《数据挖掘工程师实战》—取之精华,去伪存 真

一、课前准备

- 1.1 讨论对于数据的理解
- 1.2 熟练掌握Python
- 二、课堂主题

有这么一句话在业界广泛流传:数据和特征决定了机器学习的上限,而模型和算法只是逼近这个上限而已。那特征工程到底是什么呢?顾名思义,其本质是一项工程活动,目的是最大限度地从原始数据中提取特征以供算法和模型使用。

三、课堂目标

- 3.1 能够理解特征工程的用途和作用
- 3.2 能够掌握数值型、类别型和时间型的处理方式
- 四、知识要点

4.1 特征工程—数值型

• 特征工程

特征 —>数据中抽取出来的对结果预测有用的信息

特征工程师使用专业背景知识和技巧处理数据,使得特征能在机器学习算法中发挥更好的作用

● 互联网公司的数据挖掘工程师们工作内容是什么?

研究各种高深的前沿算法与模型?

深度学习N层复杂神经网络结构的搭建?

•••

• 大部分数据科学比赛的时间都消耗在哪儿?

构建复杂模型?

调参与优化模型?

•••

● 实际上

跑数据,各种MR、hiveSQL,数据仓库搬砖数据清洗,数据清洗,数据清洗。 数据清洗,数据清洗。 分析业务,分析case,找特征,找特征。 简单可解释性好的模型为主,甚至一招LR打天下

- 工业界的特征工程有多大作用呢?
 - 某搜索引擎厂,广告部门点击率预估问题?2周内可以完成一次特征迭代,有效的情况下AUC提升约1-2%一个月左右完成模型的小优化,很多时候AUC提升只有5%左右
 - 阿里天池与Kaggle比赛大于50%的时间花在分析业务场景,挖掘有效特征上特征有效的情况下,借助于基本模型,轻松进top10%

4.1.1 Standard Scaler $\frac{x_i - \mu}{\sigma}$

```
from sklearn.preprocessing import StandardScaler, MinMaxScaler import numpy as np import pandas as pd np.set_printoptions(suppress=True)#在控制台输出过程中, 默认小数会以科学计数法的形式输出 import warnings warnings.filterwarnings("ignore") # 忽视
```

```
views = pd.DataFrame([1295., 25., 19000., 5., 1., 300.], columns=['views'])
print(views)
```

```
ss = StandardScaler()#初始化标准差
views['zscore'] = ss.fit_transform(views[['views']])
print(views)
```

```
vw = np.array(views["views"])
print((vw[2] - np.mean(vw)) / np.std(vw))
```

4.1.2 Min-Max Scaler $\frac{x_i - min(x)}{max(x) - min(x)}$

```
mms = MinMaxScaler()
views['minmax'] = mms.fit_transform(views[['views']])
print(views)
```

4.1.3 多项式特征

- 离散变量是指其数值只能用自然数或整数单位计算的则为离散变量.例如,企业个数,职工人数,设备台数等,只能按计量单位数计数,这种变量的数值一般用计数方法取得.
- 在一定区间内可以任意取值的变量叫连续变量,其数值是连续不断的,相邻两个数值可作无限分割,即可取无限个数值.例如,生产零件的规格尺寸,人体测量的身高,体重,胸围等为连续变量,其数值只能用测量或计量的方法取得.
- 如果变量可以在某个区间内取任一实数,即变量的取值可以是连续的,这随机变量就称为连续型随机变量,比如,公共汽车每15分钟一班,某人在站台等车时间x是个随机变量, x的取值范围是 [0,15),它是一个区间,从理论上说在这个区间内可取任一实数3.5、√20等,因而称这随机变量是 连续型随机变量。
- 模型是使用离散特征还是连续特征,其实是一个"海量离散特征+简单模型"同"少量连续特征+复杂模型"的权衡。既可以离散化用线性模型,也可以用连续特征加深度学习。就看是喜欢折腾特征还是折腾模型了。通常来说,前者容易,而且可以n个人一起并行做,有成功经验;后者目前看很赞,能走多远还须拭目以待

```
import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
import matplotlib as mpl
import scipy.stats as spstats #统计函数

%matplotlib inline
mpl.style.reload_library()
mpl.style.use('classic') #经典的
mpl.rcParams['figure.facecolor'] = (1, 1, 1, 0) # 画布背景颜色
mpl.rcParams['figure.figsize'] = [6.0, 4.0] #宽是6.0英寸 长是4.0英寸
mpl.rcParams['figure.dpi'] = 100 #图片像素点
```

```
poke_df = pd.read_csv('datasets/Pokemon.csv', encoding='utf-8')
print(poke_df.head(5))
```

```
atk_def = poke_df[['Attack', 'Defense']]
print(atk_def.head())
```

```
print(poke_df[['Attack', 'Defense']].describe())
```

