Projet L3 Fouille de données Ingénierie des langues

GOEHRY Martial 16711476

11 mai 2024

Table des matières

1	Fouille de données	5
	1.1 Récolte des données	5
	1.2 Pré-traitement	5
	1.2.1 Extraction du corps des mails	5
	1.2.2 Nettoyage	5
	1.3 Mise en base	
2	Ingénierie des langues	5
	2.1 Recherche des caractéristiques	5
	2.1.1 Analyse statistique	5
	2.2 Traitement du langage	5
	2.2.1 Lemmatisation	5
	2.2.2 Vectorisation	5
3	Modélisation	5
	3.1 Entraînements	5
	3.2 Validation	5
4	Conclusion	5
\mathbf{A}	Développement visualisation distribution de Zipf	5
Þ	B Modèles	11
ט	B.1 Naïves Bayes	
~		
C	C Bibliographie	16
D		16
	D.1 Corpus	16
	D.2 Modules	16
	D 3 Modèles	17

Introduction

Ce projet a pour but de développer un modèle permettant de catégoriser des emails en spam ou ham. La définition d'un spam dans le dictionnaire *Larousse* est :

"Courrier électronique non sollicité envoyé en grand nombre à des boîtes aux lettres électroniques ou à des forums, dans un but publicitaire ou commercial."

Il est possible d'ajouter à cette catégorie tous les mails indésirables comme les tentatives d'hameçonnage permettant de soutirer des informations personnelles à une cible.

L'objectif est de travailler uniquement sur les données textuelles issues du corps du mail. Nous avons donc comme point de départ les éléments suivants :

- langue : anglais
- corpus : monolingue écrit
- type : e-mail

Déroulé Le développement de ce projet s'articule autour de 3 phases majeures

- Phase 1 : Récupération des données (Fouille de données)
- Phase 2 : Analyse des caractéristiques (Traitement de langage)
- Phase 3 : Construction du modèle (IA)

Phase 1 La phase 1 concerne la récolte des informations et les traitements minimums nécessaires pour la mise en base. Les objectifs de traitement de cette phase sont :

- Extraire les corps des mails et éliminer les méta-données superflues
- Éliminer les mails non anglais
- Éliminer les mails en doublons
- Éliminer les parties de textes non pertinentes (liens, réponses, certaines ponctuations) Cette phase se termine avec la mise en base des documents dans une collection Mongo.

Phase 2 La phase 2 vise à extraire des caractéristiques des textes. Les techniques de traitement du langage devront permettre d'effectuer une vectorisation des documents.

Phase 3 La phase 3 regroupe tous les opérations d'exploitation des données et vise à développer et à créer un modèle de classement des mails et d'en évaluer les performances.

Afin de conserver une certaine cohérence dans le déroulé entre les phases et au vu du temps que j'ai pris pour réaliser ce projet, chaque étape est automatisée avec Python. Seule la récolte initiale des mails a été réalisée à la main.

Le schéma ci-dessous donne une vue synthétique des étapes du projet

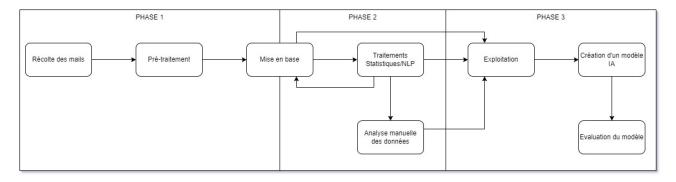


FIGURE 1 – Schéma des grandes étapes

Mise en place de l'infrastructure opérationnelle

L'architecture opérationnelle s'appuie sur des conteneur docker. Plusieurs types de base de données sont mises en œuvre profiter des avantages de chacune.

