گزارش پروژهی پردازش سیگنال دیجیتال

موضوع: دسته بندی آریتمی قلب به کمک Spectogram و موضوع: دسته بندی آریتمی قلب به کمک ECG قلب

استاد: آقای دکتر شکفته

ارائه از پدرام یزدی پور

شماره دانشجویی: ۹۹۴۴۳۲۴۱

بهمن ۱۴۰۱

توضيح مختصر موضوع مقاله:

در این مقاله، نوع آریتمی(بینظمی) ضربان قلب به کمک شبکههای عصبی کانولوشنی دستهبندی شده است. برای این کار، ابتدا نمودار Spectogram نوار قلب افراد به کمک تبدیل فوریهی کوتاهمدت رسم شده است و پس از برچسبزنی، تصاویر این نمودارها برای آموزش شبکه عصبی کانولوشنی به کار گرفته شدهاست.

توضیح مختصر کارهای پیشین:

اهمیت تشخیص زودهنگام بیماریهای قلبی به منظور جلوگیری از بروز آسیبهای شدیدتر در آینده بر هیچ کس پوشیده نیست. به همین منظور طی سالیان متمادی در مقالات زیادی به موضوع تشخیص آریتمی قلبی توسط هوش مصنوعی پرداخته شده است. در برخی کارها، سیگنال زمان گسستهی قلب مستقیما توسط شبکه عصبی کانولوشنی یک بعدی پردازش شده است مانند آنچه در پردازش زبان طبیعی میبینیم. در بعضی کارها نیز به دلیل وجود وابستگیهای زمانی، از شبکههای بازگشتی برای استخراج ویژگیهای زمانی موجود استفاده شده است. در برخی دیگر از کارها ترکیبی از دو شبکهی مذکور برای رسیدن به بهترین دقت مورد استفاده قرار گرفته است. در کنار روشهای مستقیم، برخی روشهای غیرمستقیم نیز وجود دارند که ابتدا بازنمایی داده را تغییر داده و سپس دادههای جدید را پردازش می کنند. در بسیاری از مقالات، سیگنال زمان گسسته ابتدا به تصویر تبدیل شده و سپس توسط شبکههای عصبی کانولوشنی پردازش میشود. در فرآیند تبدیل سیگنال به تصویر، رویکردهای مختلفی وجود دارد از جمله تصویر نمودار تبدیل فوریهی سیگنال یا تصویر نمودار سیگنال به در زمان و ... در این مقاله هدف ما دستهبندی نوع آریتمی قلبی با استفاده از تصاویر Spectogram سیگنال است که خود حاصل تبدیل فوریهی زمان کوتاه این گونه است که خود حاصل تبدیل فوریهی زمان کوتاه این گونه خوب در در یک تابع پنجره، مجذور اندازهی ماتریس حاصل پلات گرفته میشود. ادعای نویسندگان مقاله این ضرب در یک تابع پنجره، مجذور اندازهی ماتریس حاصل پلات گرفته میشود. ادعای نویسندگان مقاله این است که با پیادهسازی این روش میتوان به بهبود نتایج امیدوار بود.

توضیح دادگان:

در این مقاله از دادگان مشهور دانشگاه MIT استفاده شده است. این دادگان در دههی ۷۰ میلادی از ۴۸ فرد بالغ جمع آوری شده است. هر نوار قلب شامل ۳۰ دقیقه سیگنال زمان گسسته با نرخ نمونهبرداری ۳۶۰ هر تز است. برچسبزنی سیگنالها بر اساس نوع خاص ضربان قلب انجام شده است و به طور کلی حدود ۱۱۰ هزار ضربان قلب و برچسب متناظرشان را در اختیار داریم. حجم دیتاست حدود ۳۰۰ مگابایت است و به راحتی قابل دانلود است. بیشتر ضربانهای قلب در کلاس نرمال قرار می گیرند و به این ترتیب، دیتاست از عدم تعادل رنج

میبرد. در حالت کلی ۱۸ کلاس مختلف آریتمی وجود دارد که در عموم مقالات ۵ نوع پرتکرار مورد بررسی قرار می گیرند. در این مقاله قصد بررسی ۷ نوع مختلف را داریم.

