Analiza statystyczna grafu przy użyciu standardowych narzędzi

Monika Pawluczuk, nr albumu 246428

17 listopada 2015

Zbiór danych wybrany na podstawie nr albumu: <u>Interakcje pomiędzy pracownikami małej firmy,</u> zanotowane przez obserwatora.

1 Zadanie 1.

Wczytanie pobranego grafu. Graf został pobrany w formacie .pickle jako obiekt igraph, a następnie wyeksportowany do formatu Pajek. Następnie graf w formacie Pajek został wczytany jako obiekt networkx i na nim zostały wykonane wszystkie obliczenia za pomocą pakietu networkx.

```
In [1]: import igraph
    A = igraph.Graph.Read_Pickle("bkoff.pickle")
    A["BKOFFB"].write_pajek("bkoffb.pajek")
```

2 Zadanie 2.

Przekształcenie grafu. Po zaimportowaniu grafu do networkx, zostały z niego usunięte zduplikowane krawędzie oraz graf został przekształcony na nieskierowany i przy okazji wyeksportowany do formatu Pajek aby na nim wykonywać zadania w programie Pajek.

Graf posiada 40 wierzchołków, które są połączone 238 krawędziami.

```
In [2]: import networkx as nx
    G = nx.read_pajek("bkoffb.pajek")
    # przeksztatcenie na graf nieskierowany, bez zduplikowanych krawedzi
    G = nx.Graph(G)
    nx.write_pajek(G, "bkoffb-networkx.pajek")
    G = nx.read_pajek("bkoffb-networkx.pajek")
    print("Rozmiar grafu: ", len(G.edges()), "Rzad grafu: ", len(G.nodes()))

('Rozmiar grafu: ', 238, 'Rzad grafu: ', 40)
```

3 Zadanie 3.

3.1 Networkx

Wyznacz składowe spójne. Ile ich jest; jaki jest rząd i rozmiar największej z nich?

Istnieje tylko jedna składowa spójna grafu, a więc automatycznie jest ona największa. Zawiera ona w sobie wszystkie wierzchołki, więc jej rząd wynosi 40. Podobnie z rozmiarem, który wynosi 238 (wszystkie istniejące krawędzie).

Liczba składowych spójnych:

```
In [3]: nx.number_connected_components(G)
Out[3]: 1
```

Posortowana wg. długości tablica wszystkich składowych spójnych:

```
In [4]: [len(c) for c in sorted(nx.connected_components(G), key=len, reverse=True)]
```

Out[4]: [40]

Lista grafów zawierająca składowe spójne jako oddzielne podgrafy i liczba krawędzi pierwszej (i jedynej) z nich:

Out[5]: 238

3.2 Pajek

Po wczytaniu grafu, używając polecenia: Network -> Create Partition -> Components -> Strong został utworzony jeden podgraf, zawierający wszystkie 40 wierzchołków. Wynik jest więc zgodny z wynikami otrzymanymi w NetworkX.

Wydruk Pajeka:

Strong Components

Working...

Number of components: 1

Size of the largest component: 40 vertices (100.000%).

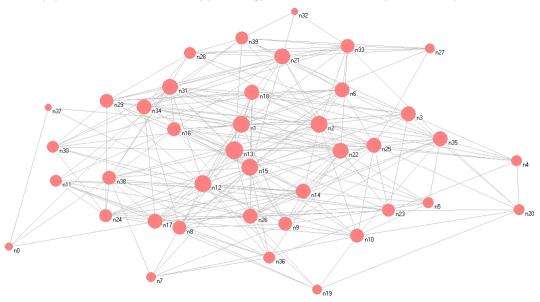
Time spent: 0:00:00

4 Zadanie 4.

Wykreśl graf w Pajeku.

Wielkość wierzchołka w grafie jest proporcjonalna do stopnia centralności w grafie. Zostały zmienione kolory krawędzi i wierzchołków w celu lepszej czytelności grafu.

Został użyty rozkład wierzchołków typu Energy, Kamada-Kawai, Separate Components.



