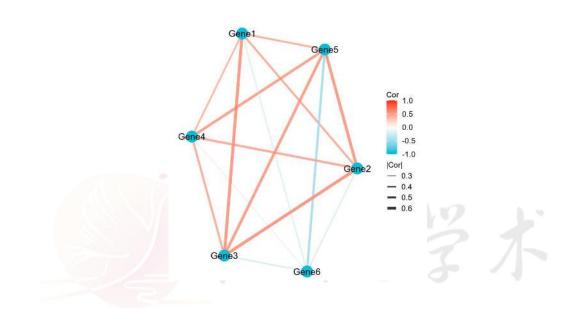


交互网络 - 相关性网络图



网址: https://www.xiantao.love

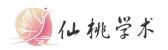


更新时间: 2023.02.10



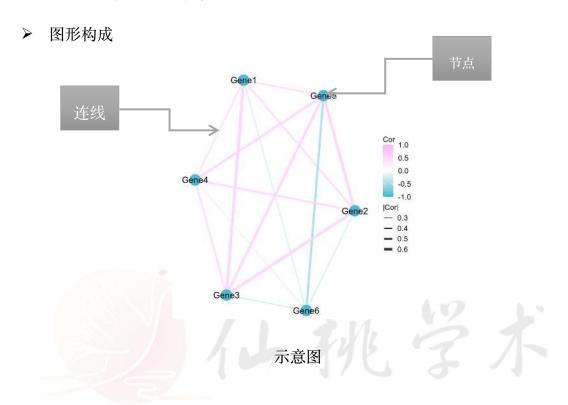
目录

基本概念 3
应用场景 3
结果解读4
数据格式 5
参数说明 6
统计6
连线映射 6
样式 7
线 7
点 8
标注9
标题 9
图注10
风格10
图片
结果说明 12
主要结果 12
补充结果 13
方法学 14
如何引用 15
常见问题



基本概念

相关性网络图:用节点和连线来展示网络节点间的复杂的关系,展示数据间的相互关系,连线的颜色深浅表示相关关系的强弱。

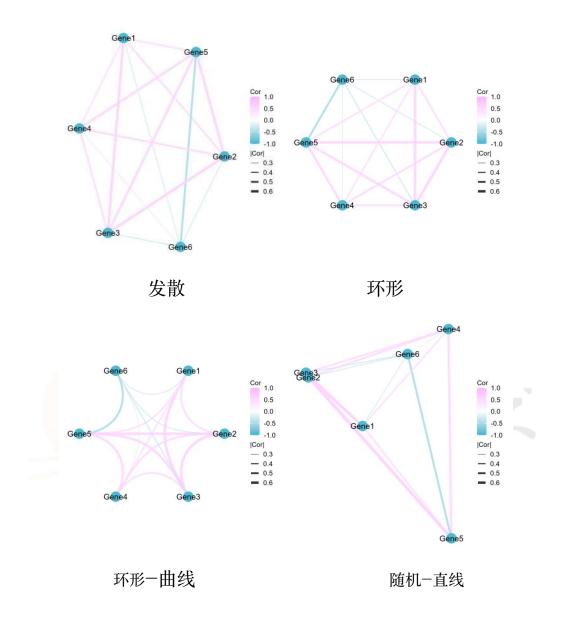


应用场景

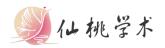
可用于基因表达矩阵等数据的相关性情况的可视化



结果解读



▶ 以上就是提供了可以选择的网络类型,部分的类型会因为数据的不同而会有 一定差别。



数据格式

4	A	R	C	D	E	F
	Gene1	Gene2	Gene3	Gene4	Gene5	Gene6
)	0.496745924	0.467723302	-0.048351761	-0.240196499	0.43226315	0.921879419
	-0.01368477	0.06421928	0.249732944	0.537374657	-0.04316992	1.286957965
	0.01182029	0.141322045	0.633965878	-0.263885834	0.542861073	0.490195153
	-0.004488363	-0.058815726	0.586873137	0.222179483	0.179198701	0.44559659
	-0.210829963	0.369931219	0.547144016	0.36844285	0.472425386	0.854233325
	0.642966409	0.355974738	0.671350067	-0.173697559	-0.032966	0.767416042
	-0.179486354	0.196057306	0.168928365	0.065455873	-0.014343253	0.448853135
	0.119288873	-0.192532717	-0.155474752	0.501615558	-0.246108244	0.940513758
)	0.15636136	0.52661018	-0.077797179	0.380145601	0.315129994	1.260823014
	0.625642134	0.319952123	0.246807153	0.013511406	0.392323231	1.198206731
	0.223237827	0.46813969	-0.270452353	-0.271382299	-0.042795272	0.734466762
	0.327989421	0.053296945	-0.054571989	0.113712744	-0.114236178	0.36837606
	-0.138863375	0.651505674	0.145345091	0.532905728	0.306025015	0.945230436
	0.049065953	-0.14631829	0.063868247	0.010649082	0.333018047	0.33428674
	0.391187731	0.140520319	-0.000645322	0.505075229	0.51432391	0.440272447
1	0.567831358	0.497207698	0.374835286	-0.068825581	0.103242341	0.334437394
	0.616972199	0.215477305	0.138560234	0.283830582	0.2192212	1.182833055
)	0.189545701	0.652805553	0.3729213	0.240424702	0.525400967	0.703610661
)	0.693559794	0.252345787	0.291509496	0.589817565	0.360265515	1.025264571
	0.268064533	0.167623765	0.101894771	0.052856594	0.623632012	0.407349551
)	0.076080391	0.443471466	0.594098405	0.501396736	0.642535289	0.517065425
3	0.68979921	-0.160594537	-0.205384295	0.137918428	0.282905908	0.960327519
1	-0.084735119	0.005180791	0.51138711	-0.136017162	0.127669865	1.2115029
5	-0.050495426	0.225384103	-0.230703811	-0.096848174	0.453652247	0.381458591
3	-0.108420623	-0.176574071	-0.085884706	0.664782073	0.558842782	1.142276563
4	0.010400014	4 440740000	0.000040007	0 57741054	0 001704054	0.000040004