Les conteneurs peuvent être gérés à l'aide du fichier Makefile via les commandes suivantes :

- make docker start : pour créer ou démarrer l'infrastructure
- make docker_stop : pour arrêter les conteneurs
- make docker_prune : pour nettoyer l'infrastructure

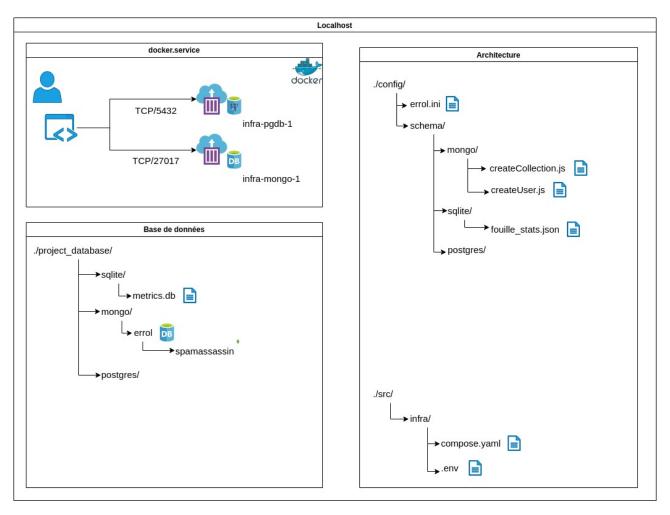


FIGURE 2 – Schéma de l'architecture Docker

Choix technologiques

Socle des services

Docker

systemd

Machine virtuelle

Base NoSQL Les bases de données NoSQL orientées documents sont plus performantes pour le stockage et l'accès à des ressources textuelles. Deux moteurs ont été testés :

MongoDB Moteur de base données flexible et raisonnable en utilisation de ressource. Le langage des requêtes est simple a prendre en main. L'utilisation avec Python est facilitée par le Python developer path disponible sur le site de l'éditeur. Solution retenue.

ElasticSearch Moteur de base de données puissant qui intègre un moteur Lucène pour la recherche de document par mot clé. L'interface graphique associée (Kibana) est agréable et facile à prendre en main. Cependant ce moteur est très gourmand en ressource. Une fois l'index (schéma) des documents créé il est très compliqué de le modifier. Solution rejetée.

Base SQL Les bases de données SQL sont plus performante quand il s'agit de traiter des informations transactionnelles. Elles offrent également plus de garantie de sécurité des données que les bases de données NoSQL. Elles permettent également de faire plus facilement et rapidement des requêtes complexes avec jointure et agrégation. Pour ces raisons, ce type de moteur sera utilisé pour stocker les informations numériques générées à partir des textes.

SQLite Moteur de base de données SQL intégré avec Python. Les informations sont stockées dans un fichier défini. Cette base de données ne nécessite pas d'installer un service supplémentaire. Cette solution est généralement utilisée en phase de test. L'utilisation de cette solution pour stocker les données numériques des documents aurait été susceptible de générer des fichiers trop lourd et trop difficile à lier entre eux. Cependant cette solution a été utilisée pour stocker les données générées lors de la phase de récolte (nombre de mail, nombre de mots uniques...). Solution retenue

PostgreSQL Moteur de base de données SQL solide et robuste. Elle permet également une gestion des utilisateurs ayant accès aux informations. L'intégration avec python est simple. Les données sont accessibles et peut être liées facilement. La taille des fichiers est gérée directement par le moteur. Solution retenue.

1 Fouille de données

- 1.1 Récolte des données
- 1.2 Pré-traitement
- 1.2.1 Extraction du corps des mails
- 1.2.2 Nettoyage
- 1.3 Mise en base
- 2 Ingénierie des langues
- 2.1 Recherche des caractéristiques
- 2.1.1 Analyse statistique
- 2.2 Traitement du langage
- 2.2.1 Lemmatisation
- 2.2.2 Vectorisation
- 3 Modélisation
- 3.1 Entraı̂nements
- 3.2 Validation
- 4 Conclusion

A Développement visualisation distribution de Zipf

Présentation La loi de distribution de Zipf est une loi empirique (basée sur l'observation) qui veut que le mot le plus fréquent est, à peu de chose près, 2 fois plus fréquent que le 2^{eme} , 3 fois plus fréquent que le 3^{eme} etc.

La formulation finale de la 1^{ere} loi de Zipf est la suivante :

$$|mot| = constante \times rang(mot)^{k \approx 1}$$

avec |mot| la fréquence d'apparition d'un mot, constante une valeur propre à chaque texte, rang(mot) la place du mot dans le tri décroissant par fréquence d'apparition et k un coefficient proche de 1.