5 Zadanie 5.

Znajdź pięć wierzchołków o największych wartościach parametrów.

5.1 Bliskości (closeness centrality)

5.2 Pośrednictwa (betweenness centrality)

Wierzchołki z numerami: 1, 2, 12, 13, 21.

(0.65, u'n1')]

5.3 Rangi (degree centrality)

```
Wierzchołki z numerami: 1, 2, 12, 13, 15.
```

6 Zadanie 6.

Znajdź wszystkie największe kliki - ile ich jest i jakiego rzędu? W tym grafie istnieją 142 największe kliki, o rzędach:

• 2 (4 kliki o rzędzie równym dwa)

```
• 3 (41)
```

- 4 (60)
- 5 (26)
- 6 (11).

```
Ilość największych klik:
In [9]: # Returns the number of maximal cliques in G.
        nx.graph_number_of_cliques(G)
Out[9]: 142
  Rzędy największych klik:
In [10]: max_cliques = list(nx.find_cliques(G))
         cliques = [len(c) for c in sorted(max_cliques, key=len, reverse=True)]
         list(set(cliques))
Out[10]: [2, 3, 4, 5, 6]
```

Zadanie 7.

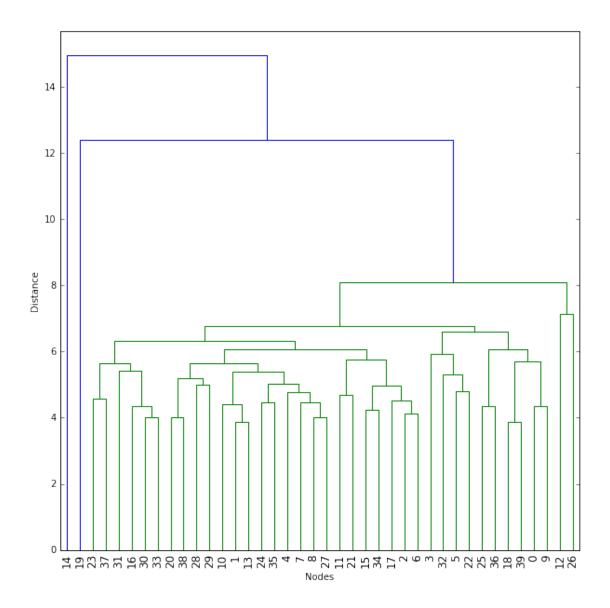
Przeprowadź grupowanie aglomeracyjne UPGMA. Wykreśl dendrogram lub jego istotny fragment i zaproponuj arbitralny podział grafu.

Grupowanie aglomeracyjne wymaga macierzy odległości dla wierzchołków w grafie. Aby stworzyć taką macierz, która jako odległość przyjmuje ilość krawędzi przez które trzeba przejść idac z wierzchołka A do B (najkrótsza ścieżka). Macierz została stworzona za pomocą algorytmu Floyda:

```
In [10]: fw = nx.floyd_warshall_numpy(G)
```

A następnie macierz została użyta w grupowaniu:

```
In [20]: %matplotlib inline
         import matplotlib.pyplot as plt
         import scipy.cluster
         plt.figure(figsize=(10, 10))
         plt.ylabel('Distance')
         plt.xlabel('Nodes')
         z = scipy.cluster.hierarchy.linkage(fw, method='average')
         d = scipy.cluster.hierarchy.dendrogram(z, leaf_rotation=90., leaf_font_size=12.)
         plt.show()
```



Arbitralny podział grafu:

Graf nie daje się łatwo podzielić na równe części. Ze względu na odległość wierzchołków od siebie, zaproponowałabym podzielenie grafu na 5 części:

- wierzchołek nr 14 (I grupa)
- wierzchołek nr 19 (II grupa)
- wierzchołek nr 12 (III grupa)
- wierzchołek nr 26 (IV grupa)
- pozostałe wierzchołki (V grupa)

Wynika to z faktu, że wierzchołki 12, 14, 19 i 26 są zdecydowanie dalej od pozostałych wierzchołków i jednocześnie od siebie nawzajem.