

Aprendizaje semisupervisado profundo para la clasificación de tumores cerebrales

Nombre: Maria Paula Aguilar Malaver.

Código: 2251105

1. Desde el crai escogí el siguiente artículo:

<https://bmcmedimaging.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12880-020-00485-0>

1.1. ¿Cuál fue el corpus que usaron?

Los datos para este estudio fueron extraídos del conjunto de datos de MICCAI.

1.2. ¿Qué acertabilidad obtuvieron?

Los resultados mostraron un buen rendimiento, con una precisión de prueba del 86.53%.

1.3. ¿A qué conclusiones llegaron?

La conclusión principal fue que el esquema propuesto es eficaz para la predicción de la mutación IDH del glioma y la clasificación de este, además, su rendimiento es comparable al del estado de la técnica.

1.4. ¿Recomendaría este proyecto?

Si, porque aparte de ser muy eficaz, ayuda mucho al campo médico y a las personas que padecen de esta condición.