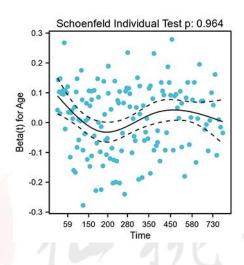


临床意义 - 预后风险假设[记录]



网址: https://www.xiantao.love



更新时间: 2023.03.17



目录

基本概念
应用场景
结果解读
数据格式
参数说明
模型
数据处理
线
点 10
标题文本 1
风格 1
图片
结果说明
主 <mark>要结果1</mark>
补充结果
方法学1
如何引用 20
常见问题 2



基本概念

➤ Cox 回归模型:又称为比例风险回归模型,是一种半参数回归模型。Cox 模型以生存结局和生存时间为因变量,分析众多自变量因素对生存期的影响

■ 数据要求

- ◆ 结局建议用数字编码(0/1,1/2),其中最好用0代表删失或者未 发生事件,1表发生事件
- ◆ 自变量(协变量)可以是数值或者分类变量。分类变量如果是含有等级的含义,则需要以等级资料纳入,需要设置参考组,其他组和这个参考组作对比;如果分类变量是无等级含义,一般是需要经过哑变量编码,但是经过哑变量编码后结果有可能不好解读,故无等级关系的分类变量也可以通过组合的方式形成二分类变量纳入。二分类的分类变量以等级或者非等级纳入的结果都是一致的(二分类分不分等级都一样)。数值变量可以直接以数值变量的形式纳入,亦可转换为等级资料或者二分类资料纳入
- 条件假设: <mark>观测值独立,风险比不随时间改变(比例风险假设)</mark>。(模块内默认是满足此条件)
- 对于回归模型的假设检验通常采用似然比检验、Wald 检验和记分检验
- ➤ PH 假设: 比例风险 (Proportional hazards) 假定。Cox 模型应用的前提条件。基本假设为: 协变量对生存率的影响不随时间的改变而改变,即风险比值 h(t)/h0(t)为固定值。而在实际进行生存分析的过程中,有些自变量对风险函数 (事件发生概率)的影响会随时间的变化而变化,因此在构建 Cox 回归模型之前,必须对 PH 假定进行判定,只有 PH 假定得到满足时,Cox 回归模型的结果才有意义。



▶ 中位生存时间(半数生存期):即当累积生存率为50%时所对应的生存时间, 表示有且只有50%的生病个体可以活过这个时间。只有当分组内最终累积生 存率低于50%才会有中位生存时间

应用场景

风险比例图:用点和线来展示模型(或变量)在不同预后时间下的系数情况;

作用:验证模型的 cox 回归应用的前提假设中的比例风险假设的内容



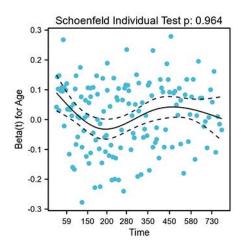
分析流程:

云端数据 —— 单因素多因素 Cox 分析 — 风险比例图可视化

- ➤ 云端数据: 这里的云端数据来自<预后列线图>保存后的记录,默认选中的是 最新保存的记录,保存的记录可以在<历史记录>中找到对应的
- ▶ 单因素多因素 Cox 回归分析:
 - 构建预后 cox 回归模型: 选择好的数据进行 cox 模型构建
 - 通过模型得到模型所有变量的分析结果
 - 进行单因素多因素 Cox 回归分析
- ▶ 风险比例图可视化



结果解读



- ▶ 横坐标表示预后时间
- ▶ 纵坐标表示模型(模型中对应变量)的 cox 回归系数
- ▶ 点表示模型在不同预后时间下的系数值
 - 当系数值越聚集(接近于线性水平)且系数不会随时间变化很大,说明 模型满足比例风险假设
 - 当系数值越分散且系数随时间变化很大,说明模型不满足比例风险假设
- > 实线表示拟合的样条平滑曲线
 - 当曲线越平滑、曲线斜率越接近于 0,且系数不会随时间变化很大,说明模型满足比例风险假设
 - 当曲线偏离 2 个单位的标准差则表示不满足比例风险假设
- ▶ 虚线表示拟合曲线上下2个单位的标准差(置信区间)

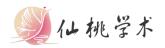


数据格式

这里的云端数据来自<预后列线图/预后列线图[云]>保存后的记录, 默认选中的是最新保存的记录, 保存的记录可以在<历史记录>中找到对应的

根据需要可视化的项目选择好对应的云端数据记录





参数说明

(说明: 标注了颜色的为常用参数。)

模型



▶ 变量:可以根据整个比例风险模型选择其任意变量进行比例风险可视化。

▶ 类型:提供Beta系数或者HR值,影响y轴展示

数据处理



- ▶ 缺失值处理: 可以选择对数据中缺失值进行处理
 - 默认为单因素后多因素前处理变量缺失
 - 还可以选择单因素前统一处理缺失,则是在进行分析之前对全部的缺失 值进行处理



