# Paul Bastide

# Chercheur en Statistiques

(a) +33 4 67 14 41 98 ⊠ paul.bastide@umontpellier.fr nbastide.github.io

#### Position actuelle

2020 - présent Chargé de recherche CNRS, IMAG, Université de Montpellier.

Thèmes de recherche.

Méthodes comparatives phylogénétiques. Détection de ruptures sur arbres. Sélection de modèle. Évolution de traits sur des réseaux phylogénétiques.

## Position passée

2017 - 2020 Post-Doctorat, KU Leuven.

Méthodes comparatives phylogénétiques bayésiennes appliquées en virologie. Sous la direction de Philippe Lemey (KU Leuven) et Marc Suchard (UCLA).

#### Cursus

2014 – 2017 **Doctorat**, Université Paris Sud.

Modèles de processus stochastiques avec sauts sur arbres : application à l'évolution adaptative sur des phylogénies. Sous la direction de Stéphane Robin (MIA, UMR 518 AgroParisTech/INRA) et Mahendra Mariadassou (MaIAGE, UR 1404 INRA).

- 2013 2014 Master 2 Math SV, Université Paris Sud École Polytechnique ENS Cachan. Mathématiques pour les Sciences du Vivant, Obtenu avec mention Très Bien.
- 2010 2014 **Diplôme d'ingénieur**, École Polytechnique.

Cycle Ingénieur Polytechnicien. Spécialisation en Mathématiques Appliquées, parcours « Mathématiques et Biologie ».

#### Prix et bourses de recherche

- 2019 FWO long stay abroad grant, Research Foundation Flanders.
  - Bourse attribuée sur projet pour rendre visite à Marc Suchard à UCLA.
- 2018 FWO Fellowship, Research Foundation Flanders.

Bourse personnelle attribuée sur projet pour une durée de trois ans.

2018 Prix de thèse de la SFdS, Société Française de Statistique.

Prix Marie-Jeanne Laurent-Duhamel en statistiques appliquées, attribué tous les trois ans.

Automne 2015 Fulbright Scholar, University of Wisconsin - Madison.

Bourse Fulbright de la commission franco-américaine pour un séjour dans l'équipe de Cécile Ané (départements de statistiques et de botanique), en collaboration avec l'équipe de Ken Sytsma.

#### **Publications**

- preprints P. Bastide, C. Soneson, O. Lespinet, et M. Gallopin. Benchmark of Differential Gene Expression Analysis Methods for Inter-species RNA-Seq Data using a Phylogenetic Simulation Framework. page 2022.01.21.476612, preprints.
  - B. S. Teo, J. Rose, **P. Bastide**, et C. Ane. Accounting for intraspecific variation in continuous trait evolution on a reticulate phylogeny. page 2022.05.12.490814, preprints.
  - 2022 P. Bastide, M. Mariadassou, et S. Robin. Modèles d'évolution de caractères continus. In G. Didier et S. Guindon, editeurs, Modèles et méthodes pour l'évolution biologique, pages 47-85. ISTE Group, 2022.

