# Introduction à R Graphiques

Pascal Bessonneau

06/2015

Les différentres méthodes

Les graphiques de base

Les devices

#### Les méthodes

Tout d'abord R fournit des fonctions permettant de produire des graphiques simples grâce à quelques fonctions de base.

Ces graphiques dits "de base" sont assez simples à manipuler et à produire.

Après des méthodes plus avancés mais demandant beaucoup plus de dextérité sont disponibles dans les packages grid notamment. On parle de graphique "grid" ou "treillis".

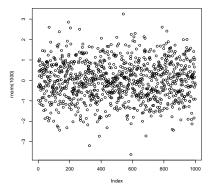
#### Les méthodes

Les graphiques grid ne seront pas évoqués. Par contre il existe deux packages réalisant de beaux graphiques simplement utilise en fait non les graphiques de base mais le type "grid": lattice et ggplot2. lattice est quelque peu passé de mode maintenant aussi il est préférable d'utiliser le paquet ggplot2. Sa belle esthétique est caractéristique pour un connaisseur.

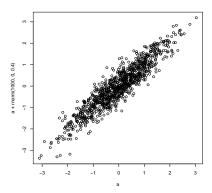
```
hist pour faire un histogramme
barplot pour faire un diagramme en barre
boxplot pour faire des boites à moustaches
plot pour faire des "scatterplots"
sunflowerplot pour faire des "scatterplots" quand les points se
superposent
```

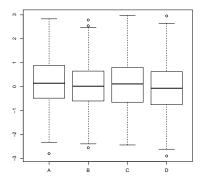
La fonction *plot* est polymorphe. C'est une fonction générique qui accepte de nombreux types d'objets en entrée et dont le résultat varie selon les arguments qui lui sont passés. C'est une fonction générique de R.

> plot(rnorm(1000))



```
> a=rnorm(1000)
> plot(a,a+rnorm(1000,0,0.4))
```





De nombreux packages utilisent la fonction *plot* pour produire des graphiques en passant un argument propre au paquet.

C'est le cas par exemple pour une régression linéaire dans le paquet de base.

```
> a <- rnorm(1000)
> dt <- data.frame(
+    a=a,
+    b=a+rnorm(1000,0,0.4)
+ )
> rl <- lm(b ~ a)
> plot(rl,ask=F)
```

```
## Error in eval(expr, envir, enclos): objet 'b' introuvable
```

```
> class(rl)
## Error in eval(expr, envir, enclos): objet 'rl' introuvable
```

La fonction *plot* est une fonction générique. En fait la fonction spécialisé pour les objets de type *lm* est appelé en lieu et place de la fonction usuelle.

```
> methods(class=class(rl))
## Error in methods(class = class(rl)): objet 'rl' introuvable
```

Cette commande est très pratique pour connaître les fonctions implémentées pour ce type d'objet.

C'est en partie la raison pour laquelle on dit que R est un langage objet car c'est un langage dont certaines fonctions sont polymorphiques.

En fait on parle dans ce cas de modèle S3. Le modèle S4 qui est plus proche d'un vrai langage objet est peu utilisé pour l'instant.

Dans le cas des fonctions graphiques de base, les coordonnées sont calculés lors du première appel à la fonction.

Ensuite on peut rajouter des points ou des surfaces et les coordonnées sont exprimées dans les mêmes unités que celles des données.

Ce n'est pas le cas pour le paquet grid ce qui rend les manipulations plus complexes.

Les fonctions de base accepte des arguments par défaut très souvent les mêmes :

- xlim un vecteur contenant le minimum et le maximum pour l'axe des abscisses
- ylim un vecteur contenant le minimum et le maximum pour l'axe des ordonnées
- main le titre du graphique
- xlab le nom de l'axe des abscisses
- ylab le nom de l'axe des ordonnées
  - col la couleur des poiunts ou des surfaces

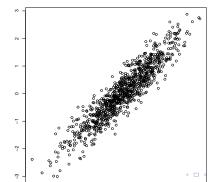
Le nombre de paramètres graphiques est impressionnant et il varie malheureusement un peu selon les fonctions. on peut les visualiser avec la commande par().

Par exemple on peut réduire les marges :

```
> par()$mar

## [1] 5.1 4.1 4.1 2.1

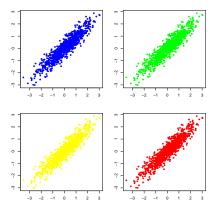
> par(mar=c(3.1,2.1,2.1,2.1))
> plot(dt$b,dt$a)
```

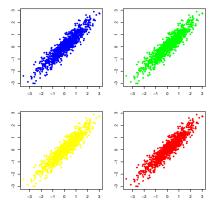


On peut également faire plusieurs graphiques sur la même page :

```
> par(mfrow=c(2,2))
> par(mar=c(3.1,2.1,2.1,2.1))
> plot(dt$b,dt$a,col="blue",pch=20)
> plot(dt$b,dt$a,col="green",pch=20)
> plot(dt$b,dt$a,col="yellow",pch=20)
> plot(dt$b,dt$a,col="red",pch=20)
```

On peut également faire plusieurs graphiques sur la même page :





### Les fonctions de superposition

Il faut distinguer deux types de fonctions :

- les fonctions d'initialisation et de tracé
- les fonctions de superpositions sur un tracé

Un graphique R de base n'existe pas comme dit plus sans une échelle des X et une échelle des Y. Les fonctions comme *plot*, *barplot*, *hist*, . . . initialise le graphique et font tout ce qu'il faut pour tracer un graphique.