线



▶ 颜色:可以修改图中拟合曲线(实线与虚线(置信区间))的颜色

▶ 粗细:可以修改图中拟合曲线的线条粗细

▶ 不透明度: 可以修改图中拟合曲线的不透明度, 默认为 1, 表示几乎不透明,

1表示完全不透明, 0表示完全透明



点



- ▶ 填充色: 点的填充色颜色选项。受配色方案全局性修改
- ▶ 描边颜色: 点的描边色颜色选项。受配色方案全局性修改
- ▶ 样式:点的样式类型,可选择默认为圆形,还可以选择正方形、菱形、三角形、倒三角
- ▶ 大小:点的大小
- ➤ 不透明度:可以修改图中点的不透明度,默认为1,表示完全不透明,0表示完全透明



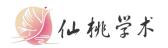
标题文本

> 大标题: 大标题文本

▶ ×轴标题: ×轴标题文本

➤ y轴标题: y轴标题文本

补充: 在要换行的中间插入\n。如果需要上标,可以用两个英文输入法下的大括号括住,比如 {{2}};如果需要下标,可以用两个英文输入法下的中括号括住,比如 [[2]]



风格



▶ 外框:是否添加外框,默认添加

▶ 网格:是否添加网格,默认不添加

》 文字大小: 控制整体文字大小, 默认为 7pt





图片



▶ 宽度: 图片横向长度,单位为 cm

▶ 高度:图片纵向长度,单位为 cm

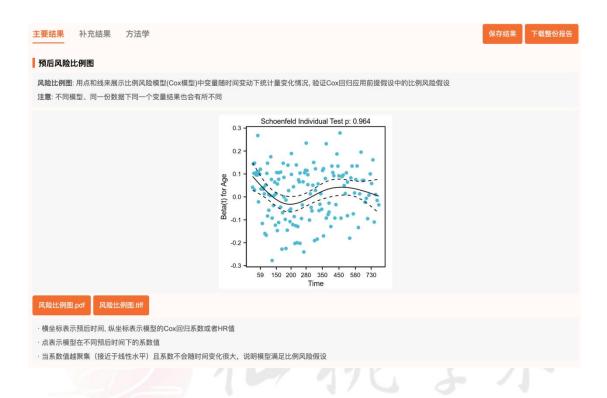
> 字体:可以选择图片中文字的字体





结果说明

主要结果





补充结果

变量情况

变量情况

各个变量识别出来的类型 以及 是否纳入 进行分析

变量	类型	缺失数量	是否纳入分析	补充说明
event	数值变量	0	纳入	
time	数值变量	0	纳入	
Age	数值变量	0	纳入	
Weight loss	数值变量	14	纳入	
Sex	分类变量	0	纳入	
Grade	分类变量	0	纳入	
Stage	分类变量	1	纳入	
Score	数值变量	3	纳入	

总样本数: 228

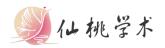
- · 如果某个分类变量的分类>10,将无法识别为分类变量/等级变量
- ·如果变量的分组是以 0 1 2此类进行编码,如果分类数量<5, 会被识别为分类变量;如果>5, 会被识别为数值变量
- ·如果数据中含有无穷值,无穷值会被当做缺失处理

补充说明: 单因素分析前,会先去掉 结局和时间列 中的缺失的样本(时间或者结局缺失的样本是无法纳入进行分析的)

缺失处理策略: 单因素后多因素前处理变量缺失

这里提供数据类型统计表:

- ▶ 如果是数值类型变量,当变量的个数<5个时将按照分类类型进行处理</p>
- ▶ 如果是数值类型+分类类型,当数值类型变量个数>数据行数的80%,将按照数值类型进行处理
- ▶ 如果是分类类型变量, 当变量的个数>10个时将不做处理
- ▶ 如果是分类类型变量, 当变量的个数只有一个(单分类类型), 将不做处理
- ▶ 当变量的异常值过多时(>数据行数80%)该变量将不作处理



中位生存时间

+ 左时间口	14元公米亦昌;	进行,数值变量无法统	计由位件方时间			
エコナルソロフ	(11) 对人大文里)	在1],	11 中国工作时间			
				Sex		
分组	数目	总事件数	总删失数	总删失比例	中位生存时间	中位生存时间置信区间
Male	138	112	26	18.8%	270	212-310
Female	90	53	37	41.1%	426	348-550
				Grade		
分组	数目	总事件数	总删失数	总删失比例	中位生存时间	中位生存时间置信区间
0	40	39	1	2.5%	308	153-473
1	92	80	12	13.0%	267	212-363
2	96	46	50	52.1%	340	286-457

▶ 数值类型将无法进行统计描述(事件情况,中位生存时间等)

单因素 cox 回归分析表

变量	类型	数量	HR	置信区间	p值
Age	数值变量	228	1.020	1.002 - 1.037	0.025
Weight loss	数值变量	214	1.001	0.989 - 1.013	0.828
Sex	等级变量	228			0.001
Male		138	Reference		
Female		90	0.588	0.424 - 0.816	0.001
Grade	等级变量	228			0.170
0		40	Reference		
1		92	0.950	0.647 - 1.394	0.792
2		96	0.696	0.450 - 1.077	0.104
Stage	等级变量	227			< 0.00
Stage1		63	Reference		
Stage2		113	1.445	0.979 - 2.133	0.064
Stage3		51	2.537	1.637 - 3.931	< 0.00