- 2021 S. Issaka, O. Traoré, R. D. S. Longué, A. Pinel-Galzi, M. S. Gill, S. Dellicour, **P. Bastide**, S. Guindon, E. Hébrard, M.-J. Dugué, Y. Séré, S. Semballa, S. Aké, P. Lemey, et D. Fargette. Rivers and Landscape Ecology of a Plant Virus, Rice Yellow Mottle Virus Along the Niger Valley. *Virus Evolution*, 7(2):veab072, Aug. 2021.
  - Z. Zhang, A. Nishimura, **P. Bastide**, X. Ji, R. P. Payne, P. Goulder, P. Lemey, et M. A. Suchard. Large-scale inference of correlation among mixed-type biological traits with phylogenetic multivariate probit models. *The Annals of Applied Statistics*, 15(1):230–251, Mar. 2021, 1912.09185.
  - **P. Bastide**, L. S. T. Ho, G. Baele, P. Lemey, et M. A. Suchard. Efficient Bayesian Inference of General Gaussian Models on Large Phylogenetic Trees. *The Annals of Applied Statistics*, 15(2):971–997, June 2021, 2003.10336.
- 2020 S. Lequime, **P. Bastide**, S. Dellicour, P. Lemey, et G. Baele. nosoi: A stochastic agent-based transmission chain simulation framework in r. *Methods in Ecology and Evolution*, 11(8):1002–1007, June 2020.
  - G. Baele, M. S. Gill, **P. Bastide**, P. Lemey, et M. A. Suchard. Markov-modulated continuous-time markov chains to identify site- and branch-specific evolutionary variation in BEAST. *Systematic Biology*, May 2020.
  - S. Dellicour, S. Lequime, B. Vrancken, M. S. Gill, **P. Bastide**, K. Gangavarapu, N. L. Matteson, Y. Tan, L. du Plessis, A. A. Fisher, M. I. Nelson, M. Gilbert, M. A. Suchard, K. G. Andersen, N. D. Grubaugh, O. G. Pybus, et P. Lemey. Epidemiological hypothesis testing using a phylogeographic and phylodynamic framework. *Nature Communications*, 11(1), Nov. 2020.
- 2018 **P. Bastide**, C. Solís-Lemus, R. Kriebel, K. W. Sparks, et C. Ané. Phylogenetic comparative methods on phylogenetic networks with reticulations. *Systematic Biology*, 67(5):800–820, Apr. 2018.
  - L. Aristide, **P. Bastide**, S. F. dos Reis, T. M. Pires dos Santos, R. T. Lopes, et S. I. Perez. Multiple factors behind early diversification of skull morphology in the continental radiation of New World monkeys. *Evolution*, 72(12):2697–2711, Dec. 2018.
  - **P. Bastide**, C. Ané, S. Robin, et M. Mariadassou. Inference of Adaptive Shifts for Multivariate Correlated Traits. *Systematic Biology*, 67(4):662–680, July 2018.
- 2017 **P. Bastide**. Shifted stochastic processes evolving on trees: application to models of adaptive evolution on phylogenies. Phd thesis, Université Paris-Saclay, Oct. 2017, tel-01629648.
  - C. Solís-Lemus, **P. Bastide**, et C. Ané. PhyloNetworks : A Package for Phylogenetic Networks. *Molecular Biology and Evolution*, 34(12):3292–3298, Dec. 2017.
  - **P. Bastide**, M. Mariadassou, et S. Robin. Detection of adaptive shifts on phylogenies by using shifted stochastic processes on a tree. *Journal of the Royal Statistical Society*: *Series B (Statistical Methodology)*, 79(4):1067–1093, Sept. 2017, 1508.00225.
- 2014 **P. Bastide** et T. David. Discours de réception d'Édouard Estaunié à l'Académie française : définitions croisées de la persona d'un académicien scientifique. *Épistémocritique*, 14(Greffes), 2014.

## Logiciels

PhylogeneticEM (Auteur) Progiciel **R** pour la détection automatique de sauts sur des phylogénies.

PhyloNetworks (Contributeur) Progiciel Julia pour l'inférence et l'analyse de réseaux phylogénétiques.

BEAST (Contributeur) Analyse bayésienne de traits continus sur des phylogénies, écrit en java.

nosoi (Contributeur) Progiciel R pour la simulation individu centrée d'épidémies.

compcodeR (Contributeur) Progiciel R pour la simulation réaliste de données RNA-Seq inter-espèces.

## Interventions et posters dans des conférences et workshops

- 29/06/2022 MCEB 2022, Mathematical and Computation Evolutionary Biology, Château d'Œx, Suisse, intervention orale.
- 24/10/2021 **AMS**, AMS Sectional Meeting, New Mexico (en ligne), **contribution invitée** pour la session Mathematics and Modeling of Phylogenetic Networks.
- 20/05/2021 Bio Hasard, Grenoble (en ligne), orateur invité.
- 29/07/2019 **JSM 2019**, *Joint Statistical Meeting, Denver*, intervention orale éclair.
- 05/06/2019 **JdS 2019**, 51èmes Journées de Statistique de la SFdS, Nancy, intervention orale.
- 21/08/2018 **Evolution 2018**, *Joint Congress on Evolutionary Biology, Montpellier*, intervention orale.
- 30/05/2018 **JdS 2018**, 50ème Journées de Statistiques de la SFdS, Saclay, **orateur invité** pour le Prix Marie-Jeanne Laurent-Duhamel.
- 13/06/2017 MCEB 2017, Mathematical and Computation Evolutionary Biology, Porquerolles, poster.
- 30/05/2017 JdS 2017, 49èmes Journées de Statistique de la SFdS, Avignon, intervention orale.
- 28/06/2016 **JOBIM 2016**, Journées Ouvertes en Biologie, Informatique et Mathématiques, Lyon, intervention orale.
- 19/04/2016 **JPS 2016**, Colloque Jeunes Probabilistes et Statisticiens, École de Physique des Houches, intervention orale.
- 22/06/2015 MCEB 2015, Porquerolles, poster.
- 02/06/2015 **JdS 2015**, 47èmes Journées de Statistique de la SFdS, Lille, intervention orale.

