not

9 listopada 2015

1 Analiza statystyczna grafu przy użyciu standardowych narzędzi

Monika Pawluczuk, nr albumu 246428 Zbiór danych wybrany na podstawie nr albumu: <u>Interakcje pomiędzy</u> pracownikami małej firmy, zanotowane przez obserwatora.

1.1 Zadanie 1.

Wczytanie pobranego grafu. Graf został pobrany w formacie .pickle jako obiekt igraph, a następnie wyeksportowany do formatu Pajek. Następnie graf w formacie Pajek został wczytany jako obiekt networkx i na nim zostały wykonane wszystkie obliczenia za pomocą pakietu networkx.

1.2 Zadanie 2.

Przekształcenie grafu. Po zaimportowaniu grafu do networkx, zostały z niego usunięte zduplikowane krawędzie oraz graf został przekształcony na nieskierowany i przy okazji wyeksportowany do formatu Pajek aby na nim wykonywać zadania w programie Pajek.

Graf posiada 40 wierzchołków, które sa połączone 238 krawędziami.

1.3 Zadanie 3.

1.3.1 Networkx

Wyznacz składowe spójne. Ile ich jest; jaki jest rząd i rozmiar największej z nich?

Istnieje tylko jedna składowa spójna grafu, a więc automatycznie jest ona największa. Zawiera ona w sobie wszystkie wierzchołki, więc jej rząd wynosi 40. Podobnie z rozmiarem, który wynosi 238 (wszystkie istniejące krawędzie).

Liczba składowych spójnych:

```
In [3]: nx.number_connected_components(G)
Out[3]: 1
```

Posortowana wg. długości tablica wszystkich składowych spójnych:

```
In [4]: [len(c) for c in sorted(nx.connected_components(G), key=len, reverse=True)]
Out[4]: [40]
```

Lista grafów zawierająca składowe spójne jako oddzielne podgrafy i liczba krawędzi pierwszej (i jedynej) z nich:

1.3.2 Pajek

Po wczytaniu grafu, używając polecenia: Network -> Create Partition -> Components -> Strong został utworzony jeden podgraf, zawierający wszystkie 40 wierzchołków. Wynik jest więc zgodny z wynikami otrzymanymi w NetworkX.

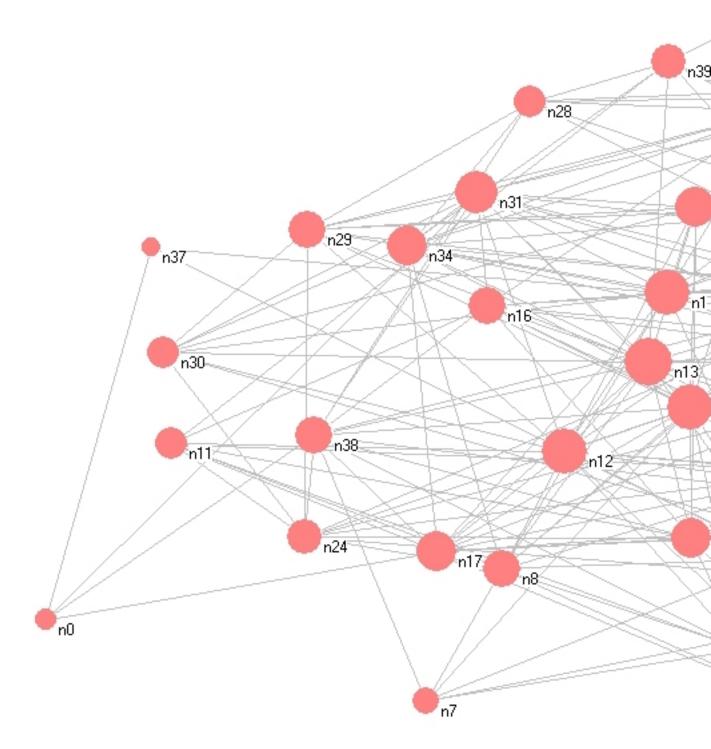
Wydruk Pajeka:

1.4 Zadanie 4.

Wykreśl graf w Pajeku.

Wielkość wierzchołka w grafie jest proporcjonalna do stopnia centralności w grafie. Zostały zmienione kolory krawędzi i wierzchołków w celu lepszej czytelności grafu.

