Functional data analysis applied to neurology

Clément Bonvoisin, Pierre Ludmann

30 juin 2014

Résumé

Il s'agit de segmenter des signaux de marche, dans le cadre d'une collaboration du CMLA (ENS Cachan) et Cognac-G (Paris V).

On propose donc ici des algorithmes pour détecter des ruptures. Cela permet en aval aux médecins de mieux étudier les différents régimes de marche. Un algorithme efficace et rapide semble encore manquer; la marche étant souvent abordée sur de longues durées [OJBS12].

Si la détection d'un unique changement trouve des implémentations reconnues, on a cherché à généraliser à de multiples ruptures. Aussi on a changé le paramètre de décision : on exige un nombre précis de résultats plutôt qu'un seuil de détection.

Malgré de fortes hypothèses de travail, on obtient des résultats statisfaisants sur des signaux réels et synthétiques bien que des améliorations restes possibles.

Son utilisation doit faire place à un apprentissage sur les segments de régime obtenus.

Remerciements

Nous tenions à remercier nos encadrants junior Emile Contal pour avoir trop souvent fait passer ses stagiaires devant son travail et sa thèse et Laurent Oudre pour son aiguillage de connaisseur, nos encadrants seniors Eva Wesfreid et Nicolas Vayatis qui sont à l'origine du sujet de stage.

Table des matières

1	\mathbf{Intr}	roduction au problème	3
	1.1	Motivations	3
	1.2	Formalisme mathématique	5
2	\mathbf{Alg}	orithme CUSUM : résolution du cas d'une seule rupture	6
	2.1	Principe de l'algorithme CUSUM	6
	2.2	Simplification dans le cas de distributions gaussiennes	7
		2.2.1 Changement en moyenne	8
		2.2.2 Changement en écart-type	9
		2.2.3 Changement en moyenne et en écart-type	9
3	Cas	de plusieurs ruptures : implémentation dichotomique	11
	3.1	Principe algorithmique	11
4	Cas	de plusieurs ruptures : implémentation par fenêtres	14
	4.1	Principe théorique	14
	4.2	Implémentation algorithmique	
5	Éva	luation des performances	17
		Sur des signaux synthétiques	17
		5.1.1 Selon le nombre de ruptures	
	5.2	Sur des signaux physiologiques	
б	Cor	nclusion	19

Introduction au problème

1.1 Motivations

La motivation initiale de ce stage provient de la médecine, et plus particulièrement de la neurologie. Le projet, piloté par le groupe Cognac-G, vise à analyser en détail des signaux physiologiques, issus d'une expérience très simple. Le protocole expérimental se décline comme suit :

On place sur le patient un ensemble de capteurs :

- sur la tête
- sur la ceinture, dans le dos
- sur chaque pied

Ces capteurs sont des centrales inertielles, qui permettent une mesure de l'accélération et de la vitesse angulaire du patient.

On lance alors l'acquisition:

- pendant quelques secondes, le patient est à l'arrêt
- puis, il commence à marcher sur une dizaine de mètres
- effectue un demi-tour
- et fait une marche retour.

Il s'arrête, et on peut alors arrêter l'acquisition.

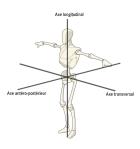


FIGURE 1.1 – Le repère (antéro-postérieur; médio-latéral; vertical)

On replace alors les signaux obtenus dans un repère adapté au corps humain, formé de trois axes : l'axe antéro-postérieur, l'axe transversal (aussi appelé médio-latéral), et

l'axe longitudinal (aussi appelé axe vertical).

On obtient alors des signaux physiologiques ayant 6 composantes distinctes pour chaque capteur, à une fréquence d'acquisition dépendante de la centrale inertielle utilisée; actuellement, le groupe de travail Cognac-G dispose d'instruments permettant un échantillonnage à 100Hz.

