# Tarefa-02. MO432.

# Patrick de Carvalho Tavares Rezende Ferreira - 175480

### In [1]:

```
import random
import numpy as np
from pandas import read_csv
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor, GradientBoostingRegressor
from sklearn.linear_model import LinearRegression, Ridge, Lasso
from sklearn.metrics import make_scorer, mean_squared_error, mean_absolute_error
from sklearn.model_selection import ShuffleSplit, cross_validate, RandomizedSear
chCV, GridSearchCV
from sklearn.neighbors import KNeighborsRegressor
from sklearn.neural_network import MLPRegressor
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.svm import SVR
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
%matplotlib inline
import warnings; warnings.simplefilter('ignore')
```

### Leitura dos dados

Abaixo realizamos a leitura dos dados de entrada a partir do arquivo CSV, utilizando a API do "pandas". São removidas as colunas "Next\_Tmin" e "Date", conforme solicitado no roteiro, além de todas as linhas que contenham valores faltantes ("nan").

Em seguida, separamos os dados de entrada da regressão ("X\_data") e os dados alvo ("y\_data"), fazendo centering e scaling na entrada em seguida.

### In [2]:

```
# Obtem os dados do arquivo CSV.
df = read_csv("Bias_correction_ucl.csv")
# Elimina a coluna Next_Tmin.
df = df.drop(columns=["Next_Tmin"])
# Elimina a coluna Date
df = df.drop(columns=["Date"])
# Elimina todas as linhas que contenham NAN (valor faltante).
df = df.dropna(axis=0, how='any')

# Passando os dados para um dataset numpy
y_data = df["Next_Tmax"].to_numpy()
X_data = df.drop(columns="Next_Tmax").to_numpy()

# Scaling dos dados em X.
scaler = StandardScaler()
scaler.fit(X_data)
X_data_scaled = scaler.transform(X_data)
```

## Cross validation, medida de erro e busca de hiperparâmetros.

Usamos RMSE como medida de erro dos algoritmos de regressão, utilizando a repetição em 5-fold e buscando os hiperparâmetros utilizando o *random search* ou o *grid search* do pacote sklearn, a depender do exercício. Para comparar com os valores obtidos com o algoritmo padrão do sklearn, utilizamos o método *cross-validation*, que utiliza a validação cruzada sem desempenhar busca por qualquer parâmetro.

# Regressão Linear

Abaixo realizamos a regressão linear por método dos mínimos quadrados, que não aplica hiperparâmetros e é o método de regressão mais rápido deste roteiro. O erro RMSE médio das 5 repetições (folds) é de 1.4668565460537988°C.

### In [3]:

```
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = LinearRegression()
cv results = \
   cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
               cv=shuffle splitter,
               scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                       "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\n-----")
print("\nRMSE para cada repetição: \n", (-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2))
print("\n\nRMSE médio: ", ((-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2)).mean())
-----LINEAR REGRESSION------
RMSE para cada repetição:
[1.49934913 1.47853876 1.45404056 1.4510827 1.45127158]
RMSE médio: 1.4668565460537988
```

# Regressão linear com regularização L2

Realizamos a regressão linear com regularização por norma L2 (Ridge regression) utilizando a API de regressores do sklearn buscando o hiperparâmetro alpha de  $10^{-3}\,$  a  $10^3$ , uniforme no expoente. O melhor RMSE obtido na média da validação cruzada é de 1.466856552684352°C, para  $\alpha=0.01$ , contra RMSE de 1.4668660324711131°C utilizando o alpha unitário default do sklearn. A diferença é pequena, mas o melhor resultado foi obtido com o menor valor de alpha possível na distribuição gerada, o que indica que este modelo não sofre de significativo overfitting, o que já se espera pelo fato de não utilizar funções não lineares.

