

PROJETO E ANÁLISE DE ALGORITMOS

PARTE III

ALGORITMOS RECURSIVOS

1. Recursividade

- Um algoritmo recursivo é aquele que direta ou indiretamente chama a si próprio.
- Procedimentos recursivos permitem definir um número infinito de instruções através de uma rotina finita.
- Durante a execução de um procedimento recursivo, diversas ativações são empilhadas na pilha do sistema, ocupando memória e gastando tempo. Isto é uma limitação para o uso da recursividade em programas.

Quando empregar recursão:

- O problema está definido de forma recursiva
- A profundidade da recursão é relativamente pequena
- A conversão do algoritmo para a forma iterativa é difícil (exigindo memória auxiliar)
- A rotina não constitui parte crítica do programa

Exemplo: fatorial recursivo

```
int fat (int n) {  
    if (n<=0)  
        return (1);  
    else  
        return (n * fat(n-1));  
}  
int main() {  
    int f;  
    f = fat(5);  
    printf("%d", f);  
    return (0);  
}
```

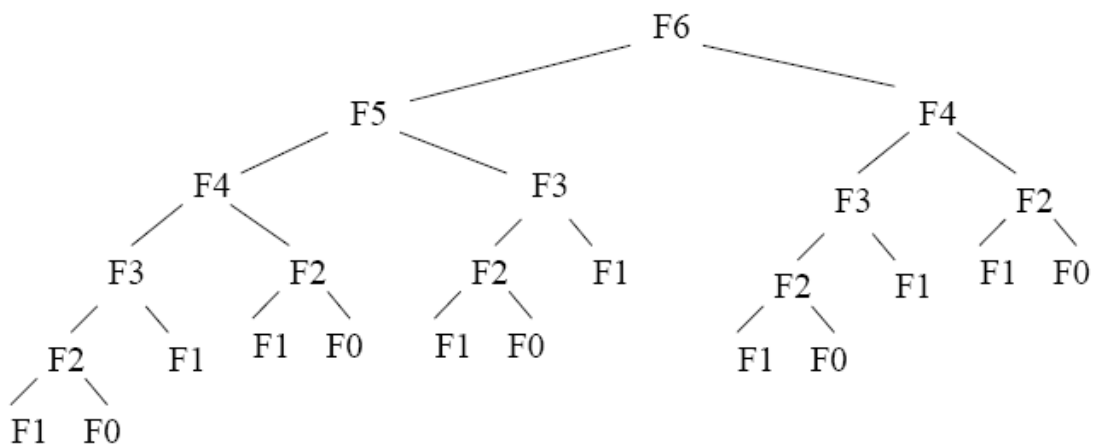
fat(5) = 5 * fat(4)
fat(4) = 4 * fat(3)
fat(3) = 3 * fat(2)
fat(2) = 2 * fat(1)
fat(1) = 1 * fat(0)
fat(0) = 1

Exemplo: série de Fibonacci

- Série de Fibonacci:
 - $F_n = F_{n-1} + F_{n-2}$ $n > 2$,
 - $F_0 = F_1 = 1$
 - 1, 1, 2, 3, 5, 8, 13, 21, 34, 55, 89...

```
int Fib(int n) {  
    if (n<2)  
        return (1);  
    else  
        return (Fib(n-1) + Fib(n-2));  
}
```

- Termos F_{n-1} e F_{n-2} são computados independentemente
- Número de chamadas recursivas = número de Fibonacci!
- Custo para cálculo de F_n
 - $O(\phi^n)$ onde $\phi = (1 + \sqrt{5})/2 = 1,61803...$
 - Exponencial!!!



Fibonacci iterativo é linear!

2. Análise de Algoritmos Recursivos

a) Equações de Recorrência

- Para cada procedimento recursivo é associada uma função de complexidade $f(n)$ desconhecida, onde n mede o tamanho dos argumentos para o procedimento.
- Obtemos uma equação de recorrência para $f(n)$.
- **Equação de recorrência:** maneira de definir uma função por uma expressão envolvendo a mesma função.
- Técnicas de solução:
 - Expansão telescópica
 - Árvore de recorrência
 - Método de substituição
 - Teorema mestre

Exemplo:

```
void Pesquisa(n) {  
  (1) if (n <= 1) {  
  (2)   inspecione_elemento(n); return; }  
      else {  
  (3)   for (int i=0; i<n; i++) inspecione_elemento(i);  
  (4)   Pesquisa(n/3);  
      }  
}
```

Análise do Procedimento Recursivo:

- Seja $T(n)$ uma função de complexidade que represente o número de inspeções nos n elementos do conjunto.
- O custo de execução das linhas (1) e (2) é $\Theta(1)$ e o da linha (3) é exatamente n .
- Usa-se uma equação de recorrência para determinar o no de chamadas recursivas.
- O termo $T(n)$ é especificado em função dos termos anteriores $T(1), T(2), \dots, T(n-1)$.
- $T(n) = n + T(n/3)$; $T(1) = 1$ (para $n = 1$ fazemos uma inspeção)
- Por exemplo, $T(3) = T(3/3) + 3 = 4$, $T(9) = T(9/3) + 9 = 13$, e assim por diante.