这里提供单因素 cox 回归分析表:

- ▶ 如果出现了 NA, 说明这个变量分组是参考组(ref)或者是这个变量分组在去除变量信息缺失后数目过少或者只有单分类导致没办法计算
- ▶ 每一个变量的缺失情况可以查看第一个表(数据类型统计)
- ▶ 分类类型变量的各分组数量是经过缺失值处理之后得到的,不是原始的



多因素 cox 回归分析表

变量	系数β	HR	置信区间	p 值
Age	0.013155	1.013	0.995 - 1.032	0.159
Weight loss	-0.012988	0.987	0.974 - 1.001	0.064
Sex				
Male		Reference		
Female	-0.65399	0.520	0.364 - 0.742	< 0.001
Grade				
0		Reference		
1	0.22602	1.254	0.826 - 1.903	0.289
2	-0.19297	0.825	0.514 - 1.322	0.423
Stage				
Stage1		Reference		
Stage2	0.4457	1.562	1.031 - 2.365	0.035
Stage3	0.81334	2.255	1.257 - 4.046	0.006
]素Cox.xlsx				
常数/截距(Intercept): 0.34852				
数据一共有228个, 变量信息缺失	的样本有18个, 最终纳入的样本数:	210		

这里提供多因素 cox 回归分析表:

▶ 如果出现了NA,说明这个变量分组是参考组(ref)或者是这个变量分组在去除变量信息缺失后数目过少或者只有单分类导致没办法计算

PH 假设检验表

导致没办法计算。

回归应用的前提是要求自变量满足等比例	<u>风险假设(P > 0.05)</u> ,即自变量的风险不会随着时间改变	而改变,若不满足,则不适合用Cox回归进行	亍检验 。
只对多因素模型以及纳入的变量进行phf	设检验		
: (1)单个变量直接PH假设和在模型里面设	这个变量的PH假设的结果是不一样的; (2)同一份数据不同	同Cox模型中同一个变量的PH假设的结果也是	不一样的
变量	统计量(卡方值)	自由度(df)	p值
Age	0.0020385	1	0.9640
Weight loss	0.0082702	1	0.9275
Sex	2.093	1	0.1480
Grade	0.22192	2	0.8950
Stage	2.5408	2	0.2807
Score	4.3366	1	0.0373
GLOBAL	8.1075	8	0.4230

这里提供 PH 假设检验表: 全局假设 p > 0.05 整个模型满足比例风险假设

1.6513

2.4823



方差膨胀因子

Stage2

Stage3

方差膨胀因子(VIF) 方差膨胀因子可用于分析模型中的变量是否存在多重共线性问题 变量 类型 VIF 数值变量 1.0458 Age Weight loss 数值变量 1.211 Sex 等级变量 Male Reference Female 1.0597 Grade 等级变量 Reference 1.6531 2 1.5997 等级变量 Reference

一般认为,当0 < VIF < 10,不存在多重共线性(补充: 也有认为VIF > 4就存在多重共线性); 当10 < VIF < 100,存在较强的多重共线性; 当VIF >= 100或者是出现NaN,多重共线性非常严重



方法学

统计分析和可视化均在 R 4.2.1 版本中进行

涉及的 R 包: survival 包 ggplot2 包

处理过程:

使用 survival 包进行进行 Cox 回归分析,对构建的模型进行比例风险假设检验并用 ggplot2 进行可视化





如何引用

生信工具分析和可视化用的是 R 语言,<mark>可以直接写自己用 R 来进行分析和可视化即可</mark>,可以无需引用仙桃,如果想要引用仙桃,可以在致谢部分 (Acknowledge) 致谢仙桃学术(www.xiantao.love)。

方法学部分可以参考对应说明文本中的内容以及一些文献中的描述。





常见问题

1. 如何理解结果(图)?

答: 简单来看:

- (1) 当系数值越聚集(接近于线性水平)且系数不会随时间变化很大,说明模型满足比例风险假设
- (2) 当曲线越平滑、曲线斜率越接近于 0, 且系数不会随时间变化很大, 说明模型满足比例风险假设
- 2. 为什么结果与 survminer 包可视化的结果不大一样?

答:此分析是在 base 包基础上进行可视化的,分析数据一样,只是此可视化结果绘制的是误差线(虚线),而 survminer 包则不是;其可视化结果对应坐标轴的刻度取值不相同(完全不影响)

3. 风险比例假设 ph < 0.05 该怎么办? 是不是就不能进行 cox 回归分析了? 还是说在模块中会进行矫正?

答: 主要看整个模型和单个变量模型中的 ph 情况:

- ① 当整个模型(全局) ph < 0.05 时, 所有的变量将不会被纳入进行多因素分析;
- ② 当单个变量模型 ph < 0.05,但整个模型(全局) ph > 0.05 时,则不会影响 到整个模型的分析