#### In [4]:

```
# =======L2-RIDGE-REGRESSION=====================
np.random.seed(1234)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente. Alguns sao uniformes nos
# EXPOENTES.
alpha = 10 ** np.random.uniform(-3, 3, 10)
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'alpha': alpha}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = Ridge()
cv results = \
    RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                       param distributions=parametros,
                       verbose=1.
                       n jobs=4,
                       scoring="neg root mean squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----LINEAR REGRESSION L2------
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
# Deafult do sklearn. Coloquei uma lista de 10 parametros iguais so pra nao dar
warning, performance nao eh critico aqui
alpha = [1.0] * 10
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'alpha': alpha}
shuffle_splitter = ShuffleSplit(n_splits=5, test_size=0.3, random_state=1234)
regressor = Ridge()
cv results = \
    RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle_splitter,
                      param distributions=parametros,
                       verbose=1,
                       n jobs=4,
                       scoring="neg root mean squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\nScore RMSE default do sklearn: \n", -cv_results.best_score_)
```

```
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
[Parallel(n jobs=4)]: Done 50 out of 50 | elapsed:
                                                     1.0s finishe
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
-----LINEAR REGRESSION L2-----
Melhor conjunto de parâmetros:
 Ridge(alpha=0.014096675490461206)
Melhor error score:
 1.46685667600003
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
Score RMSE default do sklearn:
 1.4668660324711131
[Parallel(n jobs=4)]: Done 50 out of 50 | elapsed: 0.2s finishe
d
```

## Regressão linear com regularização L1

Realizamos a regressão linear com regularização por norma L1 (Lasso regression) utilizando a API de regressores do sklearn buscando o hiperparâmetro alpha de  $10^{-3}\,$  a  $10^3$ , uniforme no expoente. O melhor RMSE obtido na média da validação cruzada é de 1.4668877424692912°C, para  $\alpha=0.01$ , contra RMSE de 1.9815798242208555°C utilizando o alpha unitário default do sklearn. A diferença é de mais de 30%, e o melhor resultado foi obtido com o menor valor de alpha possível na distribuição gerada, o que indica que este modelo não sofre de significativo overfitting, o que já se espera pelo fato de não utilizar funções não lineares. Além disso, a diferença entre o modelo com melhor resultado (baixa regularização) contra o default (maior peso na regularização), indica que a norma L1 prejudica o aprendizado neste caso, provavelmente reduzindo drasticamente o peso sobre importantes dados de entrada.

#### In [5]:

```
# =======L1-LASSO-REGRESSION====================
np.random.seed(1234)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente. Alguns sao uniformes nos
# EXPOENTES.
alpha = 10 ** np.random.uniform(-3, 3, 10)
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'alpha': alpha}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = Lasso()
cv results = \
    RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                       param distributions=parametros,
                       verbose=1.
                       n jobs=4,
                       scoring="neg root mean squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----LINEAR REGRESSION L1------
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
# Deafult do sklearn. Coloquei uma lista de 10 parametros iguais so pra nao dar
warning, performance nao eh critico aqui
alpha = [1.0] * 10
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'alpha': alpha}
shuffle_splitter = ShuffleSplit(n_splits=5, test_size=0.3, random_state=1234)
regressor = Lasso()
cv results = \
    RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle_splitter,
                      param distributions=parametros,
                       verbose=1,
                       n jobs=4,
                       scoring="neg root mean squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\nScore RMSE default do sklearn: \n", -cv results.best score )
```

```
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
[Parallel(n jobs=4)]: Done 50 out of 50 | elapsed:
                                                     0.2s finishe
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
-----LINEAR REGRESSION L1------
Melhor conjunto de parâmetros:
 Lasso(alpha=0.014096675490461206)
Melhor error score:
 1.469371027318834
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
Score RMSE default do sklearn:
 1.9815798242208555
[Parallel(n jobs=4)]: Done 50 out of 50 | elapsed: 0.2s finishe
d
```

#### **SVR Linear**

A busca por hiperparâmetros utilizando SVR com ativação linear retornou um RMSE de 1.4556835168247064°C, para  $\epsilon=0.1$  e C=5.46874897339475, contra RMSE de 1.4713019150729336 utilizando os parâmetros default. Estes são valores mutio próximos aos obtidos pela regressão linear comum e descartam a utilização do SVR com ativação Linear para este tipo de problema, já que sua execução levou cerca de 2h, contra um resultado quase instantâneo da regressão linear.