b) Método da Expansão Telescópica

- Substituem-se os termos $T(k)$, $k < n$, até que todos os termos $T(k)$, $k > 1$, tenham sido substituídos por fórmulas contendo apenas $T(1)$:

$$\text{Passo } i=0: \quad T(n) = n + T(n/3)$$

$$\text{Passo } i=1: \quad T(n/3) = n/3 + T(n/3/3)$$

$$\text{Passo } i=2: \quad T(n/3/3) = n/3/3 + T(n/3/3/3)$$

...

$$\text{Passo } i=x: \quad T(n/3/3 \dots /3) = n/3/3 \dots /3 + T(n/3 \dots /3)$$

- Adicionando lado a lado, temos

$$\begin{array}{l} T(n) = n + n(1/3) + n(1/3^2) + \dots + n(1/3^x) + T(n/3^{x+1}) \\ \text{Passo } \begin{array}{ccccccc} 0 & 1 & 2 & & \dots & x \end{array} \end{array}$$

que representa a soma de uma série geométrica de razão $1/3$, multiplicada por n , e adicionada de $T(n/3/3 \dots /3)$, que é 1 quando o valor entre parênteses for menor ou igual a 1.

- $T(n/3^{x+1})$ será igual a 1 quando $n/3^{x+1}=1$. Logo, $x=\log_3 n-1$. Lembrando que $T(1)=1$, temos que

$$T(n) = 1 + n \sum_{i=0}^{\log_3 n - 1} \frac{1}{3^i} = 1 + \frac{3n}{2} \left(1 - \frac{1}{n}\right) = \frac{3n-1}{2}$$

- Logo, o programa do exemplo é $\Theta(n)$

Exemplo: MergeSort

Utiliza uma estratégia do tipo *Divisão e Conquista*:

1. Divisão do problema em n sub-problemas
2. Conquista: resolução dos sub-problemas:
 - trivial se tamanho muito pequeno.
 - Utiliza-se a mesma estratégia para tamanho grande.
3. Combinação das soluções dos sub-problemas

MergeSort:

1. Divisão do vetor em dois vetores de dimensões similares
2. Conquista: ordenação recursiva dos dois vetores usando MergeSort; Nada a fazer para vetores de dimensão 1.
3. Combinação: fusão dos dois vetores ordenados. Será implementado por uma função auxiliar merge.

Função merge:

1. Recebe as duas sequências $A[p..q]$ e $A[q+1..r]$ já ordenadas.
2. No fim da execução da função, a sequência $A[p..r]$ estará ordenada.

```
void merge(int A[], int p, int q, int r) {  
    int L[MAX], R[MAX];  
    int n1 = q-p+1;  
    int n2 = r-q;  
    for (i=1 ; i<=n1 ; i++) L[i] = A[p+i-1];  
    for (j=1 ; j<=n2 ; j++) R[j] = A[q+j];  
    L[n1+1] = MAXINT; R[n2+1] = MAXINT;  
    i = 1; j = 1;  
    for (k=p ; k<=r ; k++)  
        if (L[i] <= R[j]) A[k] = L[i++]; else A[k] = R[j++];  
}
```

- Passo básico: comparação dos dois valores contidos nas primeiras posições de ambos os vetores, colocando o menor dos valores no vetor final.
- Cada passo básico é executado em tempo constante
- A dimensão da entrada é $n = r - p + 1$, e nunca poderá haver mais do que n passos básicos.
- Este algoritmo executa então em tempo linear : merge = $\Theta(n)$.

Qual o papel das sentinelas de valor MAXINT?

MergeSort:

```
void merge_sort(int A[], int p, int r)
{
    if (p < r) {
        q = (p+r)/2;
        merge_sort(A,p,q);
        merge_sort(A,q+1,r);
        merge(A,p,q,r);
    }
}
```

- Invocação inicial: merge_sort(A,1,n); em que A contém n elementos.
- Qual a dimensão de cada sub-sequência criada no passo de divisão?

Análise de Pior Caso:

- Simplificação da análise de “merge sort”: tamanho da entrada é uma potência de 2. Em cada divisão, as sub-sequências têm tamanho exatamente $n/2$.
- Seja $T(n)$ o tempo de execução (no pior caso) sobre uma entrada de tamanho n .
- Se $n = 1$, esse tempo é constante, que escrevemos $T(n) = \Theta(1)$.
- Senão:
 1. Divisão: o cálculo da posição do meio do vetor é feita em tempo constante: $D(n) = \Theta(1)$;
 2. Conquista: são resolvidos dois problemas, cada um de tamanho $n/2$; o tempo total para isto é $2T(n/2)$
 3. Combinação: a função merge executa em tempo linear: $C(n) = \Theta(n)$
- Desta forma:
$$T(n) = \Theta(1), \text{ se } n = 1;$$
$$= \Theta(1) + 2T(n/2) + \Theta(n), \text{ se } n > 1$$
- Considerando o número de comparações como operação crítica:
$$T(n) = 0, \text{ se } n = 1;$$
$$= 2T(n/2) + n, \text{ se } n > 1$$