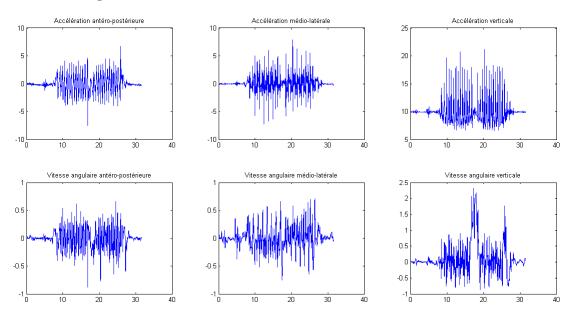


FIGURE 1.2 – Un exemple de signal de marche (enregistré à la ceinture)

Sur ces signaux apparaissent de manière claire les différentes phases de l'expérience :

- Dans un premier temps, le patient est à l'arrêt, les 6 signaux sont quasiment constants (on n'observe que du bruit)
- Dans une seconde phase, le patient commence à marcher : on peut observer une phase transitoire entre l'arrêt et la marche dite de croisière
- La troisième phase de l'expérience correspond à la marche de croisière : le patient effectue une dizaine de mètres
- On observe ensuite le demi-tour (particulièrement sur les composantes verticales du signal), qui dure environ 1 seconde
- Puis, on a une nouvelle phase de marche, retour cette fois-ci
- Finalement, le patient s'arrête : on a à nouveau une phase transitoire, puis l'arrêt total du patient (où il ne reste plus que du bruit)

Partant de ceci, on peut donc constater que les signaux acquis par les centrales inertielles peuvent être segmentés, qu'on peut isoler les différentes phases de l'expérience. Sur un seul signal, cela peut être fait de manière manuelle; néanmoins, pour un neurologue enregistrant de manière régulière ce type d'expérience, il est concevable de désirer des algorithmes robustes permettant de traiter de manière automatique le problème de la

détection des points de changement, décomposant ainsi le signal en sous-signaux correspondant à chacune des phases de l'expérience, afin de pouvoir les analyser séparément.

1.2 Formalisme mathématique

Afin de pouvoir traiter mathématiquement le problème, il nous faut tout d'abord poser des définitions claires sur l'objet du problème : il s'agit donc de définir ce qu'est une rupture, au sens mathématique.

La littérature propose une approche statistique du problème : on considère les signaux comme la réalisation d'une suite (finie) de variables aléatoires.

$$(x_i)_{i \in \llbracket 1:N \rrbracket} = (X_i(\omega))_{i \in \llbracket 1:N \rrbracket} \tag{1.1}$$

Ce formalisme, qui peut paraître quelque peu abstrait en première approche, permet d'exprimer de manière simple la notion de rupture dans un signal.

Sur les signaux précédents, on constate, par exemple, une différence nette d'écarttype entre la phase à l'arrêt et la phase de marche; de même, sur la vitesse angulaire verticale, on constate un changement de moyenne entre les phases de marche et le demitour. Il paraît donc naturel de considérer la distribution statistique des différents points d'un signal multivarié pour formaliser le concept de rupture.

On comprend alors la définition donnée par la littérature d'un point de rupture à un instant t_0 :

$$\forall i \in [1; t_0 - 1], X_i \sim p_0
\forall i \in [t_0; N], X_i \sim p_1$$
(1.2)

On généralise de manière évidente au cas de R ruptures aux points $(t_r)_{r\in [0:n-1]}$:

$$\forall r \in [0; R-1], \forall i \in [t_{r-1}; t_r-1], X_i \sim p_r (\forall i \in [t_r; t_{r+1}-1], X_i \sim p_{r+1})$$
(1.3)

où l'on a posé : $t_{-1} = 1$ et $t_R = N + 1$.

Ce problème étant formalisé, il s'agit maintenant de trouver des méthodes pour détecter ces points de rupture.

Algorithme CUSUM : résolution du cas d'une seule rupture

2.1 Principe de l'algorithme CUSUM

L'algorithme CUSUM fut proposé en 1954 par E.S. Page [Pag54]; une methode "en ligne" utilisant un seuil de détection. Les signaux étant ici déjà réalisés, on lui préfère son adaptation "hors ligne" [BN93].

Dans le formalisme précédent, on conçoit que les méthodes de détection de rupture se fondent sur des outils statistiques. L'idée de base de l'algorithme CUSUM hors ligne est la suivante : comparer l'hypothèse qu'il existe une rupture dans le signal considéré à l'hypothèse qu'il n'y en a pas. L'outil utilisé pour cette comparaison est la notion de vraisemblance. Pour simplifier, on fera maintenant l'hypothèse d'indépendance des variables aléatoires $(X_i)_{i \in [1]}$.

