

# Veille scientifique

Pierre Poulain

[pierre.poulain@univ-paris-diderot.fr](mailto:pierre.poulain@univ-paris-diderot.fr)

M2 BI – 11/2011



À l'exception des illustrations et images dont les crédits sont indiqués à la fin du document et dont les droits appartiennent à leurs auteurs respectifs, le reste de ce cours est sous licence Creative Commons Paternité (CC-BY).

<http://creativecommons.org/licenses/by/2.0/fr/>

# **Veille scientifique**

**(en bioinformatique)**

# Identifier

**ce qui se fait**  
découvertes

**qui le fait**  
acteurs

**comment c'est fait**  
méthodes / compétences

# Littérature scientifique : au secours !

**700 000**  
articles dans  
PubMed en 2010

25 400 journaux en science, technologies et médecine (2009)

# Quelques outils

**Pubmed, esp@cenet**

**Google Scholar, Scirus**

**LinkedIn, Viadeo**

**Twitter...**



# Publications : Pubmed

`http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed`

**Recherche par affiliation (labo/entreprise) :**

`lasim[affiliation]`

**! affiliations incomplètes dans pubmed :**

`lasim[all fields]`

# Brevets : esp@cenet

<http://fr.espacenet.com/advancedSearch>

**recherche de brevets**

**national / européen / mondial**



Recherche rapide

**Recherche avancée**

Recherche par N°

Dernière liste de résultats

Ma liste de brevets 0

Recherche dans la  
Classification

Aide

**Aide rapide**

- » Quelle couverture pour chacune des bases de données ?
- » Combien de termes puis-je entrer dans chaque champ ?
- » Comment rechercher sur une combinaison de mots ?
- » Comment utiliser des troncatures ?
- » Qu'est-ce qu'un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Comment entrer un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Quelle est la différence entre les Classifications CIB et ECLA ?
- » Comment entrer une période comprise entre 2 dates ?
- » Comment savoir quel est le document le plus récent disponible pour un pays donné ?

## Recherche avancée

### 1. Base de données

Base FR-esp@cenet= FR + EP + WO, en français

Choisissez:

FR - esp@cenet ▼

### 2. Critères de recherche

Entrez vos mots-clés en français sur la base FR-esp@cenet, en anglais sur la base Worldwide.

Mots-clés dans le titre:

e.g. motor

Mots-clés dans le titre ou  
l'abrégié:

e.g. hair

N° de publication:

e.g. EP1883031

N° de demande:

e.g. EP20070010825

N° de priorité:

e.g. DE20021036409

Date de pub:

e.g. 20070919

Demandeur(s):

e.g. IBM

Inventeur(s):

e.g. Siemens

Classification européenne  
(ECLA):

Classification internationale  
des brevets (CIB)

e.g. H02M7/537 H03K17/687

RECHERCHER

EFFACER

Recherche rapide

**Recherche avancée**

Recherche par N°

Dernière liste de résultats

Ma liste de brevets 0

Recherche dans la  
Classification

Aide

**Aide rapide**

- » Quelle couverture pour chacune des bases de données ?
- » Combien de termes puis-je entrer dans chaque champ ?
- » Comment rechercher sur une combinaison de mots ?
- » Comment utiliser des troncatures ?
- » Qu'est-ce qu'un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Comment entrer un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Quelle est la différence entre les Classifications CIB et ECLA ?
- » Comment entrer une période comprise entre 2 dates ?
- » Comment savoir quel est le document le plus récent disponible pour un pays donné ?

## Recherche avancée

### 1. Base de données

Base FR-esp@cenet= FR + EP + WO, en français

Choisissez:

FR - esp@cenet ▼

### 2. Critères de recherche

Entrez vos mots-clés en français sur la base FR-esp@cenet, en anglais sur la base Worldwide.