Solução por expansão telescópica:

$$T(n) = 0, \quad \text{se } n = 1; \\ = 2T(n/2) + n, \quad \text{se } n > 1$$

$$\begin{array}{lll} \text{Passo } i=0: & T(n) & = 2T(n/2) + n \\ \text{Passo } i=1: & T(n/2) & = 2T(n/4) + n/2 \\ \text{Passo } i=2: & T(n/4) & = 2T(n/8) + n/4 \\ \dots & & \\ \text{Passo } i=x: & T(n/2^x) & = 2T(n/2^{x+1}) + n/2^x \end{array}$$

- Para usarmos a expansão, precisamos igualar os coeficientes das chamadas:

$$\begin{array}{lll} \text{Passo } i=0: & T(n) & = 2T(n/2) + n \\ \text{Passo } i=1: & 2T(n/2) & = 4T(n/4) + 2n/2 \\ \text{Passo } i=2: & 4T(n/4) & = 8T(n/8) + 4n/4 \\ \dots & & \\ \text{Passo } i=x: & 2^x T(n/2^x) & = 2^{x+1} T(n/2^{x+1}) + n \end{array}$$

- A recursão termina quando o tamanho do vetor for 1:

$$1 = n/2^{x+1} \Rightarrow x = \lg n - 1$$

- Logo:

$$T(n) = 0 + \sum_{i=0}^{\lg n - 1} n = n \lg n = \Theta(n \log n)$$

c) Árvores de Recorrência

- Cada nodo da árvore contém o custo daquele nível de recursão.
- Chamadas recursivas são filhos do nodo.
- Nodos folha contêm o custo da condição de término da recorrência.
- O custo final é a soma dos custos dos nodos. A altura da árvore deve ser calculada.

d) Teorema Mestre

- Recorrências das formas

$$T(n) = aT(n/b) + f(n)$$

onde $a \geq 1$ e $b > 1$ são constantes e $f(n)$ é uma função assintoticamente positiva, podem ser resolvidas usando o Teorema Mestre

- Neste caso, não estamos achando a forma fechada da recorrência mas sim seu comportamento assintótico

Teorema: Sejam as constantes $a \geq 1$ e $b > 1$ e $f(n)$ uma função definida nos inteiros não-negativos pela recorrência:

$$T(n) = aT(n/b) + f(n)$$

onde a fração n/b pode significar $\lfloor n/b \rfloor$ ou $\lceil n/b \rceil$. A equação de recorrência $T(n)$ pode ser limitada assintoticamente da seguinte forma:

1. Se $f(n) = O(n^{\log_b a - \varepsilon})$ para alguma constante $\varepsilon > 0$,
então $T(n) = \Theta(n^{\log_b a})$
2. Se $f(n) = \Theta(n^{\log_b a})$, então $T(n) = \Theta(n^{\log_b a} \log n)$
3. Se $f(n) = \Omega(n^{\log_b a + \varepsilon})$ para alguma constante $\varepsilon > 0$
e se $af(n/b) \leq cf(n)$ para alguma constante $c < 1$ e para n suficientemente grande, então $T(n) = \Theta(f(n))$

Comentários

- Nos três casos estamos comparando a função $f(n)$ com a função $n^{\log_b a}$. Intuitivamente, a solução da recorrência é determinada pela maior das duas funções. Por exemplo:
 - No primeiro caso a função $n^{\log_b a}$ é a maior e a solução para a recorrência é $T(n) = \Theta(n^{\log_b a})$
 - No terceiro caso, a função $f(n)$ é a maior e a solução para a recorrência é $T(n) = \Theta(f(n))$
 - No segundo caso, as duas funções são da mesma ordem. Neste caso, a solução fica multiplicada por um fator logarítmico: $T(n) = \Theta(n^{\log_b a} \log n) = \Theta(f(n) \log n)$

- No primeiro caso, a função $f(n)$ deve ser não somente menor que $n^{\log_b a}$ mas ser polinomialmente menor. Ou seja, $f(n)$ deve ser assintoticamente menor que $n^{\log_b a}$ por um fator de n^ε , para alguma constante $\varepsilon > 0$.
- No terceiro caso, a função $f(n)$ deve ser não somente maior que $n^{\log_b a}$ mas ser polinomialmente maior e satisfazer a condição de “regularidade” que $af(n/b) \leq cf(n)$. Esta condição é satisfeita pela maior parte das funções polinomiais encontradas neste curso.
- O Teorema **não** cobre todas as possibilidades para $f(n)$.

Exemplo 1

$$T(n) = 9T(n/3) + n$$

Temos que,

$$a = 9, \quad b = 3, \quad f(n) = n$$

Desta forma,

$$n^{\log_b a} = n^{\log_3 9} = \Theta(n^2)$$

Como $f(n) = O(n^{\log_3 9 - \varepsilon})$, onde $\varepsilon = 1$, podemos aplicar o caso 1 do teorema e concluir que a solução da recorrência é $T(n) = \Theta(n^2)$.