Développement Afin de pouvoir utiliser les résultats de cette distribution dans ce projet, j'ai développé un ensemble de fonctions sur un corpus "reconnu". Mon choix s'est porté sur le corpus Brown (voir D.1) présent dans la librairie nltk. Ce corpus contient environ 500 documents contenant 1 millions de mot en anglais.

Le processus d'analyse se fait sur 2 versions de ce corpus.

- la première version contient tous les mots sans modifications
- le seconde version contient tous les mots sans les stopwords

Les stopwords sont des mots qui n'ont pas ou peu de signification dans un texte. Ces mots sont retirés dans la 2^e version pour voir l'effet d'une réduction sur la distribution de Zipf.

Les paragraphes ci-dessous détaillent les étapes du développement :

Étape 1 - Ordonner les mots La première étape est de compter les occurrences de tous les mots des 2 corpus et de les ranger en fonction de leur nombre d'occurrence.

Triage des mots

```
def frequence mot(bag, freq=None):
2
       Calcule la frequence de chaque mot dans un sac de mot
3
       :param bag: <list> - liste de tous les mots d'un texte
4
       :param freq: <dict> - dictionnaire avec {<str> mot: <int> frequence}
5
       :return: <dict> — dictionnaire avec la frequence par mot {mot:
6
      frequence }
       if freq is None:
8
           freq = \{\}
9
       for mot in bag:
10
           freq[mot] = freq.get(mot, 0) + 1
11
       return freq
12
13
   def classement zipf(dico):
14
1.5
       Trie un dictionnaire de mots : occurence et leur assigne un rang en
16
      fonction du nombre d'occurence
       :param dico: <dict> dictionnaire de mot: occurrences
17
       :return: <list> {"rang": <int>, "mot": <str>, "frequence": <int>}
19
       ranked = []
20
       for rang, couple in enumerate(sorted(dico.items(), key=lambda item:
21
      item[1], reverse=True), start=1):
           ranked.append({"rang": rang,
22
                           "mot": couple[0],
23
                           "frequence": couple[1]})
24
25
       return ranked
26
```

On obtient les représentations suivantes :

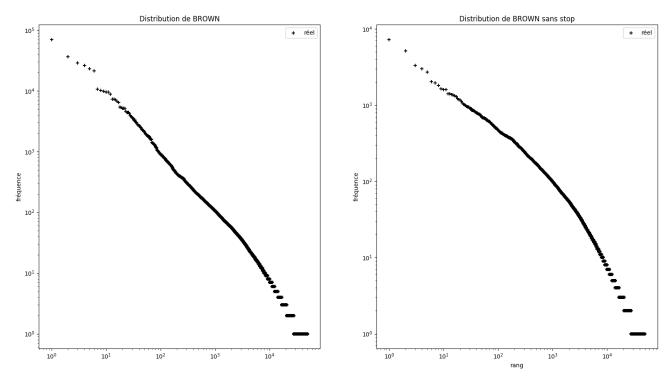


FIGURE 3 – Distribution de Zipf pour les deux corpus

- Nombre de mots dans brown: mots: 49398 occurences: 1012528
- Nombre de mots dans brown stop: mots: 49383 occurences: 578837

La distribution de la version complète du corpus semble à première vue plus fidèle à la représentation classique de la distribution de Zipf.

Etape 2 - calcul de la constante Le premier paramètre qu'il faut déterminer est la constante. Pour ce faire j'effectue le calcul suivant pour tous les mots :

$$constante = |mot| \times rang(mot)$$

On obtient une liste de toutes les constantes théoriques pour chaque mot selon son rang. De cette liste, nous allons extraire la moyenne et la médiane.