#### In [6]:

```
# ======SVR-SVM-LINEAR========
np.random.seed(3333)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente. Alguns sao uniformes nos
# EXPOENTES.
c = 2 ** np.random.uniform(-5, 15, 10)
epsilon = np.array(random.choices([0.1, 0.3], k=10))
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'C': c, 'epsilon': epsilon}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=3333)
regressor = SVR(max iter=-1, cache size=7000, kernel="linear")
cv results = \
   RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                      param distributions=parametros,
                      verbose=1,
                      n jobs=4,
                      scoring="neg_root_mean_squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----")
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = SVR(max iter=-1, cache size=7000, kernel="linear")
cv results = \
   cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
                  cv=shuffle splitter,
                  scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                           "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\nScore RMSE parâmetros default: ", ((-cv_results["test_MSE"]) ** (1 / 2
)).mean())
```

```
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits

[Parallel(n_jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo rkers.

[Parallel(n_jobs=4)]: Done 42 tasks | elapsed: 64.0min

[Parallel(n_jobs=4)]: Done 50 out of 50 | elapsed: 73.9min finishe d

------SVR-SVM-LINEAR------

Melhor conjunto de parâmetros:

SVR(C=5.46874897339475, cache_size=7000, kernel='linear')

Melhor error score:

1.4556835168247064

Score RMSE parâmetros default: 1.4713019150729336
```

### **SVR com kernel RBF**

Este foi o regressor que obteve o melhor RMSE do roteiro, sendo de  $0.9407269250783268^{\circ}$ C para C=5.46874897339475,  $\varepsilon=0.1$  e  $\gamma=0.08185402239753949$ , contra RMSE de  $1.193287479822758^{\circ}$ C para os parâmetros default do sklearn. O tempo de treinamento para convergir é elevado, sendo que o processo de busca levou cerca de 2h, indicando que este método vale a pena se houver necessidade de um desempenho extremamente elevado e houver tempo disponível.

#### In [7]:

```
# =======SVR-SVM-RBF======
np.random.seed(3333)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente. Alguns sao uniformes nos
# EXPOENTES.
c = 2 ** np.random.uniform(-5, 15, 10)
gamma = 2 ** np.random.uniform(-9, 3, 10)
epsilon = np.array(random.choices([0.1, 0.3], k=10))
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'C': c, 'gamma': gamma, 'epsilon': epsilon}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=3333)
regressor = SVR(max_iter=-1, cache size=7000, kernel="rbf")
cv results = \
   RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                      param distributions=parametros,
                      verbose=1.
                      n jobs=4,
                      scoring="neg root mean squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----")
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = SVR(max iter=-1, cache size=7000, kernel="rbf")
cv results = \
   cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
                  cv=shuffle splitter,
                  scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                           "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\nScore RMSE parâmetros default: ", ((-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2
)).mean())
```

```
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                          42 tasks
                                        | elapsed:
                                                    1.7min
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                           50 out of
                                     50 | elapsed:
                                                    2.0min finishe
d
-----SVR-SVM-RBF-----
Melhor conjunto de parâmetros:
 SVR(C=5.46874897339475, cache size=7000, gamma=0.08185402239753949)
Melhor error score:
 0.9407269250783268
```

Score RMSE parâmetros default: 1.193287479822758

### **KNN**

Na célula abaixo, realizamos a regressão por meio do "*K-nearest neighbors*" regressor, que seleciona os "k" valores mais próximos do dado a ser amostrado dentre os dados passados para aprendizado e retorna uma média que pode ser ponderada em função da distância de cada um. Nota-se que o erro obtido pelo melhor parâmetro encontrado (k=192 vizinhos) é de 1.740118737742985°C, enquanto que o erro RMSE dos parâmetros default do sklearn foi de 1.2702952951681985°C. Isto provavelmente se deve ao fato que o melhor valor para "k" seria um número pequeno, mas como amostramos apenas 10 números aleatórios entre 1 e 1000 para "k", provavelmente não obtivemos um valor de vizinhos que superasse o default do método. Uma sugestão é fazer uma busca refinada entre k=5 (default) e k=192 (melhor do random search).