表格: 基因表达原始矩阵

- ▶ 每一列代表 1 个变量(特征),每一行代表 1 个样本,模块会对数据的变量 进行两两相关分析。
- ▶ 数据至少2列,最多100列,至少2行,最多2000行。



参数说明

(说明:标注了颜色的为常用参数。)

统计



▶ <mark>统计方法</mark>:相关性分析方法,可以选择 Spearman 或者 Pearson

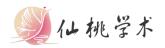
连线映射



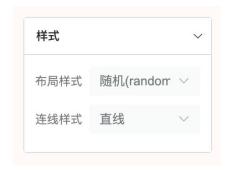
颜色映射:选择映射为颜色的变量(调整颜色的变量)

▶ 粗细映射:选择映射粗细的变量(调整粗细的变量)

▶ 透明映射:选择映射透明度的变量(调整透明度的变量)



样式



样式:网络图布局样式,可以选择发散、环形、环绕、随机等

▶ 连线样式:直线或者曲线

线



颜色:条带对应的颜色映射情况,前两个色块会被作为相关性-1 和+1 对应的颜色(图注)

> 线条类型: 默认是实线, 也可以选择虚线类型

▶ 粗细比例:连线的粗细之间的比例,控制粗细的范围

▶ 不透明度: 默认是1,1为不透明,0为完全透明



点



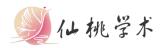
▶ 填充色:点的填充颜色选项

➤ 描边色:点的描边颜色选项

▶ 样式:点的样式类型,可选择 圆形、正方形、菱形、三角形、倒三角。可以多选。

> 大小: 点的大小

▶ 不透明度:默认是 0.8 , 1 为不透明, 0 为完全透明



标注



▶ 选择:标注全部变量、特定变量或者不标注

▶ 特定样本:如果选择了标注特定样本,可以在框里输入样本名,注意,输入的样本名需要与上传的表格里的样本名一致

▶ 标注大小: 默认 6pt

仙桃学术

标题



▶ 标题:大标题文本

➤ x 轴标题: 输入 x 轴标题内容



图注



▶ 是否展示:是否展示

▶ 图注位置:默认是下,也可以选择右

风格



》 文字大小: 图中的文字部分的大小(包括标签文字和刻度数), 默认是 6pt



图片



▶ 宽度:图片横向长度,单位为 cm

▶ 高度:图片纵向长度,单位为 cm

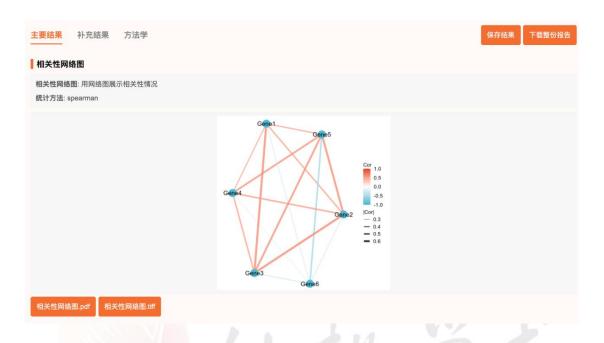
▶ 字体:可以选择图片中文字的字体



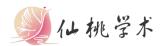


结果说明

主要结果



主要结果格式为图片格式,提供 PDF、TIFF 格式下载。

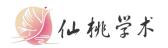


补充结果



相关性系数表格:

- 1. 表中包含了各个变量间的相关系数(r)值,相关系数一般是 -1到1 之间,正负号表示正相关和负相关,系数绝对值大小表示相关性大小
- 2. 一般关系强度是: $|\eta|>0.95$: 显著性相关; $|\eta|\geq0.8$: 高度相关; $|0.55|\eta|<0.8$: 中度相关; $|0.35|\eta|<0.5$: 低度相关; $|\eta|<0.3$: 弱相关相关性p值表格:
- 1. 表中包含了各个变量间的相关性的检验p值



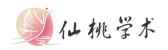
方法学

统计分析和可视化均在R 4.2.1 版本中进行

涉及的 R 包: igraph, ggraph

处理过程:清洗整理数据后进行两两相关性分析,分析结果用网络图可视化





如何引用

生信工具分析和可视化用的是 R 语言,<mark>可以直接写自己用 R 来进行分析和可视化即可</mark>,可以无需引用仙桃,如果想要引用仙桃,可以在致谢部分 (Acknowledge) 致谢仙桃学术(www.xiantao.love)。

方法学部分可以参考对应说明文本中的内容以及一些文献中的描述。





常见问题

1. 相关性网络图节点上怎么没有标注信息?

答: 在标注参数里面可以选择展示。