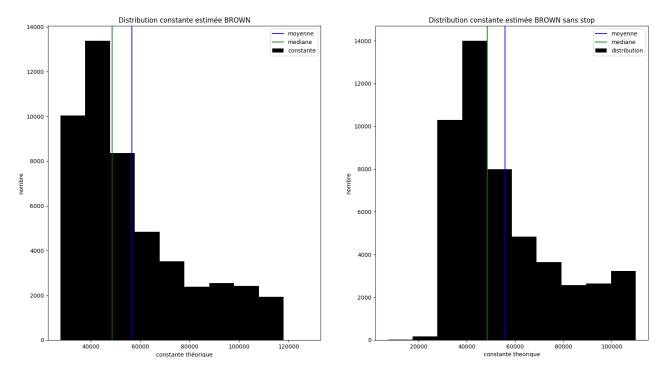


FIGURE 4 – Distribution des constantes théoriques pour les deux corpus

On voit qu'il y a une majorité de mots donnant une constante brute comprise entre 20.000 et 60.000. Dans les deux corpus La différence entre les moyennes et médianes des deux corpus n'est pas flagrante :

- Brown moyenne : 56525.81, médiane : 48601.50
- Brown (- stopwords) moyenne : 55809.97, médiane : 48494.00

Etape 3 - recherche du coefficient Le coefficient k permet d'ajuster le résultat, et pourra éventuellement donner une indication de complexité. La recherche de k se fera sur les deux corpus avec utilisant les moyennes et médianes.

Pour ce faire nous allons:

- 1. Faire la liste de tous les coefficients possibles dans l'intervalle [0.86, 1.3] avec un pas de 0.01 ¹.
- 2. Calculer toutes la fréquences théoriques de tous les rangs avec tous les coefficients possibles en utilisant les constantes moyenne et médiane de chaque corpus.
- 3. Calculer la moyenne des coûts absolus entre les fréquences théoriques par coefficient avec la fréquence réelle observée pour chaque corpus.

Le couple coefficient/constante avec le coup minimal sera retenu pour l'utilisation dans la phase de feature engineering.

Fonctions utilisées dans la recherche du coefficient

```
def zipf_freq_theorique(constante, rang, coef):
        """

Calcul la frequence theorique d'un mot selon son rang, la constante du texte et un coeficiant d'ajustement
```

^{1.} les bornes et le pas sont totalement arbitraire afin d'obtenir un graphique présentable

```
:param constante: <int> constante determinee par la distribution de
4
      Zipf
       :param rang: <int> rang du mot selon sa frequence
5
       :param coef: <float> variable d'ajustement
6
       :return: <float> frequence theorique zipfienne
       return constante / (rang ** coef)
9
10
   def cout(|1 , |2 , methode):
11
       0.00
12
       Calcul le cout de l'ecart entre les elements de l1 et le l2, place par
13
       :param | 1 : < list > liste d'entier
14
       :param | 12 : < liste > liste d'entier
1.5
       :param methode: <str> methode de calcul du cout
16
       :return: <float> cout selon methode
17
       11 11 11
       if len(11) != len(12) :
19
            print("Erreur, fonction cout: | 1 & | 2 de taille differente", file=
20
      sys.stderr)
            return None
21
22
       if len(11) == 0:
23
            print("Erreur, fonction cout: liste vide", file=sys.stderr)
24
25
       if methode.lower() not in ['absolue', 'carre', 'racine']:
26
            print("Erreur, fonction cout — methode '{}' inconnue".format(
27
      methode), file=sys.stderr)
            return None
28
29
       if methode.lower() == 'absolue':
30
            return np.mean([abs(x-y) for x, y in zip(11, 12)])
31
32
       if methode.lower() == 'carre':
33
            return np.mean([(x-y)**2 \text{ for } x, y \text{ in } zip(|1, |2)])
34
35
       if methode.lower() == 'racine':
36
            return np.sqrt(np.mean([(x-y)**2 \text{ for } x, y \text{ in } zip(|1, |2)])
37
38
       return None
39
```

