	10100	6.74	3.12	1.64	1 55	1 44	0.71	0.70	0.74	1e+08 -	44.06	11 10	1 11	4.70	414	1.00	2 11	2.10	10100	0.13	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+08 - 1e+07 -	6.35	3.02	1.53	1.55 1.56	1.44 1.52	0.71 0.80	0.70 0.72	0.74	1e+06 - 1e+07 -	43.26	11.10 11.68	4.44 4.67	4.79 4.73	4.14	1.89 1.89	2.11 1.91	2.10	1e+08 - 1e+07 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+06 -	6.36	3.16	1.55	1.51	1.52	0.74	0.69	0.80	1e+06 -	42.12	9.59	4.81	4.34	4.53	1.94	2.19	1.88	1e+06 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+05 -	6.38	3.09	1.59	1.48	1.57	0.75	0.74	0.71	1e+05 -	42.58	10.85	4.96	4.78	4.76	2.36	2.17	1.97	1e+05 -	0.12	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
00	1e+04 -	6.35	2.96	1.49	1.59	1.68	0.76	0.75	0.75	1e+04 -	43.54	9.37	4.98	4.32	4.87	2.05	2.09	1.95	1e+04 -	0.13	0.03	0.02	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02
)e+		6.24	3.11	1.61	1.54	1.52	0.74	0.69	0.74	1e+03 -	42.80	10.59	4.41	4.56	4.11	2.01	2.25	2.14	1e+03 -		0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.02	0.02
0 =	1e+02 -	6.24	3.11	1.61	1.64	1.63	0.78	0.70	0.75	1e+02 -	42.06	10.60	4.08	3.93	4.22	2.27	2.13	2.02	1e+02 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
Ь	1e+01 -	6.30	2.99	1.48	1.55	1.46	0.75	0.75	0.79	1e+01 -	44.43	11.10	4.87	4.05	4.80	1.92	2.18	2.19	1e+01 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01
	1e+00 - 1e-01 -	6.87	2.95 3.42	1.64 1.54	1.59 1.45	1.50 1.52	0.73 0.70	0.76 0.68	0.76 0.84	1e+00 - 1e-01 -	41.59	11.44 10.73	5.31 5.44	4.68 5.70	4.49 4.70	2.00	1.86 2.46	2.12 1.81	1e+00 - 1e-01 -	0.12	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-01 -	6.41	3.44	1.61	1.50	1.47	0.70	0.71	0.75	1e-01 -	42.80	11.50	4.97	4.70	4.68	2.05	2.02	2.04	1e-01 -	0.12	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		6.67	3.30	1.66	1.57	1.61	0.77	0.71	0.72	1e-03 -	42.75	9.93	5.12	4.89	5.51	1.88	2.13	2.04	1e-03 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9
	1e+08 -	6.82	3.08	1.63	1.57	1.64	0.78	0.75	0.72	1e+08 -	41.65	10.75	5.04	4.58	4.31	2.15	1.99	2.02	1e+08 -	0.12	0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+07 -	6.47	3.22	1.65	1.62	1.72	0.85	0.69	0.74	1e+07 -	42.10	10.41	4.87	4.70	4.75	2.10	1.88	2.02	1e+07 -	0.12	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+06 -	6.93	3.29	1.55	1.55	1.65	0.84	0.73	0.72	1e+06 -	42.55	10.68	5.07	4.54	4.48	2.31	2.15	2.02	1e+06 -	0.13	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+05 -	7.05	3.21	1.56	1.67	1.76	0.86	0.70	0.74	1e+05 -	42.92	10.01	4.50	4.20	5.01	1.90	2.24	2.07	1e+05 -		0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02
-03		7.08	3.13	1.55	1.72	1.63	0.85	0.82	0.79	1e+04 -	42.63	10.49	5.11	4.66	4.54	1.87	2.08	2.09	1e+04 -		0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
1e	1e+03 -	6.62	3.47	1.60	1.57 1.55	1.58 1.71	0.78 0.78	0.77 0.69	0.75 0.73	1e+03 -	42.79	11.08	4.83	3.99	4.78	2.11 2.38	2.07 2.19	1.98 2.38	1e+03 - 1e+02 -	0.13	0.05	0.03	0.02	0.02	0.02	0.04	0.02
II D	1e+02 - 1e+01 -	6.70 7.15	3.22	1.61 1.65	1.49	1.47	0.78	0.09	0.73	1e+02 - 1e+01 -	42.08 41.72	10.44	5.07 4.79	3.91 4.25	4.55 4.53	1.92	1.96	2.07	1e+02 - 1e+01 -	0.13	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
