Zadanie 1

a) Nazwa zbioru: Wine

b) Krótki tekstowy opis zbioru

Zbiór danych "Wine" zawiera wyniki analizy chemicznej win wyprodukowanych w określonym regionie we Włoszech przez trzech różnych producentów. Analiza chemiczna dotyczy 13 różnych składników zawartych w winach.

```
> ## zmiana nazwy kolumn:
> 
> # Załadowanie danych
> # Załadowanie danych
> # Spróbuj wczytać dane z innym separatorem
> wine <- read.csv('wine\\wine.data', header=FALSE)
> # Zmień nazwy kolumn
> names(wine) <- c('class', 'Alcohol', 'Malic acid', 'Ash', 'Alcalinity of ash', 'Magnesium', 'Total phenols', 'Flavanoids', 'Nonflavanoid phenols', 'Proanthocy anins', 'Color intensity', 'Hue', '0D280/00315 of diluted wines', 'Proline')
> ## Zmień nazwy kolumn
```

c) Liczba obserwacji w zbiorze: 178

```
> ## Liczba obserwacji w zbiorze
> nrow(wine)
[1] 178
>
```

d) Liczba kolumn: 14 (13 atrybutów + 1 kolumna identyfikująca klasę)

e) Zmienna celu:

- Nazwa kolumny z klasą: Class
- Liczba klas: 3 (Klasy 1, 2 i 3)

```
> ## Zmienna celu
> unique(wine$Class)
[1] 1 2 3
```

f) Wykaz i opis cech:

- 1. Class: Zmienna kategoryczna. Klasa wina.
- 2. Alcohol: Zmienna ilościowa. Zawartość alkoholu.

- 3. Malic acid: Zmienna ilościowa. Zawartość kwasu jabłkowego.
- 4. Ash: Zmienna ilościowa. Zawartość popiołu.
- 5. **Alcalinity of ash**: Zmienna ilościowa. Zasadowość popiołu.
- 6. Magnesium: Zmienna ilościowa. Zawartość magnezu.
- 7. **Total phenols**: Zmienna ilościowa. Całkowita zawartość fenoli.
- 8. Flavanoids: Zmienna ilościowa. Zawartość flawonoidów.
- 9. Nonflavanoid phenols: Zmienna ilościowa. Zawartość fenoli nieflawonoidowych.
- 10. Proanthocyanins: Zmienna ilościowa. Zawartość proantocyjanidyn.
- 11. Color intensity: Zmienna ilościowa. Intensywność koloru.
- 12. Hue: Zmienna ilościowa. Odcień.
- 13. **OD280/OD315 of diluted wines**: Zmienna ilościowa. Stosunek absorbancji przy 280 nm do 315 nm w rozcieńczonych winach.
- 14. **Proline**: Zmienna ilościowa. Zawartość prolina.