La fonction de vraisemblance quantifie la vraisemblance d'une hypothèse étant donnée une observation. Ici, l'observation faite est le signal, qui est la réalisation d'un nombre fini de variables aléatoires. On cherche à comparer l'hypothèse H_t qu'à l'instant t, il y a une rupture, à l'hypothèse H_0 qu'il n'y en a pas dans le signal. Les vraisemblances de ces hypothèses sont :

$$\forall t \in [1; N], l(H_t) = \prod_{i=1}^{t-1} p_0(x_i) \prod_{i=t}^{N} p_1(x_i)$$

$$l(H_0) = \prod_{i=1}^{N} \tilde{p}(x_i)$$
(2.1)

Introduisons alors le rapport de vraisemblance des hypothèses :

$$\forall t \in [1; N], \Lambda_t = \frac{l(H_t)}{l(H_0)} = \frac{\prod_{i=1}^{t-1} p_0(x_i) \prod_{i=t}^N p_1(x_i)}{\prod_{i=1}^N \tilde{p}(x_i)}$$
(2.2)

Pour simplifier, on fera ici l'hypothèse que nos lois sont issues d'une famille de lois indexée par un paramètre θ qui vit dans un espace donné.

On a ainsi:

$$p_0 = p_{\theta_0} \; ; \; p_1 = p_{\theta_1} \; ; \; \tilde{p} = p_{\tilde{\theta}}$$

On ne connaît pas, a priori, les paramètres $\tilde{\theta}$, θ_0 et θ_1 . Pour les estimer, on va donc utiliser l'estimation du maximum de vraisemblance. Il en découle alors la formule suivante, à la base de l'algorithme CUSUM, qui donne le logarithme du rapport de vraisemblance (log-likelihood ratio, en anglais):

$$\forall t \in [1; N], L_t = \ln \left[\frac{\sup_{\theta_0} \left\{ \prod_{i=1}^{k-1} p_{\theta_0}(x_i) \right\} \cdot \sup_{\theta_0} \left\{ \prod_{i=k}^{N} p_{\theta_0}(x_i) \right\}}{\sup_{\tilde{\theta}} \left\{ \prod_{i=i}^{N} p_{\tilde{\theta}}(x_i) \right\}} \right]$$
(2.3)

Finalement, l'instant où il est le plus probable de trouver une rupture est celui qui maximise L_t . Ainsi, l'estimateur du maximum de vraisemblance (maximum likelihood estimator) par CUSUM du point de rupture d'un signal est :

$$\hat{t_0} = \arg\max_{1 < t < N} L_t \tag{2.4}$$

2.2 Simplification dans le cas de distributions gaussiennes

Dans le cas général, la formule 2.3 est peu exploitable en raison de la présence de bornes supérieures. Afin de simplifier le problème des estimateurs au maximum de vraisemblance, on peut se proposer de faire une hypothèse sur la famille de lois $(p_{\theta})_{\theta \in \mathbb{R}^d}$.

On suppose donc, à partir de maintenant, que chacune des variables aléatoires qui composent le signal suit une loi gaussienne, i.e.:

$$p_{\mu,\sigma}(y) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}} \exp\left[-\frac{1}{2}\left(\frac{y-\mu}{\sigma}\right)^2\right]$$

Les estimateurs aux maximas de vraisemblance de la loi normale sont alors connus [Was04]. Ceci nous permet alors de simplifier l'expression de L_t car les bornes supérieures sont atteintes par ces estimateurs. Notons que l'hypothèse du gaussien ramène le problème du changement de loi à trois cas : changement de moyenne, changement d'écart-type, et changement de moyenne et d'écart-type.

Dans le cas d'un signal multi-varié, on peut généraliser aisément tout ce qui a été dit précédemment en faisant l'hypothèse d'indépendance des différentes composantes du signal entre elles. On calcule alors les *log-likelihood ratios* des différentes composantes du signal indépendamment avant de les additionner, et de chercher le maximum de cette résultante. Tout du long, en vertu de cette remarque, on ne théorisera que le cas univarié.

Bien que nous n'allons pas immédiatement traîter les signaux physiologiques vus précédemment – ceux-ci comportent plusieurs ruptures, l'algorithme CUSUM ne permettant d'en détecter qu'une seule – il est de bon ton de joindre des exemples imagés à ce flot de formules. Les signaux utilisés dans cette partie sont des signaux synthétiques, obtenus grâce à MATLAB.

Aussi les détails et preuves de cette simplification se trouvent en annexe.

