

# Computacion Evolutiva

Pia Trnovec

15/2/2023

## Instrucciones

El objetivo es poner en una fila a 100 personas que llamaremos P1 a P100. Resulta que hay una restricción. La persona  $P_i$  no puede estar a  $i$  personas de distancia de la  $P_{(i+1)}$ . Esta restricción es válida para  $i$  desde 1 hasta 99, la P100 no tiene restricciones, solo la que le viene de P99. Por ejemplo, la persona P5 no puede estar a 5 personas de la persona 6. Tampoco la persona 1 puede estar a distancia 1 de la P2, o sea, que P1 y P2 no pueden estar consecutivas en la fila. Como ejemplo con 5 personas, una disposición correcta podría ser: P1,P5,P3,P2,P4 porque la P1 no está a distancia 1 de la P2 (está a distancia 3), la P2 no está a distancia 2 de P3 (está a distancia 1), la P3 no está a distancia 3 de P4 (está a distancia 2), la P4 no está a distancia 4 de P5 (está a distancia 3). Un ejemplo de una fila incorrecta sería: P1,P3,P5,P2,P4 porque P3 está a distancia 3 de P4.

Una vez lo tengáis desarrollado podéis tomar el número de personas como un parámetro que podamos cambiar.

Entregad el código R y un pdf de una hoja con una tabla de resultados donde aparezcan diferentes tamaños y número de choques mínimo al que habéis llegado.

```
library(GA)

## Loading required package: foreach
## Loading required package: iterators
## Package 'GA' version 3.2.3
## Type 'citation("GA")' for citing this R package in publications.
##
## Attaching package: 'GA'
## The following object is masked from 'package:utils':
##
##     de

library(kableExtra)

## Warning in !is.null(rmarkdown::metadata$output) && rmarkdown::metadata$output
## %in% : 'length(x) = 2 > 1' in coercion to 'logical(1)'

library(tibble)

# Function to calculate fitness score
get_fitness <- function(x) {
  num_violations <- 0
  for (i in 1:(length(x) - 1)) {
```

```

    if (abs(x[i]-x[i+1]) == i+1) {
      num_violations <- num_violations + 1
    }
  }
  for (i in 1:(length(x) - 1)) {
    if (abs(x[i]-x[i+1]) == i) {
      num_violations <- num_violations + 1
    }
  }
  return(-num_violations) # minimize the number of violations
}

# Función para ejecutar GA para un tamaño de muestra dado
run_ga <- function(n) {
  GA <- ga(type = "permutation",
           fitness = get_fitness,
           lower = 1,
           upper = n,
           popSize = 1000,
           maxiter = 100,
           run = 30, # run GA 20 times to improve the solution
           seed = 123)
  return(c(GA@solution[[1]], -GA@fitness[1]))
}

# Ejecute GA para tamaños de muestra 10, 20, 30, 40, 50, 60, 70, 80, 90 y 100
results <- data.frame(matrix(nrow = 10, ncol = 2))
names(results) <- c("Best Solution", "Fitness Score")
for (n in c(10, 20, 30, 40, 50, 60, 70, 80, 90, 100)) {
  result <- run_ga(n)
  results[n/10,] <- result
}

# Agrega la columna de Sample Size con tibble
results_tbl <- tibble("Sample Size" = c(10, 20, 30, 40, 50, 60, 70, 80, 90, 100),
                      "Best Solution" = results[, "Best Solution"],
                      "Fitness Score" = results[, "Fitness Score"])

# Imprime la tabla de resultados con kable
kable(results_tbl, align = c("c", "c", "c"), caption = "Resultados de ejecutar GA para diferentes tamaños",
      kable_styling(full_width = FALSE) %>%
      column_spec(1, bold = TRUE) %>%
      collapse_rows(columns = 1, valign = "middle")

```

Table 1: Resultados de ejecutar GA para diferentes tamaños de muestra

Sample Size	Best Solution	Fitness Score
<b>10</b>	2	2
<b>20</b>	17	0
<b>30</b>	29	1
<b>40</b>	31	2
<b>50</b>	25	0
<b>60</b>	36	3
<b>70</b>	14	0
<b>80</b>	45	4
<b>90</b>	39	2
<b>100</b>	12	5

## Explicación

El código proporcionado implementa un algoritmo genético (GA) para resolver el problema de poner en fila a 100 personas respetando ciertas restricciones. La restricción es que cada persona no puede estar a  $i$  personas de distancia de la  $P(i+1)$  para  $i$  desde 1 hasta 99. Es decir, la persona  $P_i$  no puede estar a  $i$  personas de distancia de la  $P(i+1)$ . Por ejemplo, la persona  $P_5$  no puede estar a 5 personas de la persona  $P_6$ .

La función `run_ga(n)` ejecuta el GA para una muestra de tamaño  $n$  y devuelve el mejor resultado encontrado, el cual es una permutación de los números del 1 al  $n$  que satisface las restricciones del problema. El código repite la ejecución del GA 30 veces para obtener un resultado más estable.

La tabla generada muestra los resultados del GA para diferentes tamaños de muestra (10, 20, 30, ..., 100) y la mejor solución encontrada para cada tamaño de muestra. La mejor solución es una permutación de los números del 1 al  $n$ , donde los números adyacentes en la permutación deben estar separados por una distancia mayor o igual a 2. La columna “Best Solution” muestra la permutación encontrada para cada tamaño de muestra y la columna “Fitness Score” indica la calidad de la solución, siendo un número negativo que cuantifica la cantidad de restricciones violadas. Una puntuación de aptitud de cero indica que se ha encontrado una solución que satisface todas las restricciones.

En resumen, el código implementa un algoritmo genético para resolver el problema de poner en fila a 100 personas respetando ciertas restricciones, y la tabla muestra las mejores soluciones encontradas para diferentes tamaños de muestra.