<b>Mots-clés dans le titre:</b>	<input type="text"/>	e.g. motor
<b>Mots-clés dans le titre ou l'abrégié:</b>	<input type="text" value="modélisation protéine"/>	e.g. hair
<b>N° de publication:</b>	<input type="text"/>	e.g. EP1883031
<b>N° de demande:</b>	<input type="text"/>	e.g. EP20070010825
<b>N° de priorité:</b>	<input type="text"/>	e.g. DE20021036409
<b>Date de pub:</b>	<input type="text"/>	e.g. 20070919
<b>Demandeur(s):</b>	<input type="text" value="CNRS"/>	e.g. IBM
<b>Inventeur(s):</b>	<input type="text"/>	e.g. Siemens
<b>Classification européenne (ECLA):</b>	<input type="text"/>	
<b>Classification internationale des brevets (CIB)</b>	<input type="text"/>	e.g. H02M7/537 H03K17/687

RECHERCHER

EFFACER

Recherche rapide

Recherche avancée

Recherche par N°

Dernière liste de résultats

Ma liste de brevets

0

Recherche dans la  
Classification

Aide

Aide rapide

- » Pourquoi la liste de résultats affiche-t-elle seulement 500 réponses ?
- » Pourquoi le nombre de résultats est-il parfois « approximatif » ?
- » Pourquoi ai-je parfois

☐ Compact | Imprimer | Export

Reformuler votre recherche

# LISTE DES RESULTATS

1 résultat trouvé dans la base de données FR - esp@cenet pour:

**modélisation protéine** dans le titre ou l'abrégié AND **CNRS** comme demandeur

(Les résultats sont triés par date de mise à jour dans la base de données)

1

## PROCEDE DE MODELISATION DE STRUCTURES TOPOLOGIQUES TRIDIMENSIONNELLES D'UNE PROTEINE

dans ma liste de brevets ☐

**Inventeur:** WALDISPUHL JEROME MICHEL GEORG **Demandeur:** ECOLE POLYTECH [FR] ; CENTRE NAT RECH [FR] ; STEYAERT JEAN-MARC [FR] SCIENT [FR] (+2)  
**CE** **CIB:** (IPC1-7): G06F19/00

**Publication:** WO2006032949 (A1) — 2006-03-30

Données issues de la base de données — FR - esp@cenet

Recherche rapide

Recherche avancée

Recherche par N°

Dernière liste de résultats

Ma liste de brevets 0

Recherche dans la  
Classification

Aide

Aide rapide

- » Pourquoi certains onglets sont-ils désactivés ?
- » A quoi correspond la liste de documents avec l'en-tête "Également publié en tant que" ?
- » Que signifient les codes A1, A2, A3, B ... etc placés après un N° de publication ?
- » Qu'est-ce qu'un document cité ?
- » A quoi correspondent les documents citants ?
- » Quelle information trouver par le lien "Vue du document dans le Registre européen"
- » Pourquoi s'affiche parfois l'abrégé d'un document correspondant ?
- » Pourquoi n'y a-t-il pas d'abrévés pour les documents XP ?
- » Qu'est-ce qu'une mosaïque ?

☐ Dans ma liste de brevets | Imprimer

[Retour à la liste de résultats](#)

## PROCEDE DE MODELISATION DE STRUCTURES TOPOLOGIQUES TRIDIMENSIONNELLES D'UNE PROTEINE

Données  
bibliographiques

Description

Revendications

Mosaïque

Document  
original

Situation juridique  
INPADOC

**N° de brevet:** WO2006032949 (A1)

**Date de pub:** 2006-03-30

**Inventeur(s):** WALDISPUHL JEROME MICHEL GEORG [FR]; STEYAERT JEAN-MARC [FR]

**Demandeur(s):** ECOLE POLYTECH [FR]; CENTRE NAT RECH SCIENT [FR]; WALDISPUHL JEROME MICHEL GEORG [FR]; STEYAERT JEAN-MARC [FR]

**Classification:**

- **internationale:** (IPC1-7): G06F19/00

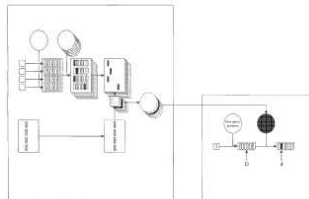
- **européenne:**
**N° de demande:** WO2004IB03320 20040924

**N°(s) de priorité:** WO2004IB03320 20040924

[Voir le Registre européen](#) 
[Signaler une erreur sur les données](#)

Abrégé pour **WO 2006032949 (A1)**

L'invention concerne un procédé de modélisation des structures topologiques tridimensionnelles d'une protéine à modéliser à partir de la séquence linéaire d'acides aminés de ladite protéine à modéliser, ledit procédé étant caractérisé en ce qu'il modélise la structure de ladite protéine à modéliser par une description recourant à une grammaire sans contexte.