J	1e+00 -	6.63	3.55	1.56	1.65	1.59	0.73	0.71	0.75	1e+00 -	41.93	10.45	4.29	4.29	4.29	1.97	1.88	1.94	1e+00 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-01 -	6.20	3.27	1.74	1.56	1.46	0.73	0.73	0.71	1e-01 -	43.18	9.78	4.70	5.28	4.81	1.78	1.75	1.90	1e-01 -	0.13	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-02 -	6.31	3.23	1.52	1.62	1.52	0.75	0.71	0.67	1e-02 -	42.45	10.52	4.49	4.20	4.36	1.95	1.85	1.78	1e-02 -	0.13	0.03	0.06	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-03 -	6.24	3.16	1.48	1.60	1.58	0.68	0.69	0.75	1e-03 -	41.89	10.83	4.78	5.01	4.74	2.06	1.84	2.13	1e-03 -	0.13	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		2	3	4	5 	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9
	1e+08 -	6.80	3.15	1.56	1.60	1.51	0.72	0.84		1e+08 -			4.78	5.01	4.11	2.11	2.21	2.24	1e+08 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+07 -	6.17	3.21	1.74	1.63	1.63	0.76	0.84	0.70	1e+07 -	42.50	11.06	4.87	4.99	4.56	2.14	2.02	2.02	1e+07 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+06 - 1e+05 -	6.70 5.96	3.16 3.10	1.53 1.63	1.70 1.63	1.51 1.62	0.80 0.73	0.87 0.82	0.76 0.82	1e+06 - 1e+05 -	42.43 42.75	10.87 10.25	5.33 4.61	4.89 4.85	5.00 4.91	2.56 2.05	1.82 1.88	2.08 1.81	1e+06 - 1e+05 -		0.03	0.02	0.02	0.03	0.02 0.02	0.02	0.02
7	1e+04 -	6.31	3.08	1.54	1.70	1.75	0.73	0.79	0.74	1e+03 -	41.60	12.44	5.67	4.29	4.36	2.00	1.95	2.10	1e+03 -		0.03	0.02	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02
e-02	1e+03 -	6.18	3.09	1.65	1.57	1.72	0.69	0.70	0.78	1e+03 -	43.57	11.00	4.41	4.52	4.54	1.89	2.04	2.12	1e+03 -		0.03	0.02	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02
= 1	1e+02 -	6.43	3.11	1.60	1.59	1.61	0.79	0.77	0.84	1e+02 -	41.91	11.06	5.31	4.58	4.37	2.01	2.02	2.10	1e+02 -	0.13	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
 Б	1e+01 -	6.24	3.24	1.53	1.59	1.57	0.73	0.71	0.82	1e+01 -	45.25	11.18	4.73	4.68	4.40	1.71	2.06	1.85	1e+01 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		6.35	3.32	1.64	1.58	1.47	0.71	0.73	0.75		53.28	10.83	5.12	4.23	4.32	1.92	1.91	2.09	1e+00 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-01 - 1e-02 -	6.63 7.75	2.90 3.36	1.51 1.63	1.58 1.64	1.45 1.61	0.72 0.75	0.72 0.69	0.73 0.74	1e-01 - 1e-02 -	45.30 46.24	10.75 10.25	5.01 4.46	4.13 5.08	4.65 4.56	1.99 1.90	2.18 2.17	2.14 1.92	1e-01 - 1e-02 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03
	1e-02 -	7.73	3.24	1.65	1.61	1.55	0.75	0.69	0.74	1e-02 - 1e-03 -	44.59	11.35	4.56	4.41	4.78	2.06	2.17	2.03	1e-02 - 1e-03 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9
	1e+08 -	6.89	3.27	1.51	1.59	1.60	0.73	0.76	0.75	1e+08 -	41.50	11.10	4.73	4.54	4.29	1.86	2.10	2.26	1e+08 -		0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+07 -	6.52	3.23	1.52	1.61	1.65	0.73	0.70	0.79		43.29	11.20	5.12	4.17	4.26	1.94	2.05	1.89	1e+07 -		0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+06 -		3.11	1.64	1.52	1.68	0.74	0.77	0.71	1e+06 -	42.91	10.15	4.72	4.09	4.45	2.04	2.02	1.84	1e+06 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+05 -	6.16	3.37	1.58	1.59	1.60	0.75	0.66	0.68	1e+05 -	43.45	11.64	4.66	4.30	5.10	2.12	2.01	2.12	1e+05 -	0.14	0.03	0.06	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