## Interventions dans des séminaires

- 12/05/2022 Dalhousie Statistics Seminar, Halifax, Canada (en ligne).
- 08/04/2022 Séminaire de Méthématiques et Biologie, Toulouse.
- 22/03/2022 Séminaire de Statistiques de Rochebrune, Rochebrune.
- 12/10/2020 Séminaire de statistiques de l'IMAG, Montpellier.
- 25/02/2020 Séminaire de statistiques du LPSM, Paris Diderot.
- 25/10/2019 TSU Statistics seminar, Texas State University.
- 25/04/2019 Séminaire de statistiques de l'IMO, Orsay.
- 21/01/2019 Séminaire de statistiques de l'unité MaIAGE, Jouy-en-Josas.
- 19/10/2018 Séminaire de statistiques du LBBE, Lyon.
- 28/09/2018 Séminaire de statistiques du LaMME, Évry.
- 27/09/2018 Séminaire de probabilités & statistiques du LKJ, Grenoble.
- 15/02/2018 Rencontre de la Chaire Modélisation Mathématique et Biodiversité, Institut de Mathématique d'Orsay.
- 20/11/2017 Séminaire joint Mathématiques, Évolution, Biologie et Statistiques, Institut de Mathématiques de Marseilles.
- 08/11/2017 Séminaire de Bioinformatique (BIG), KU Leuven.
- 23/02/2017 Réunion d'équipe Bioinformatique, INRA, Jouy-en-Josas.
- 14/11/2016 Réunion d'équipe StatInfOmics, MaIAGE, Jouy-en-Josas.
- 04/10/2016 Journées des maths-info de l'INRA, Mallemort.
- 27/06/2016 Séminaire AgroParisTech, Paris.
- 23/06/2016 Séminaire Probabilités et Statistiques de l'Université Paris Sud, Orsay.
- 09/06/2016 Groupe de Travail des Thésards et Jeunes Docteurs, MAP5, Université Paris Descartes.
- 18/05/2016 Séminaire des doctorants de l'EDMH, Paris.
- 11/04/2016 Séminaire de Probabilités et Statistique de Montpellier, SupAgro.

10/02/2016	Caugust Lab Caminar	Università Davis Cud Organi
10/02/2016	Sauquet Lab Seminar	, Université Paris Sud - Orsay.

19/11/2015 Sytsma Lab Seminar, University of Wisconsin - Madison.

18/11/2015 University of Wisconsin Statistics Seminar, Madison.

22/07/2015 Morlon Lab Seminar, IBENS, Paris.

23/06/2016 **SSB**, *Jouy-en-Josas*.

16/02/2015 Séminaire Interne de MaAIGE, Jouy-en-Josas.

## Enseignement

#### 2020 – présent Université de Montpellier, en français.

Régression linéaire. Master 2 Statistiques et Sciences des Données.

Visualisation de Données. Polytech Montpellier, équivalent License 3.

2021 **École de Recherche à l'IFUMI**, (Institut Franco-Uruguayen de Mathématiques et leurs Interactions, laboratoire CNRS IRL), Montevideo, en français et espagnol.

Introduction aux méthodes phylogénétiques comparatives (9h).

2018 **Teaching Assistant**, KU Leuven, en anglais et néerlandais.

Applied Biostatistics. Master level, Biomedical sciences.

Introduction to Biostatistics. Bachelor level, Biomedical sciences.

2014 – 2017 **Moniteur**, *Université Paris Sud*, en français.

Modélisation et Calcul Scientifique, Encadrement de Projets, L3 MINT (Mathématiques en INTéractions). [Seconds semestres 2015/16/17]

Introduction aux Statistiques, TD, L2 Biologie et Santé. [Premier semestre 2016]

Mathématiques de la Modélisation I, TD, L1 BCPST. [Premier semestre 2016]

Théorie de la mesure et probabilités, TD, L3 MFA (Mathématiques Fondamentales et Appliquées). [Second semestre 2016]

Introduction aux Statistiques, Cours Intégré, L3 Biologie. [Premier semestre 2014]

2011 - 2012 **Tuteur**, *GEPPM*.

Une Grande École Pourquoi Pas Moi. Un cours par semaine à une classe d'une dizaine de lycéens.

# Engagements dans la communauté scientifique

Relecteur Systematic Biology, NeurIPS, PNAS, Evolution, Theoretical Population Biology, Evolutionary Bioinformatics, PeerJ, PlosOne, ANR, Programme Fulbright.

Sociétés Savantes Membre de la *Société Française de Statistique* (SFdS) et la *Society of Systematic Biologists* (SSB).

SFdS Membre du groupe de travail sur la communication de la SFdS, responsable RGPD.

Séminaires Organisateurs du séminaire de Probabilité et Statistiques de l'IMAG, et du séminaire interdisciplinaire de la KIM Data and Life Sciences.

CdL IMAG Membre élu du conseil de laboratoire de l'IMAG.

Propagation Brève sur l'article portant sur l'évolution de traits sur réseaux phylogénétiques pour le département des Sciences de la Vie de l'Université Paris Saclay (www.scoop.it/t/life-sci-news-upsaclay?q=bastide)

# Compétences technique et langues étrangères

Français Langue maternelle Russe, Espagnol Scolaire

Anglais Parlé et écrit Néerlandais Niveau européen A2

Outils MS Office, LaTex, Git Programmation R, Rcpp, Julia, Matlab