Exemplo 2

$$T(n) = T(2n/3) + 1$$

Temos que,

$$a = 1, \quad b = 3/2, \quad f(n) = 1$$

Desta forma,

$$n^{\log_b a} = n^{\log_{3/2} 1} = n^0 = 1$$

O caso 2 se aplica já que $f(n) = O(n^{\log_b a}) = \Theta(1)$. Temos então que a solução da recorrência é $T(n) = \Theta(\log n)$.

Exemplo 3

$$T(n) = 3T(n/4) + n \log n$$

Temos que,

$$a = 3, \quad b = 4, \quad f(n) = n \log n$$

Desta forma,

$$n^{\log_b a} = n^{\log_4 3} = O(n^{0,793})$$

Como $f(n) = \Omega(n^{\log_4 3 + \varepsilon})$, onde $\varepsilon \approx 0,2$, o caso 3 se aplica se mostrarmos que a condição de regularidade é verdadeira para $f(n)$.

Para um valor suficientemente grande de n

$$af(n/b) = 3(n/4) \log(n/4) \leq (3/4)n \log n = cf(n)$$

Para $c = 3/4$. Consequentemente, usando o caso 3, a solução para a recorrência é: $T(n) = \Theta(n \log n)$.

3. Técnica de projeto: Força Bruta

Exemplo: Clique

- Considere um conjunto P de n pessoas e uma matriz M de tamanho $n \times n$, tal que $M[i][j] = M[j][i] = 1$, se as pessoas i e j se conhecem e $M[i][j] = M[j][i] = 0$, caso contrário
- Problema: existe um subconjunto C (Clique), de r pessoas escolhidas de P , tal que qualquer par de pessoas de C se conhecem?
- Solução usando força bruta: verificar, para todas as combinações simples (sem repetições) C de r pessoas escolhidas entre as n pessoas do conjunto P , se todos os pares de pessoas de C se conhecem.

```
#include<iostream>
using namespace std;

void combinacao(int n, int r, int x[], int next, int k){
    int i;
    if (k == r){
        for (i = 0; i < r; i++){
            cout<<x[i]+1<<" ";
        }
        cout<<endl;
    } else {
        for (i = next; i < n; i++) {
            x[k] = i;
            combinacao(n, r, x, i+1, k+1);
        }
    }
}

int main () {
    int n, r, x[100];
    cout<<"Entre com o valor de n: ";
    cin>>n;
    cout<<"Entre com o valor de r: ";
    cin>>r;
    combinacao(n, r, x, 0, 0);
    return 0;
}
```

4. Técnica de projeto: Transformar e conquistar

2.

Exemplo: HeapSort

- Um *Heap* é uma estrutura de dados parcialmente ordenada que é adequada para a implementação de filas de prioridade.
- Fila de prioridade é um conjunto de itens com uma característica ordenável chamada prioridade, contendo as seguintes operações:
 - Encontrar um elemento com a prioridade mais alta
 - Remover um elemento com a prioridade mais alta
 - Adicionar um novo item ao conjunto

Definição: Um heap é uma árvore binária essencialmente completa com chaves atribuídas aos seus nós, onde a chave de um nó é maior ou igual a chave dos seus nós-filhos.

Propriedades:

- a) A altura de um heap com n nós é $\lfloor \lg n \rfloor$
- b) A raiz do heap sempre contém o maior elemento
- c) Cada sub-árvore é também um heap

Um heap pode ser implementado eficientemente como um arranjo:

- Os filhos de um nodo na posição i estão nas posições $2i$ e $2i+1$
- O pai de um nodo na posição i está na posição $i/2$.

O uso da estrutura heap permite que:

- O elemento máximo do conjunto seja determinado e corretamente posicionado no vetor em tempo constante, trocando-se o primeiro elemento do heap com o último.
- O trecho restante do vetor (do índice 1 ao $n-1$), que pode ter deixado de ter a estrutura de heap, volte a tê-la com número de trocas de elementos proporcional à altura da árvore.

O algoritmo Heapsort consiste da construção de um heap seguida de sucessivas trocas do primeiro com o último elemento e rearranjos do heap:

Heapsort(A)

- Entrada: Vetor A de n números inteiros.
- Saída: Vetor A ordenado.

```
1. ConstroiHeap(A, n)
2. Para ultimo:=n até 2 faça
  < t := A[ultimo]
    A[ultimo] := A[1]
    A[1] := t
  < AjustaHeap(A, 1, ultimo)
```

AjustaHeap(A, i, n)

- Entrada: Vetor A de n números inteiros com estrutura de heap, exceto, talvez, pela sub-árvore de raiz i
- Saída: Vetor A com estrutura de heap

```
se  $2i \leq n$  e  $A[2i] \geq A[i]$  então maximo :=  $2i$  senão maximo :=  $i$ 
se  $2i + 1 \leq n$  e  $A[2i + 1] \geq A[\text{maximo}]$  então maximo :=  $2i + 1$ 
se maximo <>  $i$  então
  t := A[maximo]
  A[maximo] := A[i]
  A[i] := t
  AjustaHeap(A, maximo, n)
```

Análise: (em função da altura da árvore, h)

Quantas comparações e quantas trocas são executadas no pior caso na etapa de ordenação do algoritmo Heapsort ?