Recherche rapide

**Recherche avancée**

Recherche par N°

Dernière liste de résultats

Ma liste de brevets 0

Recherche dans la  
Classification

Aide

Aide rapide

- » Quelle couverture pour chacune des bases de données ?
- » Combien de termes puis-je entrer dans chaque champ ?
- » Comment rechercher sur une combinaison de mots ?
- » Comment utiliser des troncatures ?
- » Qu'est-ce qu'un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Comment entrer un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Quelle est la différence entre les Classifications CIB et ECLA ?
- » Comment entrer une période comprise entre 2 dates ?
- » Comment savoir quel est le document le plus récent disponible pour un pays donné ?

## Recherche avancée

### 1. Base de données

Base FR-esp@cenet= FR + EP + WO, en français

Choisissez:

Worldwide

### 2. Critères de recherche

Entrez vos mots-clés en français sur la base FR-esp@cenet, en anglais sur la base Worldwide.

Mots-clés dans le titre:	<input type="text"/>	plastic and bicycle
Mots-clés dans le titre ou l'abrégié:	<input type="text"/>	bioinformatics and proteomics
N° de publication:	<input type="text"/>	WO2008014520
N° de demande:	<input type="text"/>	DE19971031696
N° de priorité:	<input type="text"/>	WO1995US15925
Date de pub:	<input type="text"/>	yyyymmdd
Demandeur(s):	<input type="text"/>	Institut Pasteur
Inventeur(s):	<input type="text"/>	Smith
Classification européenne (ECLA):	<input type="text"/>	F03G7/10
Classification internationale des brevets (CIB):	<input type="text"/>	H03M1/12

RECHERCHER

EFFACER

Recherche rapide

Recherche avancée

Recherche par N°

Dernière liste de résultats

Ma liste de brevets 0

Recherche dans la  
Classification

Aide

Aide rapide

- » Pourquoi la liste de résultats affiche-t-elle seulement 500 réponses ?
- » Pourquoi le nombre de résultats est-il parfois « approximatif » ?
- » Pourquoi ai-je parfois moins de résultats qu'avec l'ancien espacenet ?
- » Pourquoi ai-je parfois des résultats avec « Titre non disponible » ?
- » Que signifient les chiffres entre parenthèses ? Est-il possible de voir les noms ou les classifications manquantes ?
- » Pourquoi cliquer dans la case " dans ma liste de brevets " ?
- » Can I export the result list?
- » Qu'est-ce qu'un document XP ?
- » Can I sort the result list?

☐ Compact | Imprimer | Exporter

Reformuler votre recherche

## LISTE DES RESULTATS

5 résultats trouvés dans la base de données Worldwide pour :  
**bioinformatics proteomics** dans le titre ou l'abrégié

Critères de tri: **Date de chargement** | Date de priorité | Inventeur | Demandeur | Ecla