Calcul des fréquences par coefficient

```
Is coef = list(np.arange(0.86, 1.3, 0.01))
1
      zbmo_th = {coef: [stats.zipf_freq_theorique(zb_const_moyen, r, coef)
2
     for r in zb_rang] for coef in ls_coef}
      zbme th = {coef: [stats.zipf freq theorique(zb const median, r, coef)
3
     for r in zb rang for coef in ls coef }
      zbmoth cmoy = [stats.cout(zb freq, zbmo th[coef], 'absolue') for coef
4
     in Is coef]
      zbmeth cmoy = [stats.cout(zb freq, zbme th[coef], 'absolue') for coef
5
     in Is coef]
6
      zbsmo th = {coef: [stats.zipf freq theorique(zbs const moyen, r, coef)
7
```

```
for r in zbs_rang] for coef in ls_coef}
zbsme_th = {coef: [stats.zipf_freq_theorique(zbs_const_median, r, coef)
for r in zbs_rang] for coef in ls_coef}
zbsmoth_cmoy = [stats.cout(zbs_freq, zbsmo_th[coef], 'absolue') for coef in ls_coef]
zbsmeth_cmoy = [stats.cout(zbs_freq, zbsme_th[coef], 'absolue') for coef in ls_coef]
```

La recherche du coefficient nous retourne les éléments suivants :

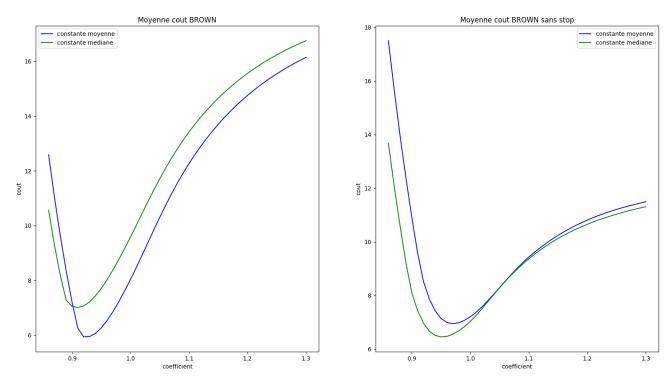


FIGURE 5 – Coût absolu moven par coefficient

- Coût min brown moyenne: 5.93, median: 7.01
- Coût min brown (- stopwords) moyenne : 6.95, median : 6.46
- Coefficient min brown moyenne: 0.92, median: 0.91
- Coefficient min brown (- stopwords) moyenne: 0.97, median: 0.95

Résultats Le tableaux ci dessous rappelle les données récupérées au long de la recherche :

	BROWN avec stopwords	BROWN sans stopwords
nombre de mots uniques	49398	49383
nombre de mots total	1012528	578837
Constante moyenne	56525.81	55809.97
Constante médiane	48601.50	48494.00
Coefficient avec moyenne	0.92	0.97
Cout du coefficient moyenne	5.93	6.95
Coefficient avec médiane	0.91	0.95
Cout du coefficient médiane	7.01	6.46

D'après les données il est possible de dire que l'on obtient de meilleurs résultats si on conserve tous les mots du corpus. Dans ce cas l'utilisation de la moyenne des constantes génère un taux d'erreur plus faible que la médiane.

Ci-dessous la représentation des fréquences théoriques avec le coefficient optimal pour chaque corpus et chaque méthode. On voit que la courbe de la constante moyenne sur le corpus brute est celle qui suit le mieux les données réelles.

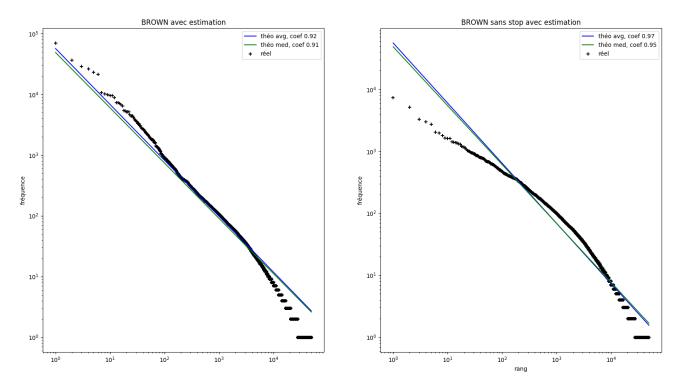


Figure 6 – Distribution de Zipf avec les estimations

En conclusion, j'utiliserais la moyenne des constantes sur un document complet afin de déterminer le coefficient dans ma recherche de spam.

B Modèles

B.1 Naïves Bayes

Ce type de modèle est utilisé par le module *langdetect* qui me sert pour la détection des langues.