- A seleção e o posicionamento do elemento máximo são feitos em tempo constante.
- No pior caso, a função `AjustaHeap` efetua $\Theta(h)$ comparações e trocas, onde h é a altura do heap que contém os elementos que restam ordenar.
- Como o heap representa uma árvore binária completa, então $h \in \Theta(\log i)$, onde i é o número de elementos do heap na i -ésima iteração.
- Logo, a complexidade da etapa de ordenação do Heapsort é:

$$\sum_{i=2}^n \log i \leq \sum_{i=1}^n \log n = n \log n = O(n \log n)$$

- Na verdade, $\sum \log i \in \Theta(n \log n)$.
- No entanto, também temos que computar a complexidade de construção do heap

Mas, como construímos o heap ?

Se o trecho de 1 a i do vetor tem estrutura de heap, é fácil adicionar a folha $i + 1$ ao heap e em seguida reorganizá-lo, garantindo que o trecho de 1 a $i + 1$ tem estrutura de heap. Esta é a abordagem top-down para construção do heap.

Construção do Heap (top-down):

- Entrada: Vetor A de n números inteiros.
- Saída: Vetor A com estrutura de heap.

```
para i:=2 até n faça
    v := A[ i ]
    j := i
    enquanto j > 1 e A[j / 2] < v faça
        A[j ] := A[j / 2]
        j := j / 2
    A[j ] := v
```

Análise (comparações e trocas no pior caso):

- O rearranjo do heap na iteração i efetua $\Theta(h)$ comparações e trocas no pior caso, onde h é a altura da árvore representada pelo trecho do heap de 1 a i . Logo, $h \in \Theta(\log i)$.
- Portanto, o número de comparações e trocas efetuadas na construção do heap por esta abordagem é $\sum_i \log i \in \Theta(n \log n)$

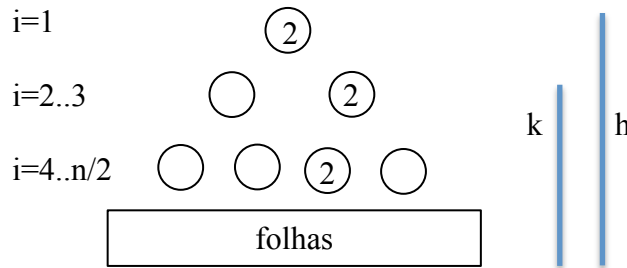
É possível construir o heap de forma mais eficiente. Suponha que o trecho de i a n do vetor é tal que, para todo $j, i \leq j \leq n$, a sub-árvore de raiz j representada por esse trecho do vetor tem estrutura de heap.

Note que, em particular, o trecho de $\lfloor n/2 \rfloor + 1$ a n do vetor satisfaz a propriedade, pois inclui apenas folhas da árvore binária de n elementos.

Construção do Heap (bottom-up):

- Entrada: Vetor A de n números inteiros.
- Saída: Vetor A com estrutura de heap.

para $i := n/2$ até 1 faça AjustaHeap(A,i,n)



Análise:

Quantas comparações são executadas no pior caso na construção do heap pela abordagem bottom-up ?

- O rearranjo do heap na iteração i efetua $2k$ comparações no pior caso, onde k é a altura da sub-árvore de raiz i .
- A altura de um nodo varia entre 1 e $h = \lg(n+1) - 1$
- Em cada nível de altura k temos 2^{h-k} nodos
- A função de custo para o número de comparações será então da forma:

$$f(n) = \sum_{k=1}^h 2k 2^{h-k} = 2n - 2 \lg(n+1)$$

- Logo, $f(n) \in \Theta(n)$ e a abordagem bottom-up para construção do heap apenas efetua $\Theta(n)$ comparações e trocas no pior caso.

Assim, a complexidade do Heapsort no pior caso é $\Theta(n \log n)$.

Um parênteses: O limite inferior para a classe de problemas de ordenação por comparação de chaves

O Heapsort usa $\Theta(n \log n)$ comparações no pior caso. Será possível projetar um algoritmo de ordenação baseado em comparações ainda mais eficiente?

Não! É possível provar que qualquer algoritmo que ordena n elementos, baseado apenas em comparações, efetua no mínimo $\Omega(n \log n)$ comparações no pior caso.

Para demonstrar esse fato, vamos representar os algoritmos de ordenação em um modelo computacional abstrato, denominado árvore (binária) de decisão:

- Os nós internos de uma árvore de decisão representam comparações feitas pelo algoritmo.
- As sub-árvores de cada nó interno representam possibilidades de continuidade das ações do algoritmo após a comparação.
- No caso das árvores binárias de decisão, cada nó possui apenas duas sub-árvores.
- As folhas são as respostas possíveis do algoritmo após as decisões tomadas ao longo dos caminhos da raiz até as folhas.