#### In [8]:

```
# ======KNeighborsRegressor======
np.random.seed(1234)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente.
n neighbors = np.random.uniform(1, 1000, 10).astype("int32")
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'n neighbors': n neighbors}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = KNeighborsRegressor()
cv results = \
   RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                      param distributions=parametros,
                      verbose=1.
                      n jobs=4,
                      scoring="neg_root_mean_squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----")
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = KNeighborsRegressor()
cv results = \
   cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
                  cv=shuffle splitter,
                  scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                           "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\nScore RMSE parâmetros default: ", ((-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2
)).mean())
```

```
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                           42 tasks
                                        | elapsed:
                                                     17.9s
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                           50 out of
                                     50 | elapsed:
                                                     21.3s finishe
d
------KNeighborsRegressor------
Melhor conjunto de parâmetros:
KNeighborsRegressor(n neighbors=192)
Melhor error score:
 1.740118737742985
```

Score RMSE parâmetros default: 1.2702952951681985

### **MLP**

Utilizando a MLP para regressão, fica clara a atuação do teorema da aproximação universal, que prevê que uma MLP com uma única camada oculta é capaz de aproximar qualquer função contínua se forem fornecidos suficientes neurônios para a camada oculta, bem como épocas ou iterações do treino. Isto se mostra no fato que o regressor encontrou que 20 (máximo de) neurônios oferecidos para a camada oculta durante o treinamento produzia a melhor RMSE, de 1.9564301625134963°C, enquanto que o default do sklearn produziu uma RMSE ainda melhor, de 1.2823751962533572°C, por utilizar 100 neurônios na camada oculta.

#### In [9]:

```
# =======MLPRegressor======
np.random.seed(1234)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente.
hidden layer sizes = np.array(range(5, 21, 3))
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'hidden layer sizes': hidden layer sizes}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = MLPRegressor()
cv results = \
    RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                      param distributions=parametros,
                      verbose=1,
                      n jobs=4,
                      scoring="neg_root_mean_squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----")
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = MLPRegressor()
cv results = \
    cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
                  cv=shuffle splitter,
                  scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                           "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\nScore RMSE parâmetros default: ", ((-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2
)).mean())
Fitting 5 folds for each of 6 candidates, totalling 30 fits
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
[Parallel(n jobs=4)]: Done 30 out of 30 | elapsed: 27.9s finishe
------MLPRegressor-----
Melhor conjunto de parâmetros:
MLPRegressor(hidden layer sizes=20)
Melhor error score:
 1.9564301625134963
Score RMSE parâmetros default: 1.2823751962533572
```

## Árvore de decisão

Ao se utilizar uma única árvore de decisão com prunning variável (ccp\_alpha é o hiperparâmetro sendo buscado), obtivemos 1.4868828491655717°C como RMSE do melhor ccp\_alpha, sendo este de 0.007660778015155692. O resultado foi melhor do que o default do sklearn, que obteve RMSE de 1.5348492681744115°C com ccp\_alpha de zero, ou seja, sem prunning.

#### In [10]:

```
# ======DecisionTreeRegressor================================
np.random.seed(1234)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente.
ccp alpha = np.random.uniform(0, 0.04, 10)
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'ccp alpha': ccp alpha}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = DecisionTreeRegressor()
cv results = \
   RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                      param distributions=parametros,
                      verbose=1.
                      n jobs=4,
                      scoring="neg_root_mean_squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----")
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = DecisionTreeRegressor()
cv results = \
   cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
                  cv=shuffle splitter,
                  scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                           "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\nScore RMSE parâmetros default: ", ((-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2
)).mean())
```

```
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                           42 tasks
                                        | elapsed:
                                                      3.7s
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                           50 out of
                                     50 | elapsed:
                                                      4.4s finishe
-----DecisionTreeRegressor-----
Melhor conjunto de parâmetros:
 DecisionTreeRegressor(ccp alpha=0.007660778015155692)
Melhor error score:
 1.4873355249770799
```

Score RMSE parâmetros default: 1.5348492681744115

### **Random Forest**

Utilizando o método Random Forest, que une múltiplas árvores de regressão por meio do voto majoritário, obtivemos um ganho elevado no RMSE, sendo de 0.9447367529767478°C com 1000 estimadores e no máximo 5 features, contra 1.0239742637984799°C utilizando os parâmetros default do sklearn, sendo ambos consideravelmente melhores que os demais métodos. Esta busca por hiperparâmetros mostrou que aumentar o número de árvores foi algo bom, mas que aumentar a quantidade de features pode não ser uma boa opção quando se trabalha com múltiplas árvores (Random Forest).

O único contra deste método em relação ao anterior é a perda da possível interpretabilidade do método, já que não é mais explicável o que está sendo feito quando se tem um número grande de árvores atuano em conjunto, como é o caso.