● 多项式特征跟SVM的核函数一样,低维变换到高维,多项式为2

```
from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures

pf = PolynomialFeatures(degree=2, interaction_only=False, include_bias=False)

res = pf.fit_transform(atk_def)

print(res)

# 49^2 49*49 49^2
```

```
intr_features = pd.DataFrame(res, columns=['Attack', 'Defense', 'Attack^2',
    'Attack x Defense', 'Defense^2'])
print(intr_features.head(5))
```

4.1.4 数据分箱技术binning特征

```
fcc_survey_df = pd.read_csv('datasets/fcc_coder_survey_subset.csv',
encoding='utf-8')
print(fcc_survey_df[['ID.x', 'EmploymentField', 'Age', 'Income']].head())
```

```
fig, ax = plt.subplots()
fcc_survey_df['Age'].hist(color='#A9C5D3')# 蓝色D3的话就是去不去饱和、满意度
ax.set_title('Developer Age Histogram', fontsize=12)
ax.set_xlabel('Age', fontsize=12)
ax.set_ylabel('Frequency', fontsize=12) #Frequency频率
plt.show()
```

Binning based on rounding

```
Age Range: Bin

-----
0 - 9 : 0.0

10 - 19 : 1.0

20 - 29 : 2.0

30 - 39 : 3.0

40 - 49 : 4.0

50 - 59 : 5.0

60 - 69 : 6.0

... and so on
```

```
fcc_survey_df['Age_bin_round'] =
np.array(np.floor(np.array(fcc_survey_df['Age']) / 10.))
print(fcc_survey_df[['ID.x', 'Age', 'Age_bin_round']].iloc[1071:1076])
```

4.1.4 分位数切分

```
print(fcc_survey_df[['ID.x', 'Age', 'Income']].iloc[4:9])
```

```
fig, ax = plt.subplots()
fcc_survey_df['Income'].hist(bins=20, color='#A9C5D3')#
ax.set_title('Developer Income Histogram', fontsize=12)
ax.set_xlabel('Developer Income', fontsize=12)
ax.set_ylabel('Frequency', fontsize=12)
plt.show()
```

```
quantile_list = [0, .25, .5, .75, 1.]
quantiles = fcc_survey_df['Income'].quantile(quantile_list)
print(quantiles)
```

```
fig, ax = plt.subplots()
fcc_survey_df['Income'].hist(bins=20, color='#A9C5D3')

for quantile in quantiles:
    qvl = plt.axvline(quantile, color='r') #axvline: 用于画竖线, 0分位、1/4分位、1/2分位、3/4分位和1分位
ax.legend([qvl], ['Quantiles'], fontsize=10)

ax.set_title('Developer Income Histogram with Quantiles', fontsize=12)
ax.set_xlabel('Developer Income', fontsize=12)
ax.set_ylabel('Frequency', fontsize=12)
plt.show()
```

4.1.6 对数变换 COX-BOX

```
fcc_survey_df['Income_log'] = np.log((1+ fcc_survey_df['Income']))
print(fcc_survey_df[['ID.x', 'Age', 'Income', 'Income_log']].iloc[4:9])
```

4.1.7 小结

● 下列表述不正确的是:

A. 特征工程是使用专业知识和技巧处理数据, 获取有效的数据表达

- B. 数据清洗部分会对脏数据进行处理
- C. 特征降维是特征选择
- D. 统计分析是我们定位脏数据的方法之一

4.1.8 检查点

- 下面哪些是我们会用到的对数值型列做幅度缩放的方法:
 - A. 最大最小值幅度缩放
 - B. 标准化
 - C. 归一化
 - D. 去均值

4.2 特征工程—类别型

4.2.1 LabelEncoder

● Label标准化

```
vg_df = pd.read_csv('datasets/vgsales.csv', encoding = "ISO-8859-1") #单字节编码, 最多能表示的字符范围是0-255, 应用于英文系列。比如,字母a的编码为0x61=97 print(vg_df[['Name', 'Platform', 'Year', 'Genre', 'Publisher']].iloc[1:7])
```

```
genres = np.unique(vg_df['Genre'])
print(genres)
```

```
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder

gle = LabelEncoder()

genre_labels = gle.fit_transform(vg_df['Genre'])

genre_mappings = {index: label for index, label in enumerate(gle.classes_)}

print(genre_mappings)
```

```
vg_df['GenreLabel'] = genre_labels
print(vg_df[['Name', 'Platform', 'Year', 'Genre', 'GenreLabel']].iloc[1:7])
#变成离散型数据
```