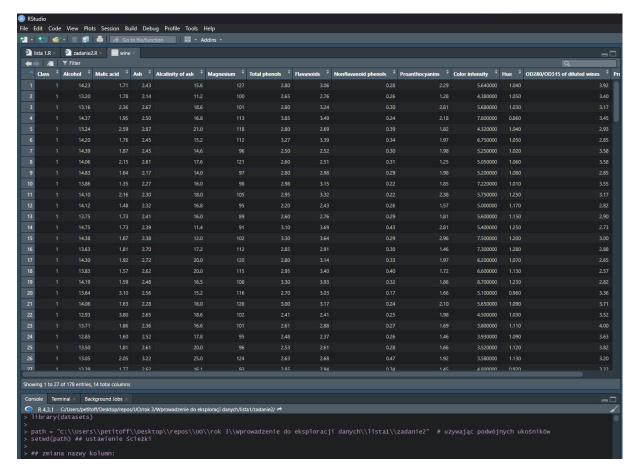
Zadanie 2

a) Zmiana nazw kolumn (pierwszą kolumnę – zmienną celu – proszę nazwać "Class"; nazwy pozostałych kolumn – atrybutów – są podane w pliku "wine.names")

```
R43.1 C/Uses/petitot//Dexktop/repos/UO/rok 3/Mprowadzenie do eksploracji danych/listal/zadanie2/ > library(datasets)
> path = "C:\\Users\\petitoff\\Desktop\\repos\\UO\\rok 3\\Wprowadzenie do eksploracji danych\\listal\\zadanie2" # używając podwójnych ukośników
> setwd(path) ## ustawienie ściezki
> # zmiana nazwy kolumn:
> # Załadowanie danych
> wine <- read.csv('wine\\wine.data', header=FALSE)
> # zmień nazwy kolumn
> names(wine) <- c('class', 'Alcohol', 'Malic acid', 'Ash', 'Alcalinity of ash', 'Magnesium', 'Total phenols', 'Flavanoids', 'Nonflavanoid phenols', 'Proanthocy anins', 'Color intensity', 'Hue', '00280/00315 of diluted wines', 'Proline')
```

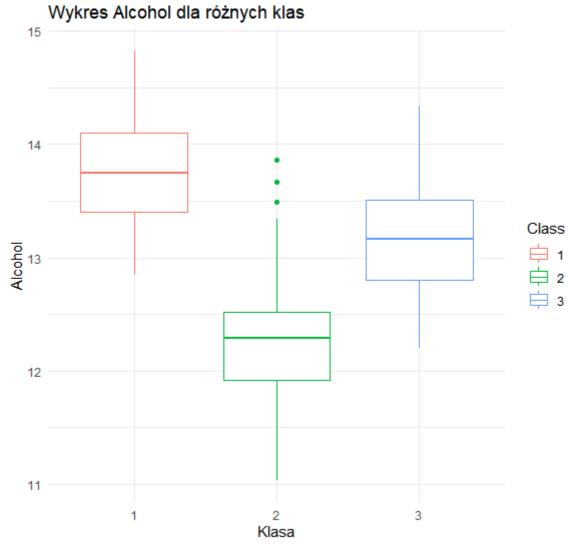
b) Polecenie View (fragment print-screena z tabelką)

```
> ## ========
> View(wine)
```



c) Podsumowanie cech (summary)

d) Wykres 2D ilustrujący wybraną cechę dla różnych klas



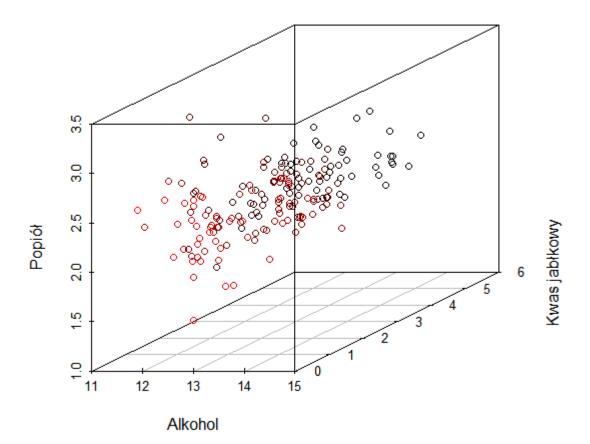
```
## wykres 2D:
    data(wine, package = "datasets")
Komunikat ostrzegaczy:
    w poleceniu 'data(wine, package = "datasets")':
    zblór danych 'wine' nie został znaleziony

# załadowanie biblioteki do tworzenia wykresów
| ibrary(gyplot2)

# wyhór cechy do przedstawienia na wykresie - np. "Alcohol"
| feature < "Alcohol"
| # wyhór cechy do przedstawienia na wykresie - np. "Alcohol"
| feature < "Alcohol"
| # konwersja zmiennej 'class' na faktor
| wineśclass <- as.factor(wineśclass)

# Stworzenie wykresu 2p użycien gyplot2
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature), color = class)) +
| geom.lopolit() is asc(x = Class, y = !!sym(feature),
```

e) Wykres 3D dla trzech wybranych cech (bez klasy)



```
> # Stwórz wykres 3D dla wybranych cech
> scatterplot3d(wine$Alcohol, wine$`Malic acid`, wine$Ash,
+ xlab="Alkohol", ylab="Kwas jabłkowy", zlab="Popiół",
+ highlight.3d=TRUE, angle=30)
> |
```