## Algoritmo Manual

Se implementó un algoritmo que calcula un modelo de **regresión lineal múltiple** que se adecué a las muestras presentadas, utilizando el **método del gradiente**.

## **Muestras**

En el mismo archivo dónde se encuentra la implementación está la función *generate\_samples(m)*, que genera un *m* número de muestras, colocando los valores de las variables independientes en una matriz, los valores de la variable dependiente en un arreglo y regresando ambas en un *return*.

La función **generate\_samples(m)** por defecto representa la siguiente función lineal:

$$f(x) = 2x_1 + 3x_2 + \frac{9}{2}x_3 + 10$$

Para conseguir un **modelo imperfecto** se suma una cantidad aleatoria de **ruido** a cada valor generado de la **variable dependiente**. **El ruido** es número decimal aleatorio en el **rango (-2,2)** incluyendo ambos límites. Cada llamada a la función crea un **set de muestras similar**, pero no idéntico en la gran mayoría de ocasiones.

## Preparación de los datos

Se realizan 5 iteraciones del algoritmo para un mismo *dataset* en cada ejecución del archivo. Para cada iteración se toman distintos valores para los sets de entrenamiento y pruebas, utilizando el %80 de las muestras para entrenamiento y %20 para pruebas. Véase en la siguiente fracción de código:

```
for i in range(5):
    print('\nIteration: ',i+1, '\n')
    x_train = []; y_train = []; x_test = []; y_test = []

# fill the train/test data sets with random samples
for j in range(len(samples)):
    n = random.randint(0,m-1)
    # Training: %80 of samples
    if(j <= len(samples)*.8 ):
        #train data set
        x_train.append(samples[n])
        y_train.append(y[n])

# Pruebas: %20 of samples
    else:
        x_test.append(samples[n])
        y_test.append(y[n])</pre>
```

## Análisis de precisión

El número de muestras (m) y el tamaño de paso (<u>alpha</u>) están correlacionadas negativamente para la implementación de este algoritmo. A medida que se incrementa el número de muestras, la alfa puede quedar obsoleta si no se disminuye, causando errores en los cálculos de los coeficientes propuestos.

Para:

```
m = 10
alpha = .01
```

Se obtiene:

```
final params: [2.6988544300535824, 5.767260468248669, 3.068406038195087, 0.3695516081415076]
Average square error: 2.5045096101200515
Estimated Y for [1, 4, 2, 8] : 34.86112124457049
```

Para:

```
m = 50
alpha = .01
```

Se obtiene:

```
final params: [nan, nan, nan, nan]
Average square error: nan
Estimated Y for [1, 4, 2, 8] : nan
```

Nótese que en ambas en ambas implementaciones se utiliza el tamaño de paso (*alpha*) de .01, pero se incrementa de 10 muestras a 50 muestras. En la segunda ejecución hubo errores en los cálculos.

Para:

```
m = 50
alpha = .0001
```

Se obtiene:

```
final params: [0.8266065493570572, 4.046385024499528, 3.219778475142468, 2.3931719257854183] Average square error: 2.2186943014535365 Estimated Y for [1, 4, 2, 8] : 42.59707900392345
```

Nótese cómo ahora que el *alpha* se disminuyó a .0001 y se mantuvo el mismo número de muestras de 50. En esta ocasión los resultados son calculados exitosamente y el error disminuye en comparación de tener 10 muestras, no obstante, esto podría atribuirse cierta medida a la aleatoriedad en la generación de las muestras, ya que estas cambian con cada ejecución del archivo. Es una mejor opción únicamente calcular las muestras una vez, y mantener los datos en un *archivo csv* o similar.

A pesar de la aleatoriedad, la mejora del modelo según su número de muestras es visible.

```
56 m = 100

57 alpha = .0001

final params: [0.22138342441162592, 3.4250780566421852, 3.2036946322305573, 2.982311207818931]

Average square error: 0.3300186643259632

Estimated Y for [1, 4, 2, 8] : 44.18757457799293
```