Introduction Les modèles Naïves Bayes se basent sur le théorème de probabilité de Bayes. Il permet de déterminer la probabilité conditionnelle d'apparition d'un évènement A sachant qu'un évènement B s'est produit. Le terme naïf fait référence au fait que l'on présuppose que les évènements A et B ne sont pas corrélés.

Ces techniques sont utilisées pour des modèles de classification en apprentissage supervisé.

La formule mathématique de ce théorème est la suivante :

$$P(A|B) = \frac{P(B|A)P(A)}{P(B)} \tag{1}$$

On recherche ici P(A|B), c'est a dire la probabilité d'apparition d'un évènement A sachant que l'évènement B s'est produit.

Pour ce faire nous avons besoin des données suivantes :

- P(B|A) est la probabilité que l'évènement B s'est produit sachant que l'évènement A s'est produit
- P(A) est la probabilité d'apparition de l'évènement A
- P(B) est la probabilité d'apparition de l'évènement B

Exemples d'utilisation Les exemples ci dessous vont permettre d'illustrer l'utilisation de cette technique. D'abord manuellement sur un petit jeu de données puis à l'aide d'un code pré-existant sur un autre jeu de données plus important.

Manuel Dans cet exemple nous allons déterminer la probabilité qu'a un joueur d'aller sur le terrain selon les conditions météorologiques. Cette probabilité sera calculée en fonction des données récupérées lors des matchs précédents.²

On recherchera ainsi la probabilité de présence sur le terrain d'un joueur selon la météo P(A|B). Pour ce faire nous auront besoin de :

- P(A) Probabilité de jouer quelque soit le temps
- P(B) Probabilité de l'évènement météorologique
- P(B|A) Probabilité de l'évènement sachant que le joueur a été sur le terrain

Table 1 – Données de présence sur le terrain

météo	soleil	soleil	couvert	pluie	pluie	pluie	couvert
présent	non	non	oui	oui	oui	non	oui
météo	soleil	soleil	pluie	soleil	couvert	couvert	pluie
présent	non	oui	oui	oui	oui	oui	non

Table 2 – Synthèse et probabilité simple P(A) et P(B)

météo	oui	non	P(B)
couvert	4	0	4/14
soleil	2	3	5/14
pluie	3	2	5/14
P(A)	9/14	5/14	

On peut déterminer les probabilités de chaque météo en fonction de la présence du joueur sur le terrain P(B|A). Pour ce faire on divise le nombre d'évènements de présence du joueur lors d'un évènement météo par le nombre total d'évènements de présence du joueur

Table 3 – Probabilité météo selon présence du joueur

météo	P(B oui)	P(B non)	
couvert	4/9	0/5	
soleil	2/9	3/5	
pluie	3/9	2/5	

On va maintenant calculer la probabilité qu'à un joueur d'être sur le terrain si le temps est couvert.

^{2.} Les données présentées sont inventées

On commence par la probabilité du oui :

$$P(A|B) = \frac{P(B|A)P(A)}{P(B)}$$

$$P(A|B) = \frac{\frac{4}{9} \cdot \frac{9}{14}}{\frac{4}{14}}$$

$$P(A|B) = \frac{\frac{4}{14}}{\frac{14}{4}}$$

$$P(A|B) = \frac{4}{14} \cdot \frac{14}{4}$$

$$P(A|B) = 1$$

On enchaîne sur la probabilité de ne pas jouer si le temps est couvert

$$P(A|B) = \frac{P(B|A)P(A)}{P(B)}$$

$$P(A|B) = \frac{\frac{0}{5} \cdot \frac{5}{14}}{\frac{4}{14}}$$

$$P(A|B) = 0 \cdot \frac{14}{4}$$

$$P(A|B) = 0$$

On peut dire que si le temps est couvert le joueur très probablement sur le terrain On peut également déterminer la probabilité de jouer pour chaque évènement météo

Table 4 – Probabilité présence du joueur selon la météo

météo	oui	non	plus probable
couvert	1	0	oui
soleil	2/5	3/5	non
pluie	3/5	2/5	oui

Cas polynomial : Il est possible de déterminer la probabilité d'un évènement par rapport à plus autres. Dans ce cas, il faudra multiplier entre elles les probabilités de ces évènements selon l'apparition de l'évènement voulu.

