

## Contents

<b>1</b>	<b>TODO Mapeo: Motivación</b>	<b>1</b>
1.1	TODO Descripción general . . . . .	1
<b>2</b>	<b>TODO Mapeo: Calidad de los datos de lectura</b>	<b>1</b>
2.1	TODO Estructura de los datos: El formato <code>fastq</code> . . . . .	1
2.2	TODO Puntajes de calidad . . . . .	1
2.3	TODO Evaluando la calidad . . . . .	1
2.4	TODO Buenas y malas calidades . . . . .	1
2.5	TODO Potenciales soluciones cuando la calidad no es buena .	1
<b>3</b>	<b>TODO Mapeo: Genoma de referencia</b>	<b>1</b>
3.1	TODO Construcción y ensamblaje . . . . .	1
3.2	TODO Estándares de calidad y herramientas complementaras	2
<b>4</b>	<b>TODO Mapeo: Pasos y herramientas</b>	<b>2</b>
4.1	TODO Alineamiento de las lecturas . . . . .	2
4.2	TODO Estadísticas del alineamiento . . . . .	2
4.3	TODO Otros procesos posteriores . . . . .	2

## 1 TODO Mapeo: Motivación

### 1.1 TODO Descripción general

## 2 TODO Mapeo: Calidad de los datos de lectura

### 2.1 TODO Estructura de los datos: El formato `fastq`

### 2.2 TODO Puntajes de calidad

### 2.3 TODO Evaluando la calidad

### 2.4 TODO Buenas y malas calidades

### 2.5 TODO Potenciales soluciones cuando la calidad no es buena

## 3 TODO Mapeo: Genoma de referencia

### 3.1 TODO Construcción y ensamblaje

3.2 TODO Estándares de calidad y herramientas complementaras

4 TODO Mapeo: Pasos y herramientas

4.1 TODO Alineamiento de las lecturas

4.2 TODO Estadísticas del alineamiento

4.3 TODO Otros procesos posteriores