Algorytmy i Struktury Danych Kolokwium 2 (25.V.2023)

Format rozwiązań

Rozwiązanie zadania musi się składać z **krótkiego** opisu algorytmu (wraz z uzasadnieniem poprawności) oraz jego implementacji. Zarówno opis algorytmu jak i implementacja powinny się znajdować w tym samym pliku Pythona (rozszerzenie .py). Opis powinien być na początku pliku w formie komentarza (w pierwszej linii w komentarzu powinno być imię i nazwisko studenta). Opis nie musi być długi—wystarczy kilka zdań, jasno opisujących ideę algorytmu. Implementacja musi być zgodna z szablonem kodu źródłowego dostarczonym wraz z zadaniem. Niedopuszczalne jest w szczególności:

- 1. korzystanie z zaawansowanych struktur danych (np. słowników czy zbiorów),
- 2. zmienianie nazwy funkcji implementującej algorytm, listy jej argumentów, lub nazwy pliku z rozwiązaniem,
- 3. modyfikowanie testów dostarczonych wraz z szablonem,
- 4. wypisywanie na ekranie jakichkolwiek napisów innych niż wypisywane przez dostarczony kod (ew. napisy dodane na potrzeby diagnozowania błędów należy usunąć przed wysłaniem zadania).

Dopuszczalne jest natomiast:

- 1. korzystanie z następujących elementarnych struktur danych: krotka, lista, kolejka collections.deque, kolejka priorytetowa (queue.PriorityQueue, heapq),
- 2. korzystanie ze struktur danych dostarczonych razem z zadaniem (jeśli takie są).
- 3. korzystanie z wbudowanych funkcji sortujących (można założyć, że mają złożoność $O(n\log n)$).

Wszystkie inne algorytmy lub struktury danych wymagają implementacji przez studenta. Dopuszczalne jest oczywiście implementowanie dodatkowych funkcji pomocniczych w pliku z szablonem rozwiązania.

Zadania niezgodne z powyższymi ograniczeniami otrzymają ocenę 0 punktów. Rozwiązania w innych formatach (np. .PDF, .DOC, .PNG, .JPG) z definicji nie będą sprawdzane i otrzymają ocenę 0 punktów, nawet jeśli będą poprawne.

Testowanie rozwiązań

Żeby przetestować rozwiązanie zadania należy wykonać polecenie: python3 kol2.py

```
Szablon rozwiązania: ko12.py
Złożoność podstawowa (1.0pkt): O(E^2)
Złożoność akceptowalna (+1.0pkt): O(VE \log^* E)
Złożoność wzorcowa (+2.0pkt): O(VE)
V to liczba wierzchołków a E to liczba krawędzi grafu; \log^* to logarytm iterowany.
```

Dany jest nieskierowany, ważony graf G. Wagi krawędzi są parami różne. Niech T będzie pewnym drzewem rozpinającym G, m będzie najmniejszą wagą krawędzi z T a M będzie największą wagą krawędzi z T. Mówimy, że T jest piękne jeśli każda krawędź z G nie wchodząca w skład drzewa T ma wagę mniejszą niż m albo większą niż M. Wagą drzewa rozpinającego jest suma wag jego krawędzi. Zadanie polega na implementacji funkcji:

beautree(G)

która na wejściu otrzymuje graf reprezentowany w postaci listowej i zwraca wagę najlżejszego pięknego drzewa rozpinającego na G lub None jeśli takie drzewo nie istnieje. Użyty algorytm powinien być możliwie jak najszybszy. Proszę uzasadnić poprawność zaproponowanego algorytmu oraz oszacować jego złożoność czasową i pamięciową.

Reprezentacja grafu. Niech G będzie argumentem funkcji beautree. Graf G ma wierzchołki o numerach od 0 do n-1, gdzie:

```
n = len(G)
```

Dla danego wierzchołka i, G[i] to lista par postaci (j,w), gdzie j to numer wierzchołka do którego prowadzi krawędź z i a w to jej waga.

Przykład 1. Dla wejścia:

wynikiem jest 10. Mamy piękne drzewo rozpinające składające się z krawędzi 0-1, 0-2, 0-4 i 4-3 o wadze 3+1+2+4=10. Drzewo jest *piękne* ponieważ pozostałe krawędzie z G mają wagi 5 oraz 6, czyli większe niż waga największej krawędzi drzewa (która ma wartość 4).

Przykład 2. Dla wejścia:

wynikiem jest 25. Mamy piękne drzewo rozpinające składające się z krawędzi 0-2, 2-4, 1-3, 1-4 i 4-5 o wadze 3+4+5+6+7=25. Drzewo jest *piękne* ponieważ pozostałe krawędzie G mają wagi 1, 2 oraz 8, 9, 10, tak więc pierwsze dwie są mniejsze niż minimalna waga krawędzi drzewa (ta wynosi 3) a pozostałe są większe od maksymalnej wagi w drzewie (ta wynosi 7).