- A bioinformatics system for functional proteomics modelling** dans ma liste de brevets ☐  
**Inventeur :** SOLOMON NEAL E [US] **Demandeur :** SOLOMON NEAL E [US]  
**CE** G06F19/12 **CIB :** C12Q1/68; G01N33/48; G01N33/50; (+6)  
**Publication** EP1607898 (A2) - 2005-12-21 **Date de priorité :** 2004-05-18  
 : EP1607898 (A3) - 2006-03-29
- E-GENECHIP ONLINE WEB SERVICE FOR DATA MINING BIOINFORMATICS** dans ma liste de brevets ☐  
**Inventeur :** WANG EUGENIA ; HALL WILLIAM CHRISTOPHER (+1) **Demandeur :** UNIV LOUISVILLE RES FOUND [US]  
**CE** G01N27/447B3; G06F19/20; (+1) **CIB :** G01N27/447; G06F19/00; G06T9/00; (+5)  
**Publication** WO03008963 (A1) - 2003-01-30 **Date de priorité :** 2001-07-18  
 :
- E-GeneChip online web service for data mining bioinformatics** dans ma liste de brevets ☐  
**Inventeur :** WANG EUGENIA [US] ; HALL WILLIAM CHRISTOPHER [US] (+1) **Demandeur :** UNIV LOUISVILLE RES FOUND [US]  
**CE** G01N27/447B3A; G06F19/20; (+2) **CIB :** G01N27/447; G06F19/00; G06T9/00; (+7)  
**Publication** US2003099973 (A1) - 2003-05-29 **Date de priorité :** 2001-07-18  
 :
- POLYPEPTIDE FINGERPRINTING METHODS, METABOLIC PROFILING, AND BIOINFORMATICS DATABASE** dans ma liste de brevets ☐  
**Inventeur :** SCHNEIDER LUKE V [US] ; HALL MICHAEL P [US] (+2) **Demandeur :** TARGET DISCOVERY INC [US] ; SCHNEIDER LUKE V [US] (+3)  
**CE** G01N27/447B3; G01N27/447B3A2; (+3) **CIB :** C07K1/26; C07K1/28; G01N27/447; (+14)  
**Publication** WO0063683 (A1) - 2000-10-26 **Date de priorité :** 1999-04-20  
 :
- Polypeptide fingerprinting methods and bioinformatics database system** dans ma liste de brevets ☐  
**Inventeur :** SCHNEIDER LUKE V [US] ; HALL MICHAEL P [US] (+2) **Demandeur :** TARGET DISCOVERY INC [US]  
**CE** B65G59/06B4; G01N27/447B3; (+4) **CIB :** B65G59/06; G01N27/447; B65G59/06; (+6)  
**Publication** US6677114 (B1) - 2004-01-13 **Date de priorité :** 1999-04-20  
 :

# Google scholar

`http://scholar.google.fr/`

**thèses, livres, articles en pré/post publication  
(archives ouvertes\*), rapports, offres de stage...**

`* hal.archives-ouvertes.fr`

# Scirus

`http://www.scirus.com`

~ Google Scholar

recherche par **type** de données (résumé, site web, pré-print) et **source** (éditeurs, serveurs d'archives)



# LinkedIn / Viadeo

`http://www.linkedin.com`

`http://www.viadeo.com`

**recherche par laboratoire / entreprise**

**au-delà** : réseau (amis, collègues, congrès)

# Exercice 1 : fiche d'identité

## **Fiche d'identité d'un laboratoire/entreprise en bioinformatique**

# Exercice 1 : fiche d'identité

**Nom – site web – logo**

**Localisation des différents sites, effectifs, dirigeants/responsables**

**Labo : affiliations (Univ., Inserm, CNRS...), équipes, personnel**

**Entreprise : chiffre d'affaire (+ % pour la R&D), produits, technologies**

# Ex. 1 : thématiques & perspectives

**Quelle bioinformatique ? Quelles activités ?  
Quelle(s) innovation(s) ?**

**6 derniers articles/brevets**

**derniers recrutements**

**dernières offres d'emploi**  
site web, bioinfo, naturejobs...

**dernières actualités**

# Ex. 1 : règles du jeu

~~ancien entreprise / labo~~ (cours, stages)

pro → entreprise

recherche → labo

→ présentation de 7' par binôme

# Exercice 2 : LinkedIn

**1. Créez-vous un compte chez LinkedIn**

**2. Remplissez-le **correctement****

formation, exp. pro., compétences, langues, loisirs

**3. Rejoignez les groupes AMBI et JeBiF**

# Twitter

# Définitions

**Site de microblogage en 140 caractères**

**2010 : 25 milliards de tweets (793 / s)**

**abonnés (*followers*) / abonnements (*followings*)**





## Pierre Poulain

@pierrepo

*Structural bioinformatics. Python. Science 2.0. Teaching. Humor. Science in France/French. Lecturer at Univ Paris Diderot - Paris 7.*  
<http://cupnet.net>

