1º Projeto de ASA - Relatório

<u>Introdução</u>

Os objetos do problema (*routers* e ligações) podem ser representados numa linguagem de programação como nós e arcos, respetivamente. Podemos modelar o problema usando o conceito de grafos/subgrafos não dirigidos e, assim, utilizar algoritmos de pesquisa em grafos para determinar o **número de subredes** e o **maior identificador de cada subrede**. Os routers que, se removidos, aumentam o número de subredes correspondem ao conceito de **pontos de articulação** de um grafo. O último output é obtido determinando o **tamanho do maior subgrafo (sem os pontos de articulação)**. Decidimos utilizar essa representação na nossa solução e, assim, utilizar algoritmos de pesquisa em grafos para determinar os *outputs* requeridos.

Escolhemos implementar a nossa solução na linguagem C++.

Descrição da solução

Excetuando os inputs/outputs, a nossa solução divide-se em 2 partes :

- Realização de uma 1ª procura em profundidade (DFS) sobre o grafo, para determinar os três primeiros *outputs*
- Realização de uma 2ª DFS para determinar o último *output*

A função **getGraphData** é a função principal do programa que dado um grafo, calcula os dados descritos no problema.

Após várias inicializações, é realizada a 1ª DFS, que percorre o grafo, calculando para cada nó **u** o seu tempo de descoberta, **d[u]**, e o valor do *low*, **low[u]**, definido como o menor valor entre:

- o tempo de descoberta de u na pesquisa DFS.
- o tempo de descoberta dos nós **w** tais que existe um descendente de **u** que tem um arco para trás para **w** (na árvore DFS).

Esta procura é executada por chamadas sucessivas da função **getAP** (*get articulation points*) que, dado um vértice \mathbf{u} , atualiza os seu valores de \mathbf{d} e **low** e é chamada recursivamente sobre os vizinhos de \mathbf{u} que ainda não foram visitados ($\mathbf{d}[\mathbf{u}] == \mathbf{NIL}$).

O número de subgrafos (**numGroups**) é calculado através da contagem do número de vezes que a função **getAP** tem de re-invocada num novo vértice, por todas as suas chamadas recursivas terem terminado (o que significa que o subgrafo atual não tem mais nós por explorar).

O maior identificador de cada subrede (vetor **groupIDs**) é calculado simplesmente guardando o ID do primeiro nó visitado em cada *restart* da função **getAP**. Este método funciona, pois os vértices são percorridos do maior identificador para o menor, logo, da cada vez que a função **getAP** recomeça, o próximo nó por visitar será o de maior ID de todos os que ainda não foram visitados, o que implica que seja o de maior ID do seu subgrafo (independentemente do subgrafo a que pertença).

Os pontos de articulação (array de booleanos **isAP**) são calculados pela função **getAP** da seguinte forma:

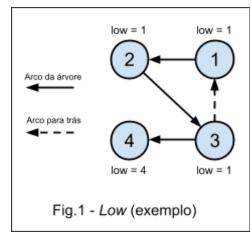
- Se u é a raiz do seu subgrafo (parent == NIL) e tem mais de um filho na árvore DFS (children > 1), u é um ponto de articulação.
- Se u não é a raiz do seu subgrafo e tem um filho v tal que low[v] >= d[u], v é um ponto de articulação.
- Caso contrário, u não é um ponto de articulação.

A propriedade (1) verifica-se devido ao facto de a pesquisa ser em profundidade primeiro. Se u é a raiz da árvore DFS e tem mais de um filho (v1, v2, ..., vn) significa que não for possível encontrar, durante a DFS, um caminho de v1 para v2 (por exemplo) que não passe por u, o que implica que a remoção de u tornaria o grafo desconexo.