4.2.2 Map

4.2.3 One-hot Encoding

```
print(poke_df[['Name', 'Generation', 'Legendary']].iloc[4:10])
```

```
from sklearn.preprocessing import OneHotEncoder, LabelEncoder

#标签编码, Gen 2—>1 ,Gen 6—>5

gen_le = LabelEncoder()

gen_labels = gen_le.fit_transform(poke_df['Generation'])

poke_df['Gen_Label'] = gen_labels

#False—>0 True—>1

leg_le = LabelEncoder()

leg_labels = leg_le.fit_transform(poke_df['Legendary'])

poke_df['Lgnd_Label'] = leg_labels

poke_df_sub = poke_df[['Name', 'Generation', 'Gen_Label', 'Legendary', 'Lgnd_Label']]

print(poke_df_sub.iloc[4:10])
```

```
gen_ohe = OneHotEncoder()
gen_feature_arr = gen_ohe.fit_transform(poke_df[['Gen_Label']]).toarray()

gen_feature_labels = list(gen_le.classes_)
print (gen_feature_labels)

gen_features = pd.DataFrame(gen_feature_arr, columns=gen_feature_labels)
print("------")
print(gen_features)
```

4.2.4 Get Dummy

```
#数据和特征决定了机器学习的上限,而模型和算法只是逼近这个上限而已,dummies:仿制品,poke:
—桶、一堆
gen_dummy_features = pd.get_dummies(poke_df['Generation'],
drop_first=True)#drop_first表示去除one-hot编码后的第一列数据,反之就有第一列
print(pd.concat([poke_df[['Name', 'Generation']], gen_dummy_features],
axis=1).iloc[4:10])#axis=1按照行计算
```

```
##drop_first表示去除one-hot编码后的第一列数据,反之就有第一列gen_onehot_features = pd.get_dummies(poke_df['Generation'])
print(pd.concat([poke_df[['Name', 'Generation']], gen_onehot_features],
axis=1).iloc[4:10])
```

```
popsong_df = pd.read_csv('datasets/song_views.csv', encoding='utf-8')
print(popsong_df.head(10))
```

4.2.5 二值特征

```
watched = np.array(popsong_df['listen_count'])
watched[watched >= 1] = 1 #大于等于1的表示已经被听过了,小于1的没有听过了
popsong_df['watched'] = watched
print(popsong_df.head(10))
```

```
from sklearn.preprocessing import Binarizer
#threshold: 临界值
bn = Binarizer(threshold=0.9)#其中参数threshold表示大于0.9的数据表示为1, 小于等于
0.9的数表示为0
pd_watched = bn.transform([popsong_df['listen_count']])
print(pd_watched) #转换后为二维数组
pd_watched = pd_watched[0]#就一个元素,一维数组
popsong_df['pd_watched'] = pd_watched #变量名列
```

4.2.6 检查点

- 对类别型变量做one-hot编码,可以保证每个类别取到的不同值(颜色:红、黄、蓝)地位一致? 正确答案:对
- 为什么有时候要对特征做归一化呢?归一化后加快了梯度下降求最优解的速度 归一化有可能提高精度

4.3 特征中重要的Python插件

4.3.1 Permutation Importance

```
import numpy as np
import pandas as pd
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier #集成算法对解释模型效果是很好的
import warnings
warnings.filterwarnings("ignore")
```

```
data = pd.read_csv('./datasets/FIFA Statistics.csv')
print(data.head(5) )
```

```
#Man of the Match 最佳球员作为y值
y = (data['Man of the Match'] == "Yes") # 转换标签
print(y[:5])
```

```
feature_names = [i for i in data.columns if data[i].dtype in [np.int64]]#列表
推导式,只取数值型数据,非数值型就不要了
X = data[feature_names]
print(X.head())
```

```
train_X, val_X, train_y, val_y = train_test_split(X, y, random_state=1)
my_model = RandomForestClassifier(random_state=0).fit(train_X, train_y)
```

• eli5文档: https://eli5.readthedocs.io/en/latest/tutorials/xgboost-titanic.html#explaining-weights

```
#pip install eli5, 科学上网,国外的慢

#pip install -i https://pypi.tuna.tsinghua.edu.cn/simple eli5
import eli5
from eli5.sklearn import PermutationImportance
# 由大到小,进行降序
perm = PermutationImportance(my_model, random_state=1).fit(val_X, val_y)
eli5.show_weights(perm, feature_names = val_X.columns.tolist())#把perm加载进来

#±后面的数字表示多次随机重排之间的差异值
```