Calcul pour un évènement (A) selon 2 autres évènements (B et C)

$$P(A|BC) = \frac{P(B|A)P(C|A)P(A)}{P(B)P(C)}$$

En code Dans cet exemple nous allons utiliser un code existant dans la librairie python scikit-learn[?]. Ce moteur Naïves Bayes va nous permettre cette fois-ci de catégoriser des variétés d'iris selon la longueur et la largeur des pétales et des sépales. Les données proviennent cette fois-ci d'un dataset également disponible dans scikit-learn.

Nous allons utilisé le modèle GaussianNB de scikit-learn qui est adapté lorsque les données utilisées suivent une distribution normale. Ce qui semble être le cas pour les longueurs et largeur des sépale.

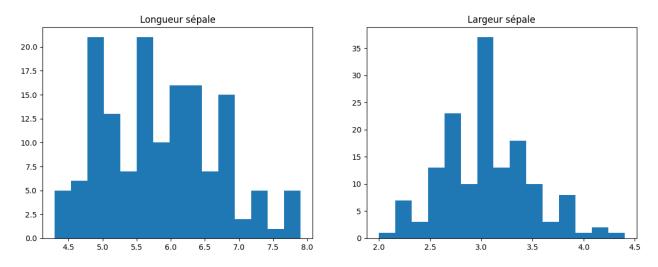


FIGURE 7 – Distribution des longueurs et largeurs des sépales

Progamme complet

```
from sklearn datasets import load iris
   from sklearn model selection import train test split
   from sklearn.naive bayes import Gaussian NB
   from sklearn.metrics import accuracy_score, confusion_matrix,
      Confusion Matrix Display , f1_score , \setminus
       recall score
5
   import matplotlib.pyplot as plt
  X, y = load iris(return X y=True)
9
10
   X_{train}, X_{test}, y_{train}, y_{test} = train_test_split(X, y, test_size = 0.33,
11
      random state = 0)
   model = Gaussian NB()
12
   model.fit(X train, y train)
13
14
   y_pred = model.predict(X_test)
15
   precision = accuracy_score(y_pred, y_test)
16
   recall = recall score(y test, y pred, average="weighted")
17
   f1 = f1 score(y pred, y test, average="weighted")
18
^{19}
   print("Precision:", precision)
20
   print("Rappel:", recall)
21
   print("Score F1:", f1)
22
23
   plt.figure('Donnees du modele', figsize = (14, 5))
24
   plt.subplot(1, 3, 1, title='Donnees du train set')
25
   plt.scatter(X train[:, 0], X train[:, 1], c=y train)
26
   plt.xlabel('Sepale long.')
27
   plt.ylabel('Sepale larg.')
28
   plt.subplot(1, 3, 2, title='Donnees du test set')
   plt.scatter(X test[:, 0], X test[:, 1], c=y test)
30
   plt.xlabel('Sepale long.')
31
   plt.subplot(1, 3, 3, title='Donnees test apres evaluation')
^{32}
   plt.scatter(X_test[:, 0], X_test[:, 1], c=y_pred)
```

```
plt.xlabel('Sepale long.')
34
   plt.show()
35
36
  cm = confusion_matrix(y_test, y_pred, labels = [0, 1, 2])
37
   disp = Confusion Matrix Display (confusion matrix=cm, display labels=[0, 1,
38
   disp.ax .set title('Matrice de confusion')
39
   disp.plot()
40
   plt.show()
41
42
   plt.figure('Distribution des donnees Iris', figsize = (14, 5))
43
   plt.subplot(1, 2, 1, title='Longueur sepale')
44
   plt.hist(X[:, 0], bins=15)
^{45}
   plt.subplot(1, 2, 2, title='Largeur sepale')
46
   plt.hist(X[:, 1], bins=15)
47
   plt.show()
48
```

Les données du dataset ont été séparés en 2 jeux, un pour l'entraînement du modèle et un pour le test. On obtient alors la représentation suivantes après entrainement et test du modèle