Considere a seguinte definição alternativa do problema da ordenação:

Dado um conjunto de n inteiros $x_1 \dots x_n$, encontre uma permutação p dos índices $1 \leq i \leq n$ tal que $x_{p(1)} \leq x_{p(2)} \leq \dots \leq x_{p(n)}$.

É possível representar um algoritmo para o problema da ordenação através de uma árvore de decisão da seguinte forma:

- Os nós internos representam comparações entre dois elementos do conjunto, digamos $x_i \leq x_j$.
- As ramificações representam os possíveis resultados da comparação: verdadeiro se $x_i \leq x_j$, ou falso se $x_i > x_j$.
- As folhas representam possíveis soluções: as diferentes permutações dos n índices.

Ao representarmos um algoritmo de ordenação qualquer baseado em comparações por uma árvore binária de decisão, todas as permutações de n elementos devem ser possíveis soluções. Assim, a árvore deve ter pelo menos $n!$ folhas.

O caminho mais longo da raiz a uma folha representa o pior caso de execução do algoritmo.

A altura mínima de uma árvore binária de decisão com pelo menos $n!$ folhas dá o número mínimo de comparações realizadas: $\log n! \in \Omega(n \log n)$.

Logo, o heapsort é um algoritmo ótimo.

5. Técnica de projeto: Decrementar e conquistar

Exemplo: Geração de permutações

Gerar todas as permutações dos elementos de um vetor.

Solução: Fixar um elemento e gerar todas as $(n-1)!$ permutações com os elementos 2..n do vetor.

Solução:

Permutação (v, i, n)

```
se i=n então imprima(v,n)
senão para k:=1 até n-i+1 faça
    Permutação (v,i+1,n)
    Rotaciona (v,i,n)
```

Análise em função do número de impressões:

- Faça uma mudança de variável: $m=n-i+1$
- Atenção na expansão telescópica

Obs: O algoritmo de Johnson-Trotter evita ao máximo as trocas entre elementos, com o custo de uma estrutura de dados auxiliar.

Exemplo: Ciclo Hamiltoniano

- Considere um conjunto de n cidades e uma matriz M de tamanho $n \times n$ tal que $M[i][j] = 1$, se existir um caminho direto entre as cidades i e j , e $M[i][j] = 0$, caso contrário
- Problema: existe uma forma de, saindo de uma cidade qualquer, visitar todas as demais cidades, sem passar duas vezes por nenhuma cidade e, no final, retornar para a cidade inicial?
- Se existe uma forma de sair de uma cidade X qualquer, visitar todas as demais cidades (sem repetir nenhuma) e depois retornar para X , então existe um ciclo Hamiltoniano e qualquer cidade do ciclo pode ser usada como ponto de partida
- Como vimos, qualquer cidade pode ser escolhida como cidade inicial. Sendo assim, vamos escolher, arbitrariamente a cidade n como ponto de partida
- Solução: testar todas as permutações das $n-1$ primeiras cidades, verificando se existe um caminho direto entre a cidade n e a primeira da permutação, assim como um caminho entre todas as cidades consecutivas da permutação e, por fim, um caminho direto entre a última cidade da permutação e a cidade n . Similar a força-bruta.
- Ciclo Hamiltoniano:

$$n \rightsquigarrow [p_1 \rightsquigarrow p_2 \rightsquigarrow p_3 \rightsquigarrow \dots \rightsquigarrow p_{n-1}] \rightsquigarrow n$$

```

#include<iostream>
using namespace std;

void permutacao(int n, int x[], bool used[], int k){
    int i;
    if (k == n){
        for (i = 0; i < n; i++)
            cout<<x[i]+1<<" ";
        cout<<endl;
    } else {
        for (i = 0; i < n; i++) {
            if (!used[i]) {
                used[i] = true;
                x[k] = i;
                permutacao(n, x, used, k+1);
                used[i] = false;
            }
        }
    }
}

int main () {
    int i, n, x[100];
    bool used[100];
    cout<<"Entre com o valor de n: ";
    cin>>n;
    for (i = 0; i < n; i++)
        used[i] = false;
    permutacao(n,x,used,0);
    return 0;
}

```

6. Técnica de projeto: Divisão e conquista

- O paradigma divisão e conquista consiste em dividir o problema a ser resolvido em partes menores, encontrar soluções para as partes, e então combinar as soluções obtidas em uma solução global
- O paradigma divisão e conquista envolve três passos em cada nível de recursão:
 - **Dividir** o problema em um determinado número de subproblemas
 - **Conquistar** os subproblemas, resolvendo-os recursivamente. Se o tamanho dos subproblemas forem pequenos o bastante, basta resolver os subproblemas de maneira direta
 - **Combinar** as soluções dadas aos problemas a fim de formar a solução para o problema original
- Existem três condições que indicam que a estratégia de divisão e conquista pode ser utilizada com sucesso:
 - Deve ser possível decompor uma instância em subinstâncias
 - A combinação dos resultados deve ser eficiente (muitas vezes, trivial)
 - As subinstâncias devem ser mais ou menos do mesmo tamanho

a) Exemplo: Exponenciação

Problema: Calcular a^n , para todo real a e inteiro $n \geq 0$.

