Рубежный контроль №2

Чернышев П. ИУ5-62Б

Задача

Кластеризуйте данные с помощью двух алгоритмов кластеризации. Алгоритмы для студентов группы ИУ5-62Б: MeanShift и иерархическая кластеризация. Сравните качество кластеризации с помощью следующих метрик качества кластеризации (если это возможно для Вашего набора данных):

- 1. Adjusted Rand index
- 2. Adjusted Mutual Information
- 3. Homogeneity, completeness, V-measure
- 4. Коэффициент силуэта

Сделате выводы о том, какой алгоритм осуществляет более качественную кластеризацию на Вашем наборе данных. Набор данных №3: https://scikit-

learn.org/stable/modules/generated/sklearn.datasets.load iris.html#sklearn.datasets.load iris

Загрузка данных

```
In [1]: import numpy as np
        import pandas as pd
        from typing import Dict, Tuple
        from scipy import stats
        from IPython.display import Image
        from sklearn import cluster, datasets, mixture
        from sklearn.neighbors import kneighbors graph
        from sklearn.preprocessing import StandardScaler
        from sklearn.metrics import adjusted rand score
        from sklearn.metrics import adjusted mutual info score
        from sklearn.metrics import homogeneity completeness v measure
        from sklearn.metrics import silhouette score
        from sklearn.cluster import MeanShift, AgglomerativeClustering
        from itertools import cycle, islice
        import seaborn as sns
        import matplotlib.pyplot as plt
        %matplotlib inline
        sns.set(style="ticks")
        from sklearn.datasets import load iris
```

```
In [2]: iris = load_iris()
for x in iris:
    print(x)
```

```
data
target
target_names
DESCR
feature names
```

```
In [3]: #Признаки
      print(iris.feature_names)
      ['sepal length (cm)', 'sepal width (cm)', 'petal length (cm)', 'petal wi
      dth (cm)']
In [4]: #Метки
      print(iris.target)
      1
       2 21
In [5]: #Имена меток
      print(iris.target names)
      ['setosa' 'versicolor' 'virginica']
In [6]: #Разделение набора данных
      x axis = iris.data[:, 0]
      y axis = iris.data[:, 1]
In [7]: #Построение
      plt.xlabel(iris.feature names[0])
      plt.ylabel(iris.feature names[1])
      plt.scatter(x axis, y axis, c=iris.target)
      plt.show()
        4.5
        4.0
      sepal width (cm)
        3.5
        3.0
        2.5
        2.0
                5.0
                                7.0
                                       8.0
            4.5
                    5.5
                        6.0
                            6.5
                                    7.5
                     sepal length (cm)
In [8]: data = pd.DataFrame(data= np.c_[iris.data[:, 0], iris.data[:, 1]],
                      columns= ['total phenols', 'color intensity'])
      data.head()
In [9]:
Out[9]:
```

0	5.1	3.5
1	4.9	3.0
2	4.7	3.2
3	4.6	3.1
4	5.0	3.6

```
In [10]: data.head()
```

Out[10]:

	total_phenols	color_intensity
0	5.1	3.5
1	4.9	3.0
2	4.7	3.2
3	4.6	3.1
4	5.0	3.6

```
In [11]: data.shape

Out[11]: (150, 2)

In [12]: def do_clustering(cluster_dataset, method):

"""

Выполнение кластеризации для данных примера
"""

temp_cluster = method.fit_predict(cluster_dataset)
return temp_cluster
```

```
In [13]: import warnings
         warnings.simplefilter(action='ignore', category=FutureWarning)
         def claster metrics(method, data, true y):
           Вычисление метрик кластеризации
             result Method = do clustering(data, method)
             list = []
             list.append(adjusted_rand_score(true_y, result_Method))
             list.append(adjusted_mutual_info_score(true_y, result_Method))
             h, c, v = homogeneity_completeness_v_measure(true_y, result_Method)
             list.append(h)
             list.append(c)
             list.append(v)
             list.append(silhouette score(data, result Method))
             names = ['ARI', 'AMI', 'Homogeneity', 'Completeness', 'V-measure', '
         Silhouette']
             for i in range (0,6):
                 print('{}: {};'.format(names[i], list[i]))
```

MeanShift

```
In [14]: result MeanShift = do clustering(data, MeanShift())
In [15]: plt.xlabel('total_phenols')
          plt.ylabel('color_intensity')
          plt.scatter(data['total phenols'], data['color intensity'], c=result Mea
          nShift)
          plt.show()
             4.5
             4.0
          color_intensity
             3.5
             3.0
             2.5
             2.0
```

7.0

7.5

8.0

6.5

6.0 total_phenols

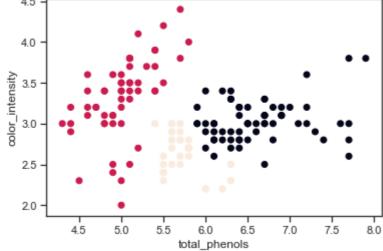
Иерархическая кластеризация

5.5

4.5

5.0

```
In [16]:
         result AgglomerativeClustering = do clustering(data, AgglomerativeCluste
         ring(n clusters=3))
In [17]: plt.xlabel('total phenols')
         plt.ylabel('color intensity')
         plt.scatter(data['total phenols'], data['color intensity'], c=result Agg
         lomerativeClustering)
         plt.show()
           4.5
```



Сравнение качества кластеризации

```
In [18]: claster_metrics(MeanShift(), data, iris.target)
```

```
ARI: 0.3944401908806803;
AMI: 0.43177435829008837;
Homogeneity: 0.355574438925241;
Completeness: 0.5636444355672562;
V-measure: 0.43606057162569084;
Silhouette: 0.4644681851183547;

In [19]: claster_metrics(AgglomerativeClustering(n_clusters=3), data, iris.target)

ARI: 0.5112126489117526;
AMI: 0.5240179186847518;
Homogeneity: 0.5190720845536648;
Completeness: 0.5414839345877656;
V-measure: 0.5300412040588491;
Silhouette: 0.3653346819163389;
```

Иерархическая кластеризация оказалась более качественной по сравнению с MeanShift.