+ Suivre



Envoyez **follow pierrepo** par SMS au [shortcode de votre opérateur](#)

Tweets

Favoris

Abonnements

Abonnés

Listes ▾



**pierrepo** Pierre Poulain

The paper link [bit.ly/sjVQyE](http://bit.ly/sjVQyE) - Really nice chrome extension to improve your bibliographic browsing in [#PubMed](#) (via Christel)

Il y a 1 heure



**tomroud** Tom Roud par pierrepo

Tiens, suite à ce billet de [@tpoi timotheepoisot.fr/2011/11/get-yo...](#), voilà que je me demande si je ne devrais pas faire un blog pour mon vrai moi.

19 Nov



**FigShare** Mark Hahnel par pierrepo

Nice [#science](#) [http://t.co/7ZmubTK](#)



# Contenu (↓ bof)



**ladygaga** Lady Gaga

I can't believe we got 6 Europe Music Awards nominations! I'm so happy! Only halfway through this album, + I can't believe how far its come.

18 Oct



**dannaaamae** d a n n a a x3

fries + vanilla **ice cream** = BOMB !♡

Il y a 7 minutes



**JulienJadot** ☀ + ❄ = ☂

J'ai été voir **Tintin** en 3D au **#cinéma**.

Il y a 3 heures

# Contenu (↑ biblio)



**neilfws** Neil Saunders

Briefings in Bioinformatics Special Issue: Collaborative Bioinformatics and RNA Analysis [bit.ly/u4WJSX](http://bit.ly/u4WJSX)

Il y a 17 heures



**OpenHelix** OpenHelix Staff

NAR database issue articles (advance access) are out, treasure trove of data & analysis tools: [bit.ly/slyEub](http://bit.ly/slyEub) #genomics

18 Nov



**freesci** Pawel Szczesny

Simulating electrostatic energies in proteins; Perspectives and some recent studies of pKas, redox an... <http://twurl.nl/zd8r7f> #greader

16 Jul

# Contenu (↑ technique)



**neilfws** Neil Saunders

How to let R use all the cores of the computer? - Stack Overflow

[bit.ly/vi6yB7](https://bit.ly/vi6yB7) #diigo

11 Nov



**yokofakun** Pierre Lindenbaum

RT @brent\_p @yokofakun LC\_ALL=C improves speed for things like grep too.

11 Aoû



**molmodelblog** Molecular Modeling

Cool! RT @biochembelle: For structure-minded tweeps: New PyMOL avail. Python update, improved graphics, faster rendering, plus 64b. for Mac

8 Juin

# Contenu (↑ culture)



**molmodelblog** Molecular Modeling

What are the best tools for protein function prediction?

<http://bit.ly/jfbURI>

22 Mai



**molmodelblog** Molecular Modeling

Important residues for protein-protein binding / interface prediction  
(BioStar thread) <http://bit.ly/kHSUB4>


21 Mai



**kbradnam** Keith Bradnam

Interesting blog article on the appropriateness and utility of using  
GPUs for bioinformatics [larsjuhljensen.wordpress.com/2011/01/](http://larsjuhljensen.wordpress.com/2011/01/)

9 Nov



Getting information off the  
Internet is like taking a  
drink from a fire hydrant.

Mitchell Kapor

# Flux RSS

syndication & agrégation

*One ring to rule them all*



# Syndication & flux RSS ?

**Syndication de contenu web**

**= abonnement aux mises à jour**

**flux RSS (ATOM)**





# Agrégation & flux RSS ?

**Firefox, Chrome, Opera, Safari**

**Thunderbird, RSSowl**

**Google Reader, Netvibes, Yahoo, MSN**

Recent Research

Featured Discussions

Most Viewed

**Sparse Gamma Rhythms Arising through Clustering in Adapting Neuronal Networks**

**Robust Signal Processing in Living Cells**

**Deciphering the Arginine-Binding Preferences at the Substrate-Binding Groove of Ser/Thr Kinases by Computational Surface Mapping**