01	1e+04 -	6.60	3.23	1.63	1.52	1.61	0.72	0.81	0.73	1e+04 -	42.22	11.37	4.78	5.60	4.70	2.07	2.17	2.05	1e+04 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
1e-	1e+03 -	6.28	3.24	1.56	1.57	1.61	0.74	0.70	0.78	1e+03 -	41.01	9.45	4.87	4.63	4.93	2.01	2.09	2.07	1e+03 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
ll b	1e+02 - 1e+01 -	6.40	3.33 3.35	1.53 1.51	1.50 1.62	1.57 1.57	0.75 0.75	0.67 0.71	0.69 0.68	1e+02 - 1e+01 -	41.96 43.38	11.56 12.02	4.12 5.22	4.00 5.03	4.60 4.76	2.09	2.07 2.17	2.02 2.08	1e+02 - 1e+01 -		0.03 0.04	0.02	0.02	0.02	0.02 0.02	0.02	0.02
5		6.13	3.14	1.42	1.55	1.43	0.75	0.71	0.74	_	44.12	11.21	5.30	4.61	4.14	2.00	2.25	2.38	1e+01 -		0.04	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-01 -	5.98	2.99	1.62	1.56	1.62	0.71	0.73	0.77	1e-01 -	47.70	10.32	4.95	4.38	4.09	2.35	2.46	1.98	1e-01 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-02 -	6.11	2.97	1.35	1.53	1.59	0.72	0.74	0.86	1e-02 -	42.42	10.29	4.56	4.16	4.67	2.04	2.36	2.12	1e-02 -	0.13	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-03 -	6.54	3.08	1.58	1.46	1.52	0.73	0.71	0.83	1e-03 -	42.89	10.12	4.68	4.16	4.62	2.20	2.18	1.92	1e-03 -	0.12	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9
	1e+08 -	6.43	3.02	1.73	1.53	1.60	0.69	0.73	0.68	1e+08 -		10.46	5.30	4.61	4.90	2.14	1.95	1.92	1e+08 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		6.16	3.25	1.56	1.60	1.64	0.79	0.82	0.71		43.26	10.81	4.76	4.66	4.35	1.82	2.02	2.15	1e+07 -		0.04	0.02	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02
	1e+06 - 1e+05 -		3.11 3.47	1.51	1.52 1.73	1.70 1.62	0.69 0.73	0.70 0.72	0.79	1e+06 - 1e+05 -		10.39	5.11 5.24	4.87 4.73	5.02	2.19	2.08	2.06 1.97	1e+06 - 1e+05 -		0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02
00	1e+03 -		3.47	1.69	1.56	1.58	0.73	0.72	0.72	1e+03 - 1e+04 -		10.55	5.08	4.73	3.96	1.90	2.14	2.37	1e+03 - 1e+04 -		0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02
) + e	1e+03 -		3.33	1.52	1.64	1.63	0.73	0.75	0.70	1e+03 -		11.62	4.31	4.81	4.44	2.13	2.15	1.99	1e+03 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
= 1	1e+02 -	6.18	3.38	1.62	1.69	1.74	0.73	0.82	0.68	1e+02 -	42.45	11.52	5.02	4.85	4.60	2.24	2.16	2.26	1e+02 -	0.13	0.04	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03	0.02
<u>n</u>	1e+01 -		3.29	1.55	1.61	1.67	0.74	0.74	0.73	1e+01 -		10.88	5.06	4.99	4.48	2.03	1.92	2.10	1e+01 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e+00 -		3.06	1.71	1.60	1.55	0.73	0.81	0.74	1e+00 -		10.53	4.29	4.47	4.90	1.86	2.20	2.04	1e+00 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-01 - 1e-02 -		3.18 2.89	1.57 1.64	1.55 1.66	1.74 1.67	0.77 0.70	0.74 0.73	0.68 0.68	1e-01 - 1e-02 -		11.00 11.31	5.12 4.74	5.12 4.20	4.52 5.22	2.04 1.86	2.02 1.97	2.05 2.17	1e-01 - 1e-02 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
	1e-02 - 1e-03 -		2.89	1.50	1.54	1.74	0.70	0.73	0.68	1e-02 - 1e-03 -			4.74	3.44	4.44	2.16	2.18	2.17	1e-02 - 1e-03 -		0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9		2	3	4	5	6	7	8	9
			-	•	k	(•	•	-		_	-	•	J	k	•	J	3		_	J	•	J	k	•	J	J