». Таким образом получена новая тренировочная выборка, к которой можно применить метод кросс-валидации для оценки модели.

Выбор лучших параметров происходит на основе предсказаний модели для каждого фолда. За метрику качества удобнее всего брать площадь под кривой ошибок (AUC ROC).

Пусть даны две модели: M_1 и M_2 ; auc_roc_1 , и auc_roc_2 – значения площадей под кривой ошибок, усредненные по фолдам для каждой из моделей соответственно. Тогда модель M_1 считается лучше модели M_2 , если выполнено следующее неравенство:

$$|auc \ roc_1 - 0.5| < |auc \ roc_2 - 0.5|$$

С помощью представленного способа валидации будет более результативный отбор параметров аугментаций из экспериментов 2.5 и 2.6, так как он (способ) позволяет минимизировать отличия между тренировочной и тестовой выборок.

Но есть и минус у **Adversarial validation** – обобщающая способность модели, настроенной по этому методу будет ниже, чем у модели, настроенной с помощью стандартного метода кросс-валидации, так как в первом случае она (первая модель) учитывает структуру тестовой выборки. Если новая тестовая выборка имеет совсем другое распределение, то первая модель с большей вероятностью выдаст качество хуже, чем вторая.

4.2 Новые метрики расстояния

Были проведены эксперименты на лучшей модели 4-х ближайших соседей с весами на различных метриках 5 :

- Расстояние Чебышева: $\rho(x,y) = \max_{i \in \{1,...,d\}} |x_i y_i|$, где $x,y \in \mathbb{R}^d$.
- Манхэттенское расстояние: $\rho(x,y) = \sum_{i=1}^d |x_i y_i|$, где $x,y \in \mathbb{R}^d$.
- Расстояние Минковского: $\rho(x,y) = \left(\sum_{i=1}^d |x_i-y_i|^p\right)^{\frac{1}{p}}$, где $x,y\in\mathbb{R}^d,p\in\mathbb{R}$.

Результаты экспериментов приведены в таблице 7 (результаты для евклидовой и косинусной метрик приведены для сравнения):

Таблица 7:

метрика	точность	
Еквлидова	0.9752	
Косинусная	0.9714	
Чебышева	0.8265	
Манхэттенское расстояние	0.9659	
Расстояние Минсковского, р=3	0.9540	

4.3 Новые метрики качества

Были реализованы следующие метрики качества 6 алгоритма:

• Precision: $\frac{TP}{TP+FP}$

• Recall: $\frac{TP}{TP+FN}$

• Specifity: $\frac{TN}{TN+FP}$

• F1 Score: $\frac{2 \times Recall \times Precision}{Recall + Precision}$

Пояснение обозначений: допустим, что решается задача многоклассовой классификации, где $Y = \{y_1, \ldots, y_m\}$ — множество уникальных классов. Каждая из представленных выше метрик считается отдельно $\forall y_j, j \in 1, \ldots, m$. Рассмотрим их вычесление для конкретного класса y_j :

- $\mathbf{TP}(\mathbf{True\ Positive})$ количество объектов класса y_j , которым алгоритм поставил метку y_j
- FP(False Positive) количество объектов, не принадлежащих классу y_j , которым алгоритм поставил метку y_j
- FN(False Negative) количество объектов класса y_j , которым алгоритм поставил метку, отличную от y_j
- TN(True Negative) количество объектов, не принадлежащих классу y_j , которым алгоритм поставил метку, отличную от y_j

⁵Все метрики, описанные ниже, реализованы в модуле distances.py

⁶Все метрики качества, описанные ниже, реализованы в модуле **metrics.py**.

4.4 Ансамбль алгоритмов

В данной части реализован простейший ансамбль алгоритмов⁷ – пусть имеется множество моделей M_1, \ldots, M_t и соответсвенно их предсказания $pred_1, \ldots, pred_t$ на тестовом объекте $x \in X_{test}$, где $X_{test} \in \mathbb{R}^{q \times d}$. Тогда предсказание ансабля моделей для объекта x определяется следующим образом:

$$pred(x) = \underset{c}{\arg\max} g_c(x)$$

, где $g_c(x) = \sum_{m=1}^t w_k \times \mathbb{1}[pred_m = c], c = 1, 2, \dots, C$, где w_k - некоторые веса (например, прямо пропорциональные качеству на кросс-валидации), C - количество классов.

В результате перебора различных вариаций ансамбля моделей удалось улучшить точность (accuracy):

количество моделей	точность
1	0.9843
4	0.9844

Анализ результата:

Ансамбль моделей помог улучшить точность, но эта разница совсем маленькая, а для её получения потребовалось в 4 раза больше времени. В рамках данной задачи лучше использовать одну модель.

 $^{^7}$ Реализован в модуле **ensemble.py**