**Genome Majority Vote Improves Gene Predictions**

**Speed, Sensitivity, and Bistability in Auto-activating Signaling Circuits**

[Browse all recently published articles](#)

**Publish with PLOS**

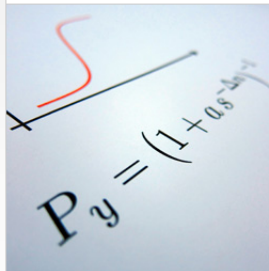
[We want to publish your work](#)

**Have Your Say**

[Add ratings and discussions](#)

Review

November 2011 Issue



***PLOS Computational Biology*** is a peer-reviewed, open-access journal featuring works of exceptional significance that further our understanding of living systems at all scales



## RSS Feeds

PLOS Computational Biology provides the following [RSS feeds](#) which are updated as new articles are posted:

> [New Articles](#)

- Ouvrir le lien dans un nouvel onglet
- Ouvrir le lien dans une nouvelle fenêtre
- Ouvrir le lien dans la fenêtre de navigation privée
- Enregistrer le lien sous...
- Copier l'adresse du lien

- AdBlock
- Cloud Save
- Inspect with Firebug Lite
- New Note
- Read this link later
- Partagez ce lien avec TweetDeck
- Shorten and copy link with bitly

used under a [Creative Commons Attribution License](#).

[Inquiries](#) [PLOS in Print](#) [Site Map](#) [PLOS.org](#)

by [Internet Systems Consortium](#).

S'ABONNER



2 nouveaux éléments ▾

Tout marquer comme lu ▾

Paramètres des dossiers... ▾

Entrez un terme de recherche pour trouver des flux ou collez une URL de flux.

Ajouter

Ex. : googleblog.blogspot.com ou Le Monde

small heat shock

Structural and Mechanistic Implications of Metal-Binding in the Small Heat-Shock Protein  $\alpha$ B-Crystallin

PLoS Computational Biology

Deciphering the Arginine-Binding Preferences at the Substrate-Binding Groove of Ser/Thr Kinases by

▼ **biblio** (2)

BMC Struct Biol

JMB

PLoS Computatio... (1)

Proteins

pubmed: "small h... (1)

pubmed: coarse gr...

pubmed: dugourd p

pubmed: normal m...

pubmed: protein do...

pubmed: spectrin

▼ sciences

bioinformatyk.eu

Science In the Open

Keweenaw Bioscience Blog



## PubMed

PubMed comprises more than 21 million citations for biomedical literature from MEDLINE, life science journals, and books. Citations may include links to full-text content from PubMed Central and publisher web sites.

### Using PubMed

[PubMed Quick Start Guide](#)

[Full Text Articles](#)

[PubMed FAQs](#)

[PubMed Tutorials](#)

[New and Noteworthy](#) 

### PubMed Tools

[PubMed Mobile](#)

[Single Citation Matcher](#)

[Batch Citation Matcher](#)

[Clinical Queries](#)

[Topic-Specific Queries](#)

### More Resources

[MeSH Database](#)

[Journals in NCBI Databases](#)

[Clinical Trials](#)

[E-Utilities](#)

[LinkOut](#)



You are here: [NCBI](#) > [Literature](#) > [PubMed](#)

GETTING STARTED

RESOURCES

POPULAR

FEATURED

NCBI INFORMATION

Display Settings: Summary, 20 per page, Sorted by Recently Added

Send to:

## Results: 1 to 20 of 800

&lt;&lt; First &lt; Prev Page 1 of 40 Next &gt;&gt; Last &gt;&gt;

☐ [Hot spots and transient pockets: Predicting the determinants of small-molecule binding to a protein-protein interface.](#)

1. Metz A, Pfleger C, Kopitz H, Pfeiffer-Marek S, Baringhaus KH, Gohlke H.

J Chem Inf Model. 2011 Nov 17. [Epub ahead of print]

PMID: 22087639 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)☐ [Restricted heterochromatin formation links NFATc2 repressor activity with growth promotion in pancreatic cancer.](#)

2. Baumgart S, Giesel E, Singh G, Chen NM, Reutlinger K, Zhang J, Billadeau DD, Fernandez-Zapico ME, Gress TM, Ellenrieder V.