A propriedade (2) advém da definição do valor low. Se u não é a raiz, e tem

um filho v tal que low[v] >= d[u], então todos os arcos para trás que partem de v e dos seus descendentes têm como destino nós w com d[w] >= d[u], ou seja, vértices descobertos depois de u (ou o próprio u). Isto significa que é impossível encontrar um caminho de v para os ascendentes de u sem passar por u, pelo que u é ponto de articulação.

No exemplo da Fig.1, o nó 3 é um ponto de articulação, pois tem um filho - o nó 4 - tal que low[4] >= d[3] (4 >= 3).



O tamanho do maior subgrafo sem os pontos de articulação (maxGroupSize) é calculado na função findMaxGroup fazendo uma nova DFS em todo o grafo, mas não visitando os pontos de articulação (pontos u com isAP[u] == true), e contando o número de vértices visitados entre cada restart da função (currentGroupSize).

Análise teórica

Vamos determinar a complexidade da nossa solução em função do número de nós (N) e arcos (M) do grafo, usando a notação assintótica.

A leitura do *input* tem complexidade O(M), pois consiste na leitura de dois valores singulares e M arestas. A apresentação do *output* tem complexidade O(N), pois consiste em três valores singulares e, no máximo, N identificadores de vértices (no caso extremo de não haver arestas).

A função **getGraphData** tem declarações e inicializações de complexidade total O(N) e chamadas sucessivas às funções **getAP** e **findMaxGroup**.

A função getAP tem, antes e depois do ciclo for (na Fig.2), várias cuja complexidade instruções depende do tamanho de N ou M (O(1)). Uma vez que a função é chamada, no total. Ν vezes. estas instruções contribuem O(N)com para complexidade da solução. No ciclo for, para cada nó, serão percorridas todas adjacências, suas logo, adjacência de cada nó será percorrida

uma única vez. Visto que cada arco liga dois nós, o bloco de código dentro do ciclo for será executado 2*M vezes, o que implica uma complexidade O(M). Logo, a função **getAP** tem complexidade O(N + M).

A função **findMaxGroup**, pelo mesmo raciocínio, no máximo (caso não haja pontos de articulação), também percorre uma única vez cada vértice e duas vezes cada aresta, pelo que tem complexidade O(N + M).

Logo, a função **getGraphData** tem complexidade O(N + M).

A função **main** executa as operações de *input/output* e chama a função **getGraphData**, pelo que a sua complexidade é O(N + M).

As estruturas de dados que utilizámos são todas, no máximo, lineares no tamanho dos dados que guardam. Nomeadamente a complexidade espacial da lista de adjacências **adj** é O(M) e a dos *arrays* **d**, **low** e **isAP** é O(N) tal como a do vetor **groupIDs**.

Avaliação experimental

Apresentamos aqui os resultados da avaliação da duração da execução e da memória utilizada pelo nosso programa com inputs de 10000*x nós e 20000*x arcos (com $1 \le x \le 50$). Para calcular o tempo de execução realizámos 50 testes para cada input e calculámos a sua média. Para calcular a memória, realizámos apenas um teste para cada um dos 50 inputs.

Fig. 3 - Tempo de execução em função do número de nós e arcos

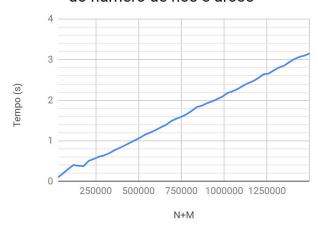
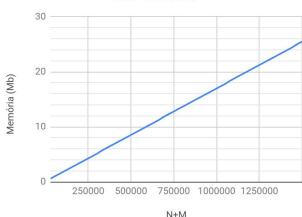


Fig. 4 - Memória em função do número de nós e arcos



Os resultados experimentais apoiam a nossa análise teórica, porque ambos os gráficos mostram uma variação linear no número de nós e arcos.

Referências:

https://en.wikipedia.org/wiki/Biconnected_component https://walkccc.github.io/CLRS/Chap22/Problems/22-2/