p = 9.26e-34

hrf ama

brf Imo -

brf Iso -

brf sqso -

bxt gmo -

bxt gso -

bxt Imo -

bxt Iso -

bxt sgso -

bxt_sgso_us -

bxt gmosa -

brf sgso us -

brf_gmo

NS

**

511_91110												
brf_gmosa -	. ***	-	*	NS	***	***	***	***	***	***	***	*

**

NS

bxt_gmo

orf_sgso_us

brf_sgso .

TL precision weighted

NS

NS

bxt_gso

NS

bxt_gmosa

NS

NS

*

NS

bxt_lmo

NS

NS

**

NS

bxt_sgso_us

brf_gmosa - ***	-	*	NS	***	***	***	***	***	***	**
brf_gso - ***	*	-	**	***	***	***	***	***	***	**

brf_lmo

brf_gso

brf_gmosa