نحوهی پیادهسازی:

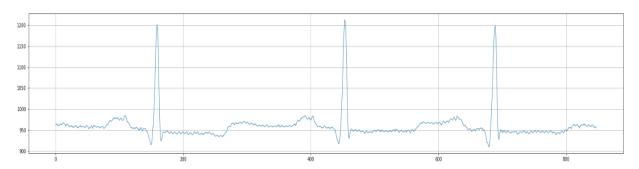
ابتدا باید ذکر کنیم که روشهای متفاوتی برای رسم اسپکتوگرام وجود دارد. در این پروژه، به ازای هر ضربان، ضربان قبل و بعد را می گیریم. اگر کلاس هر سه ضربان در لیست برچسبهای ما وجود داشت که ادامه می دهیم، در غیر این صورت آن بخش را در نظر نمی گیریم. بعد از بررسی کلاس سه ضربان، اگر هر سه از یک کلاس بودند که برچسب این قطعه سیگنال برابر برچسب سه ضربان است. اگر بیش از دو نوع ضربان داشته باشیم، مجددا این قطعه در نظر گرفته نمی شود. اگر این حداکثر دو نوع ضربان، فاقد کلاس نرمال بودند، باز این قطعه ارزشی ندارد. در واقع تلاش می کنیم ضربانهای خارج نرمال روی برچسب زنی قطعات مختلف از یک سیگنال را داشته باشند و البته اگر یک فرد سه ضربان متوالی ش کاملا متفاوت است، این قطعه از سیگنال را دور می ریزیم. پس از تبدیل سیگنالها به اسپکتوگرام با اندازهی پنجرهی ۲۵۶، هم پوشانی ۲۲۸ و سه تابع پنجرهی از بهره می گیریم. برای پیادهسازی از فریم ورک Keras استفاده می کنیم. برای ارزیابی هم از دقت، صحت، کار بهره می گیریم. برای پیادهسازی از فریم ورک Keras استفاده می کنیم. برای ارزیابی هم از دقت، صحت، فراخوانی و امتیاز F1 استفاده می کنیم. همچنین از پلات بازگشتی نیز به عنوان تصاویر مورد نیاز شبکه بهره خواهیم گرفت. در واقع در ۴ حالت مختلف، مقایسه انجام خواهیم داد که سه حالت برای یافتن بهترین پنجره و حالت چهارم برای مقایسهی اسپکتوگرام با پلات بازگشتی است.

توضيح كد:

```
pos_cur = int(next(splitted)) # Sample ID
pos_last = int(next(last_splitted)) # Sample ID
pos_next = int(next(next_splitted)) # Sample ID
arrhythmia_type_cur = next(splitted) # Type
arrhythmia_type_next = next(next_splitted) # Type
arrhythmia_type_last = next(last_splitted) # Type
if(arrhythmia_type_cur in classes and arrhythmia_type_next in classes and arrhythmia_type_last in classes):
   last index = classes.index(arrhythmia type last)
   next_index = classes.index(arrhythmia_type_next)
   cur_index = classes.index(arrhythmia_type_cur)
   tmp_set = list(set([last_index, cur_index, next_index]))
   if len(tmp set) > 2:
   elif 0 not in tmp set and len(tmp set) == 2:
     pass
   else:
     if len(tmp set) == 1:
       #print(tmp set[0])
        arrhythmia index = tmp set[0]
     else:
        if tmp set[0] == 0:
          arrhythmia index = tmp set[1]
          #print(tmp_set[1])
       else:
          arrhythmia_index = tmp_set[0]
          #print(tmp_set[0])
```

در قسمت فوق با خواندن کلاس ضربان فعلی، قبلی و بعدی ابتدا چک می کنیم که کلاسهای هر سه در لیست کلاسهای هفتگانه ی ما باشند. سپس اگر بیشتر از دو نوع ضربان داشته باشیم، مجددا این قطعه در نظر گرفته نمی شود. اگر این حداکثر دو نوع ضربان، فاقد کلاس نرمال بودند، باز این قطعه ارزشی ندارد. اگر حداکثر دو نوع ضربان داریم که یکی نرمال است، کلاس این قطعه برابر برچسب دیگر است.