2.2.1 Changement en moyenne

Faisant l'hypothèse d'un écart-type constant sur l'ensemble du signal, le paramètre θ est ici uniquement la moyenne μ .

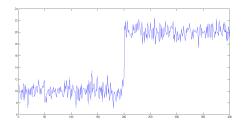
2.3 se réécrit donc après calculs :

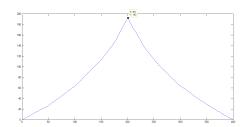
$$\forall t \in [1; N], L_t = \frac{1}{2\sigma^2} \left[(t-1)\hat{\mu_0}^2 + (N-t+1)\hat{\mu_1}^2 - N\hat{\hat{\mu}}^2 \right]$$
 (2.5)

 σ étant donc fixé au préalable. Et $\hat{\mu}$, $\hat{\mu}_0$ et $\hat{\mu}_1$ sont les estimateurs $\hat{\mu} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n x_i$ du signal respectivement de 1 à N, de 1 à t-1 et de t à N.

On se place dans le cas d'un changement en moyenne de $\mu_1=10$ à $\mu_2=20$, avec $t_0=201$.

On utilise cette fois l'équation 2.5 pour obtenir la figure 2.1b.





- (a) Pour $t \le 200$, $X_t \sim \mathcal{N}(10, 1)$; pour t > 200, $X_t \sim \mathcal{N}(20, 1)$
- (b) ${\it Log-likelihood\ ratio}$ du signal précédent

FIGURE 2.1 – Exemple de détection d'une rupture par la moyenne

On obtient donc ici l'estimateur du point de rupture par CUSUM, avec un score de 192:

$$\hat{t_0} = 201; \hat{t_0} - t_0 = 0$$

De même que dans le cas précédent, on observe la robustesse de l'estimateur par CUSUM du point de rupture de ce signal. Pour quantifier cette robustesse, on peut s'appuyer sur la déviation quadratique moyenne de cet estimateur (RMSD), en répétant 5.000 fois l'expérience précédente, on trouve : RMSD = 0.

2.2.2 Changement en écart-type

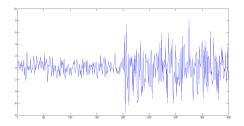
Faisant cette fois l'hypothèse d'une moyenne constante sur l'ensemble du signal, le paramètre θ est ici uniquement l'écart-type σ .

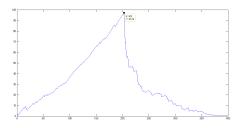
2.3 se réécrit alors:

$$\forall t \in [1; N], L_t = N \ln(\hat{\hat{\sigma}}) - (t - 1) \ln(\hat{\sigma_0}) - (N - t + 1) \ln(\hat{\sigma_1})$$
(2.6)

 μ étant préalablement fixé. Et $\hat{\hat{\sigma}}$, $\hat{\sigma}_0$ et $\hat{\sigma}_1$ sont les estimateurs $\hat{\sigma} = \sqrt{\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (x_i - \mu)^2}$ du signal respectivement de 1 à N, de 1 à t-1 et de t à N.

On se place dans le cas d'un changement en écart-type de $\sigma_0=1$ à $\sigma_1=3$, à l'instant $t_0=201$.





(a) Pour $t \le 200$, $X_t \sim \mathcal{N}(0,1)$; pour t > 200, $X_t \sim \mathcal{N}(0,3)$

(b) Log-likelihood ratio du signal précédent

FIGURE 2.2 – Exemple de détection d'une rupture par l'écart-type

L'équation 2.6 permet alors d'obtenir la figure 2.2b

Ce comportement est le comportement typique de la courbe d'un log-likelihood ratio sur un signal gaussien comportant une rupture. On observe ici que le maximum de la courbe est à l'instant 203, avec un log-likelihood ratio $L_{203} = 97,04$. On a donc l'estimateur par CUSUM du point de rupture :

$$\hat{t_0} = 203; \hat{t_0} - t_0 = 2;$$

Ainsi, l'estimateur de points de rupture par CUSUM semble robuste dans le cas d'un changement par écart-type. Pour 5.000 signaux différents suivant les caractéristiques précédentes, on trouve : RMSD=2,605.