Gastroenterology. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print]

PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)☐ [Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Similarities.](#)

3. Guo F, Li S, Wang L.

J Chem Inf Model. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print]

PMID: 22077765 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)☐ [Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking.](#)

4. Gu S, Koehl P, Hass J, Amenta N.

Proteins. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print]

PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

## Filter your results:

All (800)

[Free Full Text \(30\)](#)[Review \(69\)](#)

## Titles with your s

Are scoring functions ready to predict intera

Structural characterization of protein-ligand complexes by integrat

Recent progress and protein docking.

## 221 free full-text Central

SCOWLP update: 3D protein, -peptide, -sac

Prediction of protein-ligand residue networks and

Prediction of functional globular proteins from

Display Settings: Summary, 20 per page

Send to: ☐

Filter your results:

All (800)

[Free Full Text \(30\)](#)[Review \(69\)](#)

## Results: 1 to 20 of 800

&lt;&lt; First &lt; Prev Page 1 of 40 Next &gt; Last &gt;&gt;

## Hot spots and transient protein-protein interactions

1. Metz A, Pfleger C, Kopitz J

J Chem Inf Model. 2011 Nov 1

PMID: 22087639 [PubMed - as

[Related citations](#)

## Restricted heterochromatin formation links NFATc2 repressor activity with growth promotion in pancreatic cancer.

2. Baumgart S, Giesel E, Singh G, Chen NM, Reutlinger K, Zhang J, Billadeau DD, Fernandez-Zapico ME, Gress TM, Ellenrieder V.

Gastroenterology. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print]

PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

## Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Similarities.

3. Guo F, Li S, Wang L.

J Chem Inf Model. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print]

PMID: 22077765 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

## Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking.

4. Gu S, Koebl P, Hass J, Amenta N.

Proteins. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print]

PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

## RSS Settings

Search: protein-protein docking

Number of items displayed:

15

Feed name:

protein-protein docking

Create RSS

[small-molecule binding to a protein-protein interface.](#)

Gohlke H.

## Titles with your s

Are scoring functions ready to predict intera

Structural characteriz complexes by integra

Recent progress and protein docking.

## 221 free full-text Central

SCOWLP update: 3D protein, -peptide, -sac

Prediction of protein-b residue networks and

Prediction of functiona globular proteins from

## Titles with your s

Are scoring functions  
ready to predict interaStructural characteriz  
complexes by integraRecent progress and  
protein docking.221 free full-text  
CentralSCOWLP update: 3D  
protein, -peptide, -sacPrediction of protein-b  
residue networks andPrediction of functiona  
globular proteins from

## Results: 1 to 20 of 800

&lt;&lt; First &lt; Prev Page 1 of 40 Next &gt;&gt;

- ☐ [Hot spots and transient pockets: Predicting the determinants of small-molecule binding to a protein-protein interface.](#)  
1. Metz A, Pfleger C, Kopitz H, Pfeiffer-Marek S, Baringhaus KH, Gohlke H.  
J Chem Inf Model. 2011 Nov 17. [Epub ahead of print]  
PMID: 22087639 [PubMed - as supplied by publisher]  
[Related citations](#)
- ☐ [Restricted heterochromatin formation links NFATc2 repressor activity with growth promotion in pancreatic cancer.](#)  
2. Baumgart S, Giesel E, Singh G, Chen NM, Reutlinger K, Zhang J, Billadeau DD, Fernandez-Zapico ME, Gress TM, Ellenrieder V.  
Gastroenterology. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print]  
PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher]  
[Related citations](#)
- ☐ [Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Similarities.](#)  
3. Guo F, Li S, Wang L.  
J Chem Inf Model. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print]  
PMID: 22077765 [PubMed - as supplied by publisher]  
[Related citations](#)
- ☐ [Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking.](#)  
4. Gu S, Koehl P, Hass J, Amenta N.  
Proteins. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print]  
PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher]  
[Related citations](#)