سپس یک نمونه از دیتای برچسب زده شده با برچسب ۳ را میبینیم:



بعد از جمع آوری دیتا، توزیع کلاسهای مختلف را بررسی می کنیم:

```
mycolors = ["black", "hotpink", "b", "#4CAF50",'red', 'green', 'yellow', 'orange']
plt.pie(count_classes, labels = ['N', 'L', 'R', 'A', 'V', '/', 'F'], colors = mycolors)
plt.show()
```



همان طور که قابل مشاهده است، از هر کلاس به تعداد برابر(۱۰۰۰) نمونه داریم.

```
def normalize(arr):
    t_min = np.min(arr)
    t_max = np.max(arr)
    norm_arr = []
    for i in arr:
        temp = (i - t_min)/(t_max - t_min)
        norm_arr.append(temp)
    return np.array(norm_arr)
```

قطعه کد روبرو نیز برای نرمالسازی مقادیر سیگنال به بازه ی صفر تا یک استفاده می شود:

کد زیر برای رسم نمودار بازگشتی استفاده میشود:

```
from scipy.spatial.distance import pdist, squareform

def rec_plot(s, eps, steps):
    d = pdist(s)
    d = np.floor(d/eps)
    d[d>steps] = steps
    Z = squareform(d)
    return Z

def generate_recurrence_plot(ecg_sample, path, file_name, label):
    my_dpi=300
    f = plt.figure(figsize=(224/my_dpi, 224/my_dpi), dpi=my_dpi)
    b = plt.imshow(rec_plot(np.array(ecg_sample).reshape(-1,1), eps=0.7, steps=10), cmap='gray')
    plt.savefig(path+label+'/'+file_name)
    f.clf()
    plt.close(f)
```

ابتدا فاصلهی اقلیدسی تمام نقاط از هم محاسبه میشود. میدانیم هر قطعه از سیگنال ۸۹۵ نمونه دارد(سه ضربان قلب) پس به دلیل متقارن بودن فواصل نقاط از یکدیگر، میتوانیم نصف حالات معادل ۴۰۰ هزار فاصله را بسنجیم. سپس با تغییری روی مقادیر فواصل، کف این مقادیر گرفته شده و به ازای مقادیر بیشتر از مقدار step، همین مقدار جایگزین میشود. در پایان، بردار فاصله تبدیل به ماتریس مربعی متقارن فواصل شده و با نام Z بازگردانده میشود. تابع generate_recurrence_plot برای تولید تصاویر پلاتهای بازگشتی و ذخیرهی آنها در گوگل درایو شخصی نوشته شده است.

تقسیم دادگان به دادگان آموزش و تست:

```
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size = 0.2, random_state = 42)
```

تولید اسپکتوگرام:

```
import librosa
import librosa.display
from matplotlib.colors import LinearSegmentedColormap

def generate_stft_img(ecg_sample, n_fft , hop_length , pad_mode, window, path, file_name, label):

    cmap=LinearSegmentedColormap.from_list('gyr',["g", "y", "r"], N=256)
    my_dpi=300
    f = plt.figure(figsize=(224/my_dpi, 224/my_dpi), dpi=my_dpi)
    plt.ioff()
    D = np.abs(librosa.stft(ecg_sample, n_fft=n_fft, win_length=n_fft, hop_length = hop_length, pad_mode = pad_mode, window = window))
    db = librosa.amplitude_to_db(D,ref=np.max)
    plt.axis('off')
    img = librosa.display.specshow(db, sr=360, hop_length = hop_length, y_axis='log', x_axis='time', cmap='rainbow')
    plt.savefig(path+label+'/'+file_name)
    f.clf()
    plt.close(f)
```

در قطعه کد بالا نیز تابعی با دریافت قطعه سیگنال، سایز پنجره، مقدار همپوشانی، حالت افزودن حاشیه، نوع تابع پنجره و اسم و آدرس ذخیرهی تصویر، اسیکتوگرام هر قطعه را رسم میکند.