Został użyty rozkład wierzchołków typu Energy, Kamada-Kawai, Separate Components.



1.5 Zadanie 5.

```
Znajdź pięć wierzchołków o największych wartościach: ### bliskości (closeness centrality)
   Wierzchołki z numerami: 1, 2, 12, 13, 15.
In [6]: cent_dict = nx.closeness_centrality(G)
        cent_items=[(b,a) for (a,b) in cent_dict.iteritems()]
        cent_items.sort(reverse=True)
        cent_items[0:5]
Out[6]: [(0.6724137931034483, u'n13'),
         (0.6610169491525424, u'n2'),
         (0.65, u'n15'),
         (0.65, u'n12'),
         (0.65, u'n1')]
1.5.1 pośrednictwa (betweenness centrality)
Wierzchołki z numerami: 1, 2, 12, 13, 21.
In [7]: betweenness_dict = nx.betweenness_centrality(G)
        betweenness_items = [(b,a) for (a,b) in betweenness_dict.iteritems()]
        betweenness_items.sort(reverse=True)
        betweenness_items[0:5]
Out[7]: [(0.06225133611416058, u'n1'),
         (0.04532200555595849, u'n12'),
         (0.043181681821834246, u'n2'),
          (0.041438373178073105, u'n13'),
          (0.039945056663322924, u'n21')]
1.5.2 rangi (degree centrality)
Wierzchołki z numerami: 1, 2, 12, 13, 15.
In [8]: degree_dict = nx.degree_centrality(G)
        degree_items = [(b,a) for (a,b) in degree_dict.iteritems()]
        degree_items.sort(reverse=True)
        degree_items[0:5]
Out[8]: [(0.5128205128205128, u'n13'),
         (0.48717948717948717, u'n2'),
         (0.48717948717948717, u'n12'),
          (0.4615384615384615, u'n15'),
          (0.4615384615384615, u'n1')]
1.6
      Zadanie 6.
Znajdź wszystkie największe kliki - ile ich jest i jakiego rzędu?
   W tym grafie istnieją 142 największe kliki, o rzędach: * 2 (4 kliki o rzędzie równym dwa), * 3 (41), * 4
(60), * 5 (26), * 6 (11).
   Ilość największych klik:
In [9]: # Returns the number of maximal cliques in G.
        nx.graph_number_of_cliques(G)
Out[9]: 142
```

Rzędy największych klik:

1.7 Zadanie 7.

Przeprowadź grupowanie aglomeracyjne UPGMA. Wykreśl dendrogram lub jego istotny fragment i zaproponuj arbitralny podział grafu.

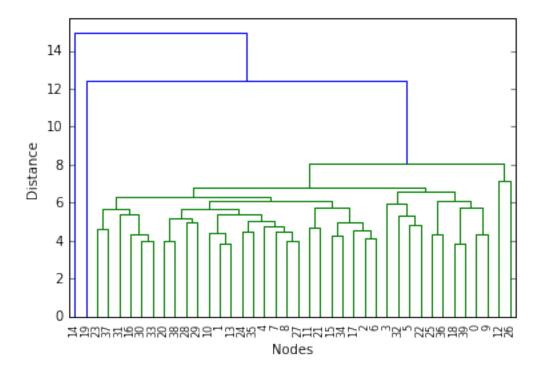
Grupowanie aglomeracyjne wymaga macierzy odległości dla wierzchołków w grafie. Aby stworzyć taką macierz, która jako odległość przyjmuje ilość krawędzi przez które trzeba przejść idąc z wierzchołka A do B (najkrótsza ścieżka). Macierz została stworzona za pomocą algorytmu Floyda:

```
In [11]: fw = nx.floyd_warshall_numpy(G)
```

A następnie macierz została użyta w grupowaniu:

```
In [13]: %matplotlib inline
    import matplotlib.pyplot as plt
    import scipy.cluster

plt.ylabel('Distance')
    plt.xlabel('Nodes')
    z = scipy.cluster.hierarchy.linkage(fw, method='average')
    d = scipy.cluster.hierarchy.dendrogram(z,leaf_rotation=90.)
    plt.show()
```



Arbitralny podział grafu

1.7.1 TBD