Primeira solução (incremental):

- Caso base: $n = 0$; $a^0 = 1$.
- Hipótese de indução: Suponha que, para qualquer inteiro $k < n$ e real a , sei calcular a^k .
- Passo da indução: Queremos provar que conseguimos calcular a^k , para $k=n$. Por hipótese de indução, sei calcular a^{n-1} . Então, calculo a^n multiplicando a^{n-1} por a .

Exponenciação(a, n)

```
se  $n = 0$  então retorne(1)
senão  $an := \text{Exponenciação}(a, n - 1)$ 
 $an := an * a$ 
retorne( $an$ )
```

Análise:

Vamos agora projetar um algoritmo para o problema usando o método de divisão e conquista.

ExponenciaçãoDC(a, n)

```
se n = 0 então retorne(1)
senão
    an := ExponenciaçãoDC(a, n/2)
    an := an' * an
    se (n mod 2) = 1 an := an * a
retorne(an)
```

Análise:

- Colocar 2 condições de contorno: n=0, n=1
- Pior caso: o teste de paridade é sempre tomado

b) Exemplo: Busca Binária

BuscaBinaria(A, e, d, x)

- Entrada: Vetor A, delimitadores e e d do subvetor e x.
- Saída: Índice $0 \leq i \leq n-1$ tal que $A[i] = x$ ou $i = -1$.
- Chamada inicial: BuscaBinaria(A, 0, n-1, x)

```
se e = d então
    se A[e] = x então retorne(e) senão retorne(-1)
senão
    i := (e + d)/2
    se A[i] = x então retorne(i)
    senão se A[i] > x
        i := BuscaBinaria(A, e, i - 1, x)
    senão i := BuscaBinaria(A, i + 1, d, x)
retorne(i)
```

Análise:

- Pior caso: elemento não encontrado, fazer a análise considerando que $n=2^k-1$
- Caso médio: cada elemento tem probabilidade $1/n$ de ser o valor procurado. Usar uma árvore para análise.

Exercícios: Proponha versões não recursivas para os exemplos acima. A eliminação da recursividade altera a complexidade das soluções?

c) Exemplo: MergeSort

- O algoritmo de ordenação Mergesort obedece ao paradigma de dividir e conquistar
 - **DIVIDIR**: divide a sequência de n elementos a serem ordenados em duas subsequências de $n/2$ elementos cada uma
 - **CONQUISTAR**: ordena as duas subsequências recursivamente, utilizando o MERGE-SORT
 - **COMBINAR**: faz a intercalação das duas sequências ordenadas, de modo a produzir a resposta ordenada (função MERGE)

```
MERGE-SORT (A, p, r)
if p < r then
    q ← ⌊(p + r) / 2⌋      // Dividir
    MERGE-SORT (A, p, q)   //Conquistar
    MERGE-SORT (A, q+1, r) //Conquistar
    MERGE (A, p, q, r)     //Combinar
```

```

MERGE(A,p,q,r)
n1 ← q-p+1
n2 ← r-q
criar arranjos L[1..n1+1] e R[1..n2+1]
for i ← 1 to n1 do
    L[i] ← A[p+i-1]
for j ← 1 to n2 do
    R[j] ← A[q+j]
L[n1+1] ← ∞
R[n2+1] ← ∞
i ← 1
j ← 1
for k ← p to r do
    if L[i] ≤ R[j] then
        A[k] ← L[i]
        i ← i+1
    else
        A[k] ← R[j]
        j ← j+1

```

Exemplo: 52471326

Análise de Complexidade (supondo $n=2^k$ e que a operação relevante seja a comparação com os elementos do vetor):

- Dividir: a etapa de dividir simplesmente calcula o ponto médio do subarranjo e não realiza comparação
- Conquistar: resolvemos recursivamente dois subproblemas, cada um tem o tamanho $n/2$ e contribui com $2T(n/2)$ para o tempo de execução
- Combinar: o procedimento MERGE leva o tempo n , onde $n=r-p+1$ é o número de elementos que estão sendo intercalados

$$\begin{cases} T(n) = 2T\left(\frac{n}{2}\right) + n \\ T(1) = 0 \end{cases} \quad \text{se } n > 1$$

$$T(n) = n \log n$$

d) Exemplo: QuickSort

- Algoritmo de ordenação baseado na estratégia de Dividir e Conquistar
- Em contraste ao Mergesort, no Quicksort é a operação de divisão a mais custosa: depois de escolhermos o pivot, temos que separar os elementos do vetor maiores que o pivot dos menores que o pivot.
- Conseguimos fazer essa divisão com $\Theta(n)$ operações: basta varrer o vetor com dois apontadores, um varrendo da direita para a esquerda e outro da esquerda para a direita, em busca de elementos situados na parte errada do vetor, e trocar um par de elementos de lugar quando encontrado.
- Após essa etapa, basta ordenarmos os dois trechos do vetor recursivamente para obtermos o vetor ordenado, ou seja, a conquista é imediata.