ذخیرهی اسپکتوگرام و پلاتهای بازگشتی در قالب تصویر به ازای دادگان آموزش و تست:

```
labels = ['N', 'L', 'R', 'A', 'V', '/', 'F']
for i in range(0,len(X_train)):
   tmp_name = 'image_' + str(i)
   if labels[int(y_train[i])] == '/':
      generate_recurrence_plot(normalize(np.array(X_train[i])), path = path_train,
      #generate_stft_img(normalize(np.array(X_train[i])), n_fft = 256, hop_length = 128, pad_mode='wrap',window='hann', path = path_train,
      #generate_stft_img(normalize(np.array(X_train[i])), path = path_train,
      #generate_stft_img(normalize(np.array(X_train[i])), n_fft = 256, hop_length = 128, pad_mode='wrap',window='hann', path = path_train,
```

ما به این ترتیب عمل کردیم که ابتدا برای هر کدام از چهار روش شامل سه حالت اسپکتوگرام و یک حالت پلات بازگشتی، تصاویر مربوطه را در فولدرهایی به نام برچسب کلاسشان ذخیره کردیم و بعد به کمک کلاس .

Keras از SmageDataGenerator از دادگان خارجی را ساختیم:

```
tr = ImageDataGenerator(rescale=1/255)
val = ImageDataGenerator(rescale=1/255)
train_dataset = tr.flow_from_directory(path_train, target_size = (224,224),batch_size = 128, class_mode='categorical', shuffle=True, seed = 42)
test_dataset = val.flow_from_directory(path_val, batch_size = 128, target_size = (224,224), class_mode='categorical', shuffle=False, seed = 42)
Found 5601 images belonging to 7 classes.
Found 1401 images belonging to 7 classes.

train_dataset.class_indices
```

{'A': 0, 'F': 1, 'L': 2, 'N': 3, 'P': 4, 'R': 5, 'V': 6}

همانطور که میبینید دیتاست ما شامل ۷ کلاس است و دادگان آموزش شامل ۵۶۰۱ تصویر و دادگان تست شامل ۱۴۰۱ تصویر است. رزولوشن تصاویر ۲۲۴ در ۲۲۴ است. مقدار سایز دسته ۱۲۸ در نظر گرفته شده است زیرا با افزایش این مقدار، رم گوگل کولب تمام میشود.

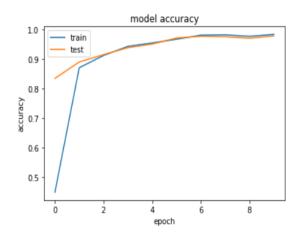
در صفحهی بعد، معماری مدل را خواهیم دید؛ این شبکه دارای چهار لایهی کانولوشنی و پولینگ متوالی است که تعداد فیلترها از ۶۴ تا ۵۱۲ افزایش می یابد. سایز فیلترها نیز در تمام لایهها ۳ در ۳ است و تابع فعالسازی relu خواهد بود. پس از صاف کردن تمام فیچرمپها، از یک لایهی تمام متصل با ۱۰۲۴ نورون و در لایهی آخر

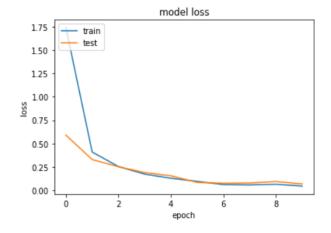
از ۷ نورون با تابع فعالسازی softmax برای دستهبندی استفاده شده است. Adam با نرخ یادگیری ۰.۰۰۱ نیز بهینه ساز این مدل خواهد بود.

```
model = tf.keras.models.Sequential([
    tf.keras.layers.Conv2D(64,(3,3),activation='relu',input_shape = (224,224,3)),
    tf.keras.layers.MaxPool2D(2,2),
    tf.keras.layers.Conv2D(128,(3,3),activation='relu'),
    tf.keras.layers.MaxPool2D(2,2),
    tf.keras.layers.Conv2D(256,(3,3),activation='relu'),
    tf.keras.layers.MaxPool2D(2,2),
    tf.keras.layers.Conv2D(512,(3,3),activation='relu'),
    tf.keras.layers.MaxPool2D(2,2),
    tf.keras.layers.Flatten(),
    tf.keras.layers.Dense(1024, activation='relu'),
    tf.keras.layers.Dense(7, activation='softmax')
1)
model.compile(loss = 'categorical crossentropy',
              optimizer=tf.keras.optimizers.Adam(learning rate=0.001),
              metrics = ['accuracy'])
model.summary()
```