### Les fonctions de superposition

Les fonctions de superposition permettent de réaliser des tracés mais en utilisant sur des graphiques existants.

- lines
- points

Soit il s'agit de fonctions distinctes :

- text
- . . .

## Les fonctions de superposition

Les fonctions de superposition permettent de réaliser des tracés mais en utilisant sur des graphiques existants. Soit il s'agit de fonctions d'initialisation mais avec un argument spécifique : généralement il s'agit de rajouter l'argument add :

```
> plot(x,y,add=T)
```

### La notion de device

La sortie par défaut sur R est une fenêtre graphique. Par exemple dans RStudio l'onglet plot en bas à droite.

Mais on peut créer des graphiques dans des devices différents tels que des fichiers. Par exemple pour créer un fichier jpeg, il faut ouvrir un device *jpeg* qui va se substituer à la fenêtre graphique. Puis on va fermer le device pour finaliser l'export.

### La notion de device

```
> jpeg("graphiques/MonGraphique.jpeg")
> par(mfrow=c(2,2))
> par(mar=c(3.1,2.1,2.1,2.1))
> plot(dt$b,dt$a,col="blue",pch=20)
> plot(dt$b,dt$a,col="green",pch=20)
> plot(dt$b,dt$a,col="yellow",pch=20)
> plot(dt$b,dt$a,col="red",pch=20)
> dev.off()

## pdf
## 2
```

#### La notion de device

Les formats sont nombreux :

- png
- pdf
- svg
- •

Chaque device porte le nom du type de fichier qu'il va créé.

## La procédure avec les device

La procédure se fait avec les étapes suivantes :

- 1. vous créez le device avec par exemple png("file")
- 2. vous dessinez
- 3. vous refermez le device avec la commande dev.off()

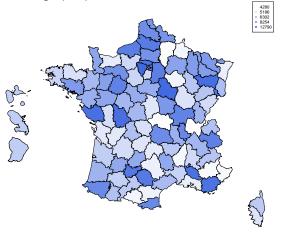
Quelque devices comme le pdf permet de produire plusieurs graphiques sur plusieurs pages comme par exemple le format PDF.

## Les arguments des device

Les arguments varient, il suffit de regarder l'aide. Souvent on trouve l'argument dpi qui permet de donner la résolution du graphique.

Les arguments width et height donnent la taille dont l'unité dépend du device choisi.

L'option *layout* permet de définir des agencements avancés comme sur le graphique ci-dessous.





Il suffit de donner en entrée une matrice avec un numéro dans l'ordre de ce qui va être dessiner. Les fusions des cellules de la matrice donnent la taille de chaque zone.

Dans l'exemple, on représente un grand graphique central pour la France métropolitaine puis des petits carrés pour les DOMs.

Il suffit de donner en entrée une matrice avec un numéro dans l'ordre de ce qui va être dessiner. Les fusions des cellules de la matrice donnent la taille de chaque zone.

Dans l'exemple, on représente un grand graphique central pour la France métropolitaine puis des petits carrés pour les DOMs.

```
> xmetro <- 9
> xdom <- 1
> mm <- matrix(
      c (
        rep( 7,xdom), rep( 1,xmetro),
        rep(7,xdom), rep(1,xmetro),
        rep( 7,xdom), rep( 1,xmetro),
        rep( 2,xdom), rep( 1,xmetro),
        rep( 3,xdom), rep( 1,xmetro),
        rep(4,xdom), rep(1,xmetro),
        rep( 0,xdom), rep( 1,xmetro),
        rep( 0,xdom), rep( 1,xmetro),
        rep( 0,xdom), rep( 1,xmetro),
        rep(0,xdom), rep(0,3), rep(5,1), rep(0,1), rep(6,1), rep(0,xme
      ),
      ncol=10,
      nrow=10,
      byrow=T
> mm
```

```
[,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6]
##
     [1,]
##
     [2,]
##
     [3,]
##
     [4,]
##
##
     [5,]
##
     [6,]
##
     [7,]
     [8,]
##
     [9,]
##
                                       5
    [10,]
                                 0
                                             0
                                                   6
##
           [,8] [,9] [,10]
##
     [1,]
##
     [2,]
##
     [3,]
##
     [4,]
##
     [5,]
##
     [6,]
##
     [7,]
##
##
     [8,]
##
     [9,]
```