## Results: 1 to 20 of 800

### Hot spots and transient pockets: Predicting the determinant of protein-protein docking

1. Metz A, Pflieger C, Kopitz H, Pfeiffer-Marek S, Barington J. *J Chem Inf Model*. 2011 Nov 17. [Epub ahead of print]

PMID: 22087639 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

### Restricted heterochromatin formation links NFATc2 to gastroenterology

2. Baumgart S, Glesle E, Singh G, Chen NM, Reutlinger S. *Gastroenterology*. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print]

PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

### Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Analysis

3. Guo F, Li S, Wang L. *J Chem Inf Model*. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print]

PMID: 22077765 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

### Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking

4. Gu S, Koehl P, Hass J, Amenta N. *Proteins*. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print]

PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

#### RSS Feed

protein-protein docking: XML

- Ouvrir le lien dans un nouvel onglet
- Ouvrir le lien dans une nouvelle fenêtre
- Ouvrir le lien dans la fenêtre de navigation privée
- Enregistrer le lien sous...
- Copier l'adresse du lien
- Enregistrer l'image sous...
- Copier l'URL de l'image
- Copier l'image
- Ouvrir l'image dans un nouvel onglet

- AdBlock
- Cloud Save
- Inspect with Firebug Lite
- New Note
- Read this link later
- Search Google with this image
- Partagez ce lien avec TweetDeck
- Shorten and copy link with bitly
- Procéder à l'inspection de l'élément

< Prev Page 1 of 40 Next > Last >>

interface.

s TM, Singh SK, Ellenrieder V.

All (800)

Free Full Text (302)

Review (69)

### Titles with your search

Are scoring functions in ready to predict interaction

Structural characterization of complexes by integrative

Recent progress and future protein docking.

### 221 free full-text articles in Central

SCOWLP update: 3D docking of protein, -peptide, -saccharide

Prediction of protein-binding residue networks and a

Prediction of functional globular proteins from

S'ABONNER



2 nouveaux éléments ▾

Tout marquer comme lu ▾

Paramètres des dossiers... ▾

Entrez un terme de recherche pour trouver des flux ou collez une URL de flux.

Ajouter

Ex. : googleblog.blogspot.com ou Le Monde

small heat shock

Structural and Mechanistic Implications of Metal-Binding in the Small Heat-Shock Protein  $\alpha$ B-Crystallin

PLoS Computational Biology

Deciphering the Arginine-Binding Preferences at the Substrate-Binding Groove of Ser/Thr Kinases by

▼ **biblio** (2)

BMC Struct Biol

JMB

PLoS Computatio... (1)

Proteins

pubmed: "small h... (1)

pubmed: coarse gr...

pubmed: dugourd p

pubmed: normal m...

pubmed: protein do...

pubmed: spectrin

▼ **sciences**

bioinformatyk.eu

Science In the Open

Keweenaw Bioscience Blog

# Et les autres

# Les autres (réseaux sociaux)

**ResearchGate**

**MyScienceWork**

**Mendeley**

**groupes de LinkedIn**

**...**

# Références

L'utilisation des bases de brevets – K. Speck – Docteurs & Co, juin 2009

[www.abg.asso.fr/Content/Editor/Documents/dc/dc22.pdf](http://www.abg.asso.fr/Content/Editor/Documents/dc/dc22.pdf)

Application – E. J. – Docteurs & Co, juin 2009

[www.abg.asso.fr/Content/Editor/Documents/dc/dc22.pdf](http://www.abg.asso.fr/Content/Editor/Documents/dc/dc22.pdf)

MEDLINE Citation Counts by Year of Publication

[http://www.nlm.nih.gov/bsd/medline\\_cit\\_counts\\_yr\\_pub.html](http://www.nlm.nih.gov/bsd/medline_cit_counts_yr_pub.html)

There are 25,400 scientific journals and their number is increasing by 3.5% a year

<http://casesblog.blogspot.com/2011/03/there-are-25400-scientific-journals-and.html>

# Crédits graphiques



Xander (Wikimedia, public domain)



Will Lion (Flickr, CC-BY-NC-ND)



(Wikimedia, GPL)



(Wikimedia, CC-BY-SA)