#### In [11]:

```
# ======RandomForestRegressor================================
np.random.seed(1234)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente.
n = [10, 100, 1000]
\max features = [5, 10, 22]
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
# funcao.
parametros = {'n estimators': n estimators, 'max features': max features}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = RandomForestRegressor()
cv results = \
   GridSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                param grid=parametros,
                verbose=1.
                n jobs=1,
                scoring="neg root mean squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n-----")
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = RandomForestRegressor()
cv results = \
   cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
                  cv=shuffle splitter,
                  scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                           "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\nScore RMSE parâmetros default: ", ((-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2
)).mean())
```

GBM

Por último, trbalhamos com o GBM (Gradient Boosting Regressor), que adiciona modelos treinados diferentemente enfileirando a saída de alguns como entrada do seguinte, de forma que os sistemas sendo adicionados possam treinar sobre as regiões onde os modelos anteriores mais erraram.

O erro RMSE obtido com os melhores parâmetos encontrados foi de 1.0735283782351117°C, sendo os parâmetros de: n\_estimators = 96, learning\_rate = 0.3 e max\_depth = 3. Pode-se concluir que mais estimadores tornam o modelo melhor, o learning rate de 0.3 simplesmente era pequeno o suficiente para a atividade e uma profundidade maior na árvore também ajuda a classficação.O RMSE obtido com o default foi de 1.2233210699332346°C.

O RMSE deste método se aproximou do Random Forest e do SVR-RBF, que foram os melhores do estudo, indicando que se não for preciso um RMSE extremamente baixo, o tempo de treinamento deste modelo pode compensar, já que os métodos supracitados foram ordens de grandeza mais lentos que este.

#### In [3]:

```
# ======GradientBoostingRegressor=======
np.random.seed(1234)
# Gera os parametros de entrada aleatoriamente.
n estimators = np.random.uniform(5, 100, 10).astype("int32")
learning rate = [0.01, 0.3]
max depth = [2, 3]
# Une os parametros de entrada em um unico dicionario a ser passado para a
parametros = {'n estimators': n_estimators, 'learning_rate': learning_rate, 'max
depth': max depth}
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = GradientBoostingRegressor()
cv results = \
    RandomizedSearchCV(estimator=regressor, cv=shuffle splitter,
                       param distributions=parametros,
                       verbose=1.
                       n jobs=4,
                       scoring="neg root mean squared error")
# Realizamos a busca atraves do treinamento
cv results.fit(X data scaled, y data)
print("\n------GradientBoostingRegressor-----")
print("\nMelhor conjunto de parâmetros: \n", cv results.best estimator )
print("\nMelhor error score: \n", -cv results.best score )
shuffle splitter = ShuffleSplit(n splits=5, test size=0.3, random state=1234)
regressor = GradientBoostingRegressor()
cv results = \
    cross validate(estimator=regressor, X=X data scaled, y=y data,
                   cv=shuffle splitter,
                   scoring={"MSE": make scorer(mean squared error, greater is be
tter=False),
                            "MAE": make scorer(mean absolute error, greater is b
etter=False)})
print("\nScore RMSE parâmetros default: ", ((-cv results["test MSE"]) ** (1 / 2
)).mean())
```

```
Fitting 5 folds for each of 10 candidates, totalling 50 fits
[Parallel(n jobs=4)]: Using backend LokyBackend with 4 concurrent wo
rkers.
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                           42 tasks
                                        | elapsed:
                                                     22.3s
[Parallel(n jobs=4)]: Done
                           50 out of
                                     50 | elapsed:
                                                     27.5s finishe
d
-----GradientBoostingRegressor------
Melhor conjunto de parâmetros:
GradientBoostingRegressor(learning rate=0.3, n estimators=96)
Melhor error score:
 1.073958842201849
Score RMSE parâmetros default: 1.2233210699332346
```

Conclusão

Os métodos de Random Forest e SVR com RBF retornaram os melhores resultados em termos de RMSE, tendo porém um tempo de execução muito elevado. O GBM foi o terceiro melhor regressor e com desempenho próximo a estes 2, tendo um tempo de execução muito menor, sendo da ordem de segundos contra minutos ou horas dos primeiros, sendo preferível utilizá-lo quando tempo de treinamento for uma métrica crítica.

### In [ ]:

```
# Shutdown PC at the end of training
import os
import time

time.sleep(10 * 60)
os.system("shutdown 0")
```