4.3.2 Partial Dependence Plots

前提同样是应用在模型建立完成后进行使用, 概述如下:

- 首先选中一个样本数据,此时想观察Ball Possession这一列对结果的影响。
- 保证其他特征列不变,改变当前观察列的值,例如选择40%,50%,60%分别进行预测,得到各自的结果。
- 对比结果就能知道当前列(Ball Possession)对结果的影响情况。

```
from matplotlib import pyplot as plt
from pdpbox import pdp, get_dataset, info_plots #pip install -i
https://pypi.tuna.tsinghua.edu.cn/simple pdpbox

pdp_goals = pdp.pdp_isolate(model=my_model, dataset=val_X,
model_features=feature_names, feature='Goal Scored')#进球数量

pdp.pdp_plot(pdp_goals, 'Goal Scored')
plt.show()
```

```
feature_to_plot = 'Distance Covered (Kms)'

rf_model = RandomForestClassifier(random_state=0).fit(train_X, train_y)

pdp_dist = pdp.pdp_isolate(model=rf_model, dataset=val_X,
    model_features=feature_names, feature=feature_to_plot)

pdp.pdp_plot(pdp_dist, feature_to_plot)

plt.show()
```

- 双特征观察
- 需要先改一下源码:将Anaconda3\Lib\site-packages\pdpbox下pdp_plot_utils.py文件中 contour_label_fontsize=fontsiz改成fontsize=fontsize

```
features_to_plot = ['Goal Scored', 'Distance Covered (Kms)']
inter1 = pdp.pdp_interact(model=rf_model, dataset=val_X,
model_features=feature_names, features=features_to_plot)

pdp.pdp_interact_plot(pdp_interact_out=inter1,
feature_names=features_to_plot, plot_type='contour')
plt.show()
```

4.3.3 SHAP Values

• 可以直观的展示每一个特征对结果走势的影响

```
row_to_show = 5
data_for_prediction = val_X.iloc[row_to_show]
data_for_prediction_array = data_for_prediction.values.reshape(1, -1)
print(my_model.predict_proba(data_for_prediction_array))
```

导入shap工具包可能出现问题,在Anaconda3/lib/site-packages/numpy/lib/arraypad.py中添加下面两个函数保存,重新加载即可,保存成utf-8

```
import shap
explainer = shap.TreeExplainer(my_model)

#计算第5个的数据,一共是2行的数据,
shap_values = explainer.shap_values(data_for_prediction)
```

● 返回的SHAP values中包括了negative和positive两种情况,通常选择一种(positive)即可。

```
shap.initjs()#显示格式转换
shap.force_plot(explainer.expected_value[1], shap_values[1],
data_for_prediction)
```

Summary Plots

```
explainer = shap.TreeExplainer(my_model)
shap_values = explainer.shap_values(val_X)
shap.summary_plot(shap_values[1], val_X)
```

- 其中y轴表示每一个特征,x轴表示对结果是促进还是抑制的,不同的颜色表示作用效果,Color Bar颜色越红,值越大
- "GoalScored"蓝色的点代表进球数越少,该特征越抑制结果 ,进球数越多,红色点,对结果是促进的作用

五、拓展点、未来计划、行业趋势

- 5.1 特征获取需要解决两个问题:一是确定选择算法,二是确定评价标准
- 5.2 简单的可解释性高的模型,能线性模型就不非线性,特征提取+特征工程+统计学习可以的,就不上黑匣子deep Learning

六、总结

6.1 标准化和归一化异同?

这俩都是线性变换,将原有数据进行了放缩,归一化一般放缩到[0,1],标准化则转为服从标准正态分布,数据的大小顺序没有发生改变 影响归一化的主要是两个极值,而标准化里每个数据都会影响,因为计算均值和标准差。

6.2 类别型数据你是如何处理的?比如游戏品类,地域,设备 序号编码、one-hot编码、二进制编码

6.3 序号编码、one-hot编码、二进制编码都是什么?适合怎样的 类别型数据?

序号编码通常用于处理类别建具有大小关系的数据 one-hot编码用于处理类别建不具有大小关系的特征。但是当类别取值较多的时候需要注意 (1) 用稀疏向量来节省空间 (2) 配合特征选择来降低维度。二进制编码,先用序号编码给每个类别赋予一个类别id,然后将类别id转为二进制编码,本质上是利用二进制对id进行了hash映射,得到0-1特征向量,且维度少于one-hot编码。

七、作业

7.1 注意老师发的笔记和代码、务必都跑通