در ادامه نمودارهای خطا و صحت را روی دادگان آموزش و تست برای هر ۴ مدل خواهیم دید. تفاوت این ۴ مدل نه در معماری(چون معماری همان معماری بهینهی مقاله است تا مقایسه منصفانه باشد) بلکه در تصاویر مورد استفاده برای آموزش و تست است. در سه حالت از تصاویر اسپکتوگرام با پنجرههای مثلثی، پارزن و هن و یک حالت نیز از تصاویر پلات بازگشتی استفاده شده است.

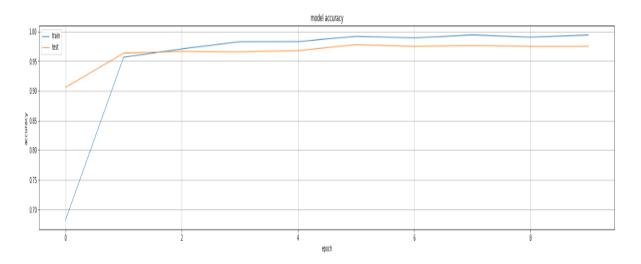
نمودارهای حالت اول، اسپکتوگرام با تابع پنجرهی Hann:



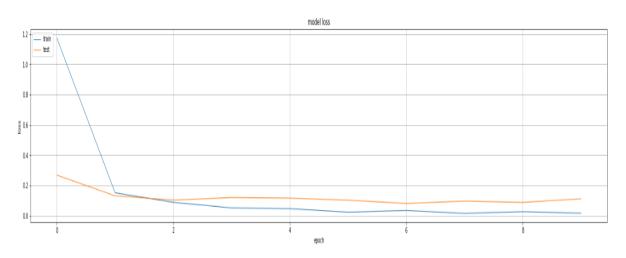


نمودارهای حالت دوم، پلات بازگشتی:

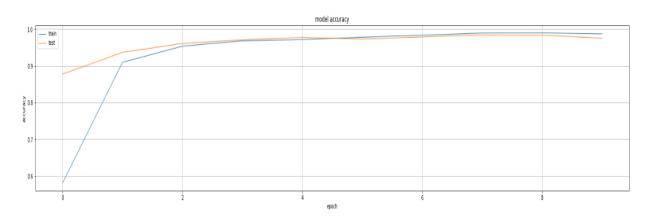
صحت:



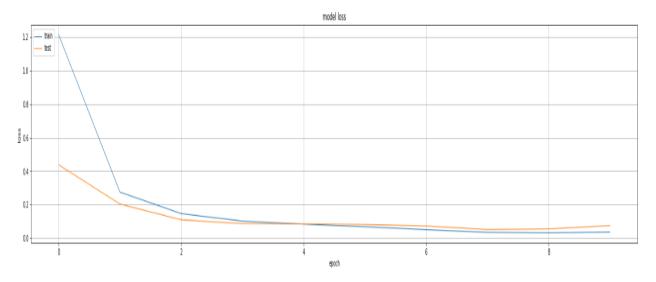
خطا:



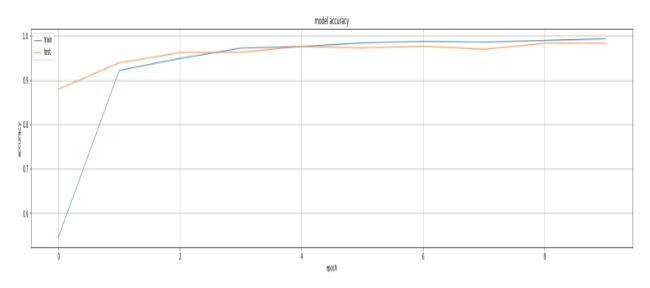
نموارهای حالت سوم، اسپکتوگرام با تابع پنجرهی مثلثی: (نارنجی برای تست است) — نمودار صحت



