

## Seminário final:

Grupo: 5

Fredy

Paulo Rocha

Rodrigo

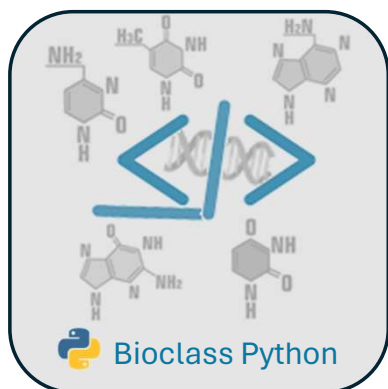
## Objetivo:

- Como o paradigma orientado a objeto pode ajudar no desenvolvimento de códigos em Bioinformática

## Dois paradigmas de desenvolvimento

```
structured.py X
structured.py > ...
1 def soma(a,b):
2     return a + b
3
4 def multiplica(a,b):
5     return a * b
6
7 print(soma(3,5))
8 print(multiplica(7,12))
```

```
oop.py X
oop.py > calculadora > x
1 class calculadora:
2     def __init__(self,a,b):
3         self.__x = a
4         self.__y = b
5
6
7     def soma(self):
8         return self.__x + self.__y
9
10    def multiplica(self):
11        return self.__x * self.__y
12
13    @property
14    def x(self):
15        return self.__x
16
17    @x.setter
18    def x(self, value):
19        self.__x = value
20
21    @property
22    def y(self):
23        return self.__y
24
25    @y.setter
26    def y(self, value):
27        self.__y = value
28
29 resultado = calculadora(3,5)
30 print(resultado.soma())
31 resultado.x = 7
32 resultado.y = 12
33 print(resultado.multiplica())
34
```



## Bioclass - Python

● Biopr<sup>o</sup>f(  )

 Encadear



<https://github.com/Paulo-ufmg.br>



<https://ajudabioclass.onrender.com/>