

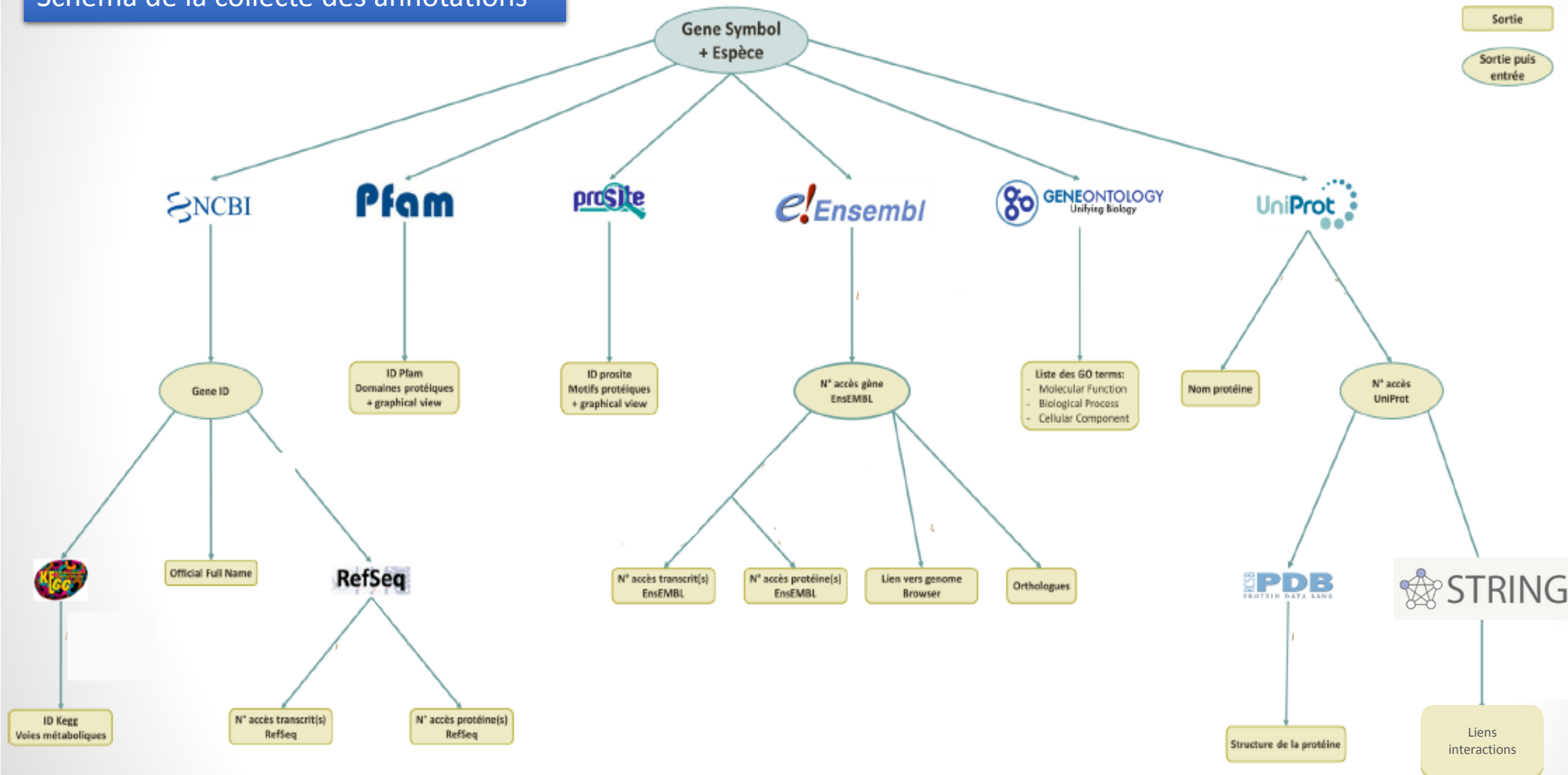
Schéma de la collecte des annotations

Légende:

Entrée

Sortie

Sortie puis
entrée



Organisation des scripts

GeneSymbols.txt

```
RAD51 Homo_sapiens
shha Danio_rerio
DRGX Pelodiscus_sinensis
Oprm1 Cavia_porcellus
notch1 Xenopus_tropicalis
DRG1 Gallus_gallus
CNR1 Taeniopygia_guttata
```

main.pl

Appel de toutes les
fonctions

Construction du
fichier de résultat

Result.html



Gene	Species	Accession	Protein	Domain	Function	Pathway	Reference
RAD51	Homo_sapiens	U08006	BRCA1	BRCA1	BRCA1	BRCA1	BRCA1
shha	Danio_rerio	U08006	shha	shha	shha	shha	shha
DRGX	Pelodiscus_sinensis	U08006	DRGX	DRGX	DRGX	DRGX	DRGX
Oprm1	Cavia_porcellus	U08006	Oprm1	Oprm1	Oprm1	Oprm1	Oprm1
notch1	Xenopus_tropicalis	U08006	notch1	notch1	notch1	notch1	notch1
DRG1	Gallus_gallus	U08006	DRG1	DRG1	DRG1	DRG1	DRG1
CNR1	Taeniopygia_guttata	U08006	CNR1	CNR1	CNR1	CNR1	CNR1

UniprotKB.pl

PDB.pl

Ensembl.pl

GO.pl

Prosites.pl

NCBI.pl

RefSeq.pl

String.pl

KEGG.pl

Pfam.pl