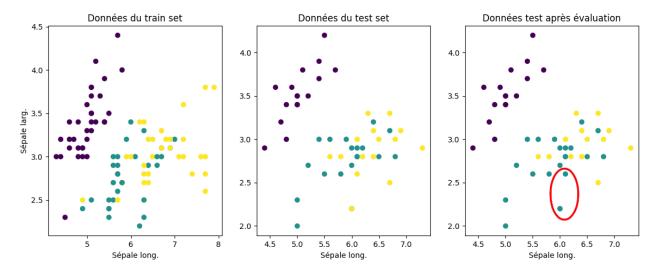


Figure 8 – Représentation des données

Dans les données de test nous avons 2 catégorisations qui n'ont pas été réalisées correctement. On obtient les scores suivants :

- Précision : 0.96³
- Rappel : 0.96^{4}
- Score F1 : 0.9604285714285714^{5}

^{3.} La précision est la proportion des éléments correctement identifiés sur l'ensemble des éléments prédit

^{4.} Le rappel est la proportion des éléments correctement identifiés sur l'ensemble des éléments de la catégorie

^{5.} Le Score F1 est la moyenne harmonique calculée de la manière suivante 2*(precision*rappel)/(precision+rappel)

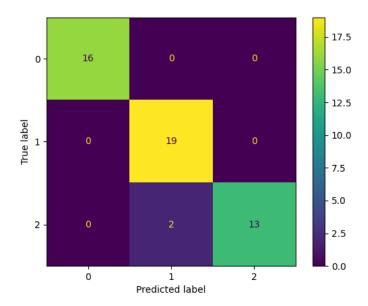


FIGURE 9 – Matrice de confusion

A l'aide de ce modèle nous devrions avoir une 96% de chance de déterminer la bonne variété d'iris en se basant sur la longueur et la largeur des sépales.

Avantages et inconvénients Le modèle Naïve Bayes est un modèle simple et rapide qui ne nécessite pas de grande capacités de calcul. De ce fait il permet de traiter une grande quantité de données.

Cependant, les données qui lui sont fournies ne doivent pas être corrélées ce qui est rarement le cas dans les problèmes du monde réel. Ce type de modèle est limité à des problèmes de classification supervisée. Si on se fie à l'équation (1) la probabilité d'apparition de l'évènement B : P(B) ne peut pas être nulle.

C Bibliographie

D Sitotec

D.1 Corpus

- Enron company mails, fichier CSV contenant l'ensemble des mails d'une entreprise ayant fermée ses portes (33.834.245 mails) [en ligne], https://www.kaggle.com/wcukierski/enron-email-dataset (consulté le 27/01/2022)
- Mails project SpamAssassin, projet opensource de détection de spam (6065 fichiers email déjà trier en ham et spam) [en ligne], https://spamassassin.apache.org/old/publiccorpus/ (consulté le 27/01/2022)
- Brown corpus, ensemble de texte en anglais publié en 1961 qui contient plus d'un million de mots https://www.nltk.org/book/ch02.html (consulté le 20/08/2022)

D.2 Modules

Module langdetect

- Page Github du projet *langdetect* capable de différencier 49 langages avec une précision de 99%, [en ligne] https://github.com/Mimino666/langdetect (consulté le 04/12/2022)
- Language Detection Library, présentation du module (anglais) [en ligne] https://www.slideshare.net/shuyo/language-detection-library-for-java (consulté le 04/12/2022)

D.3 Modèles

Naïves Bayes Le modèle Naïves Bayes est employé dans le module langdetect (D.2)

- Les algorithmes de Naïves Bayes, Explication sommaire du principe de ces type d'algorithme, [en ligne] https://brightcape.co/les-algorithmes-de-naives-bayes/ (consulté le 26/03/2023)
- Naive Bayes Classification Tutorial using Scikit-learn, exemple d'utilisation de ce type de modèle avec python (anglais) [en ligne] https://www.datacamp.com/tutorial/naive-bayes-scik (consulté le 26/03/2023)
- Scikit learn Naive Bayes, description des types d'algorithme disponibles dans le module Scikitlearn en python (anglais) [en ligne] https://scikit-learn.org/stable/modules/naive_bayes.html (consulté le 26/03/2023)