Quicksort(A, esq, dir)

// Entrada: Vetor A de inteiros e os índices *esq* e *dir* que delimitam início e fim do subvetor a ser ordenado.

// Saída: Subvetor de A de *esq* a *dir* ordenado.

início

 i=esq

 j=dir

 pivô=A[dir]

 repita

 enquanto (A[i] < pivô) faça i = i + 1

 enquanto (A[j] > pivô) faça j = j - 1

 se (i <= j) então

 troca (A[i], A[j])

 i = i + 1

 j = j - 1

 até_que (i > j)

 se (j > esq) então QuickSort(A, esq, j)

 se (i < dir) então QuickSort(A, i, dir)

fim

Análise do pior caso:

- Quantas comparações e quantas trocas o algoritmo Quicksort executa no pior caso?
- Certamente a operação de divisão tem complexidade $\Theta(n)$, mas o tamanho dos dois subproblemas depende do pivot escolhido.
- No pior caso, cada divisão sucessiva do Quicksort separa um único elemento dos demais, recaindo na recorrência:

$$T(n) = 0, n = 1$$

$$T(n) = T(n - 1) + n, n > 1,$$

- Portanto, $\Theta(n^2)$ comparações e trocas são executadas no pior caso.
- Então, o algoritmo Quicksort é assintoticamente menos eficiente que o Mergesort no pior caso.
- Veremos que, no caso médio, o Quicksort efetua $\Theta(n \log n)$ comparações e trocas.
- Assim, na prática, o Quicksort é bastante eficiente, com uma vantagem adicional em relação ao Mergesort: é *in place*, isto é, não utiliza um vetor auxiliar.

Análise do caso médio:

- Considere que i é o índice da posição do pivot escolhido no vetor ordenado.
- Supondo que qualquer elemento do vetor tem igual probabilidade de ser escolhido como o pivot
- Então, na média, o tamanho dos subproblemas resolvidos em cada divisão sucessiva será ($n \geq 2$):

$$\frac{1}{n} \sum_{i=1}^n (T(i-1) + T(n-i))$$

- Supondo $T(0)=0$, Não é difícil ver que:

$$\sum_{i=1}^n T(i-1) = \sum_{i=1}^n T(n-i) = \sum_{i=1}^{n-1} T(i)$$

- Assim, no caso médio, o número de operações efetuadas pelo Quicksort é dado pela recorrência:

$$T(n) = \begin{cases} 0, n < 2 \\ \frac{2}{n} \sum_{i=1}^{n-1} T(i) + n - 1, n \geq 2 \end{cases}$$

- $T(n) \cong 1.4n \log n = \Theta(n \log n)$. Portanto, na média, o Quicksort executa $\Theta(n \log n)$ trocas e comparações.

7. Técnica de projeto: Retrocesso (Backtracking)

A técnica de backtracking consiste em:

- Construir soluções adicionando um componente de cada vez.
- Avaliar estas soluções candidatas parcialmente construídas:
 - Se uma solução parcialmente construída puder continuar a ser desenvolvida, sem violar as condições do problema, pega-se a primeira opção remanescente.
 - Se não houver opção para o próximo componente, o algoritmo retrocede para trocar o último componente inserido pela próxima opção.
- É conveniente construir uma árvore para acompanhar o processo de escolha de opções. As folhas representam nós que não podem levar a uma solução ou soluções completas.
- O espaço de estados representado pela árvore é explorado através de uma busca em profundidade.
- Enquanto algoritmos de força bruta geram todas as possíveis soluções e só depois verificam se elas são válidas, *backtracking* só gera soluções válidas

a) Exemplo: Problema das n rainhas

Colocar n rainhas em um tabuleiro de xadrez $n \times n$ de modo que duas delas não estejam na mesma linha, coluna ou diagonal.

- Para algumas instâncias de n , o problema não tem solução.
- O algoritmo posiciona a primeira rainha na casa (1,1).
- Obviamente, a próxima rainha não poderá ficar na linha 1.
- Ao ser posicionada em (2,2), verifica-se que está na mesma diagonal da primeira rainha, logo esta solução parcial é inviável.
- O algoritmo retrocede para escolher a próxima opção (2,3).
- Eventualmente, o retrocesso pode chegar a raiz.
- A árvore terá altura n .

b) Exemplo: Soma do subconjunto

Encontrar um subconjunto de um dado conjunto S de n inteiros positivos cuja soma seja igual a um inteiro d .

Análise:

- No pior caso, algoritmos de backtracking têm comportamento exponencial.
- O algoritmo, no entanto, acaba podando ramos inviáveis, reduzindo bastante o tempo total.
- Se apenas uma solução for suficiente, o algoritmo pode parar bem antes do final.

- O sucesso desta técnica varia bastante de problema a problema e entre instâncias do mesmo problema.
- É uma técnica geralmente aplicada a problemas combinatoriais, para os quais não existam algoritmos eficientes.
- A implementação não recursiva requer uma pilha que é $O(n)$ onde n é a altura da árvore.