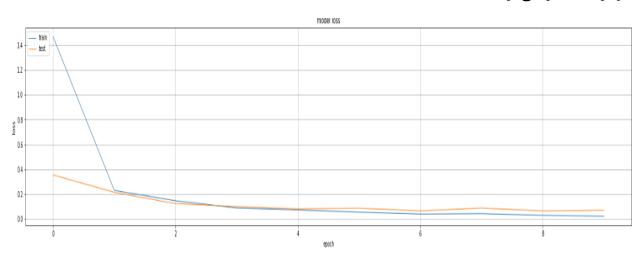
نمودار خطای حالت مثلثی: (نارنجی برای تست است)



نمودارهای حالت چهارم، تصاویر اسپکتوگرام با تابع پنجرهی پارزن: (نمودار صحت، نارنجی برای تست است)



نمودار خطا: (نارنجی برای تست است)



با بررسی نمودارهای فوق می توان دریافت هیچکدام از حالات فوق دچار بیشبرازش نشدهاند و میزان صحت نیز حداقل تا گام هشتم در حال افزایش است.

پس از اتمام آموزش، باید مقادیر معیارهای ارزیابی ذکر شده در ابتدای گزارش شامل دقت، صحت، فراخوانی و امتیاز F1 را نیز گزارش کنیم. برای این کار از کد زیر استفاده می کنیم:

خروجی مدل به ازای هر نمونهی سیگنال ورودی موجود در دادگان تست، یک بردار ۷ مولفهای است که هر مولفه احتمال تعلق سیگنال ورودی به یکی از کلاسها را بیان میکند و مجموع این ۷ مقدار برابر ۱ هستند. کلاس پیشبینی شده را برابر عددی بین ۰ تا ۶ که بالاترین احتمال را دارد، در نظر میگیریم.

کد مربوط به ذخیرهی مدل در گوگل درایو پس از آموزش:

```
model.save('/content/drive/MyDrive/parzen/my_model.h5')

کد مربوط به بارگذاری مدل از گوگل درایو:

model = load_model('/content/drive/MyDrive/parzen/my_model.h5')
```

کد مربوط به محاسبات معیارهای ارزیابی:

```
model = load_model('/content/drive/MyDrive/parzen/my_model.h5')
predictions = model.predict(test_dataset)
final_pred = np.argmax(predictions, axis=-1)
print('precision_score: ',precision_score(target, final_pred, average='macro'))
print('accuracy_score: ',accuracy_score(target, final_pred))
print('recall_score: ',recall_score(target, final_pred, average='macro'))
print('f1_score: ',f1_score(target, final_pred, average='macro'))
```

precision_score: 0.9830114474008692 accuracy_score: 0.9828693790149893 recall_score: 0.9829248585593763 f1 score: 0.9828997234552734

جدول معیارهای ارزیابی:

Model	Accuracy	Precision	Recall	F1
Spec-triangle	97.57	97.76	97.56	97.61
Spec-parzen	98.28	98.30	98.29	98.28
Spec-hann	97.85	97.88	97.86	97.87
Recurrence plot	97.50	97.51	97.51	97.46

مدلی که با استفاده از تصاویر اسپکتوگرام با تابع پنجرهی پارزن آموزش دیده است، بهترین نتایج را دارد.

لينک دادگان خام:

https://drive.google.com/drive/folders/1NwifQJ8oT3i0k iyt4gKNtJprk94gcyo?usp =sharing

لینک مدل و دادگان اسپکتوگرام پارزن:

https://drive.google.com/drive/folders/1QpwzDOYgw6ULX7xvvGKuQOeWKv270nz0?usp=share link

لینک مدل و دادگان اسپکتوگرام مثلثی:

https://drive.google.com/drive/folders/17fc5GUeFCWYI-w2EcBv4Qsd58NtksB3L?usp=share link

لینک مدل و دادگان اسپکتوگرام هن:

https://drive.google.com/drive/folders/1kRa5-8hnRAPZJNp2jRlhKpohkSu9IADz?usp=share link

لینک مدل و دادگان پلات بازگشتی:

https://drive.google.com/drive/folders/1iXx-NHaLD 35eHDUc4GABjEwBYjNwCz?usp=share link

لینک نوتبوک(شامل کد و خروجیها):

https://colab.research.google.com/drive/1MxS8PIlmGQhnf ljv1o4TEnYC-S917Zq?usp=sharing