2.2.3 Changement en moyenne et en écart-type

Dans ce dernier cas, on doit estimer à la fois la moyenne et l'écart-type des différentes portions du signal. On obtient un résultat quasiment identique à 2.6 :

$$\forall t \in [1; N], L_t = N \ln(\hat{\hat{\sigma}}) - (t - 1) \ln(\hat{\sigma}_0) - (N - t + 1) \ln(\hat{\sigma}_1)$$
(2.7)

La seule différence intervient dans l'estimateur de l'écart-type : au lieu d'utiliser une moyenne fixée sur l'ensemble du signal (ce qui peut se traduire légitimement par son

estimateur sur la globalité du signal), on utilise ici les estimateurs de la moyenne sur les différentes portions du signal :

 $\hat{\mu}$, $\hat{\mu}_0$ et $\hat{\mu}_1$ sont les estimateurs $\hat{\mu} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n x_i$ du signal respectivement de 1 à N, de 1 à t-1 et de t à N. Et $\hat{\sigma}$, $\hat{\sigma}_0$ et $\hat{\sigma}_1$ sont les estimateurs $\hat{\sigma} = \sqrt{\frac{1}{n} \left[\sum_{i=1}^n x_i^2 - (\sum_{i=1}^n x_i)^2 \right]}$ du signal respectivement de 1 à N, de 1 à t-1 et de t à N.

Cas de plusieurs ruptures : implémentation dichotomique

3.1 Principe algorithmique

Nous avons déjà présenté, dans le premier chapitre, le formalisme statistique associé au cas de plusieurs ruptures dans un signal en 1.3. L'implémentation dichotomique du CUSUM consiste alors à calculer un arbre de la façon suivante :

- Maintenir un ensemble de ruptures choisis initialement vide (les noeuds intérieurs).
- Maintenir un ensemble de ruptures éligibles qui contient initialement le résultat du CUSUM sur le signal entier (la frontière, les feuilles).
- En extraire la rupture t_0 qui a le plus grand ratio de vraissemblance.
- Calculer les deux ruptures qui sont alors éligibles en applicant le CUSUM entre la rupture choisie précédant chronologiquement t_0 et t_0 et entre t_0 et la rupture choisie suivant chronologiquement t_0 .
- Recommencer jusqu'à obtenir le nombre désiré de ruptures.

Procéder par dichotomie permet d'aller très rapidement dans le traitement : la complexité d'un CUSUM est linéaire en la taille du signal à traiter, on se retrouve dans le pire des cas avec une complexité en $\mathcal{O}(NR)$ avec N la taille du signal et R le nombre de rupture.

Mais remarquons que ce n'est pas nécessairement la première approche dichotomique qu'on pourrait envisager. Une version plus naïve serait de calculer un arbre de dichotomie complet de taille le nombre de ruptures directement – en retirant les moins bonnes si surplus. C'est en tout cas plus évident que d'aller faire éclore la meilleure de feuille de l'arbre de travail à chaque tour de boucle.

Sauf que l'arbre complet tombe dans un grave écueuil : plusieurs de ses sous-arbres sera vite confiné à calculer des ruptures là où elles sont minimes. Par exemple si la ra-

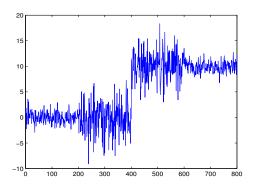
cine correspond à la rupture de début de marche tout le sous-arbre de son fils gauche va pointer sur des ruptures dans le régime immobile.

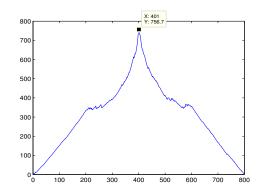
On pourrait être tenter de remplacer la demande de taille par la demande de profondeur. Et on choisirait les R meilleurs ruptures parmi les 2^R de l'arbre complet. Mais le souci vient alors de cette possibilité, réel, de choisir une rupture sans choisir ses ancestres i.e. choisir une rupture sans dire que la part de signal qui à permit de la choisir commence et finissent à de bons instants. Car si on ne choisit pas ses ruptures parentes c'est bien qu'on considère ce début et cette fin comme n'étant pas significatives.

Cependant même la dichotomie par la frontière déborde du cadre théorique et principalement près la racine de l'arbre : on place une rupture non pas entre deux régimes mais entre plusieurs régimes de part et d'autre de cette rupture. Par exemple sur un signal physiologique de marche où le protocole expérimental donne lieu à un minimum de 5 régimes (Idle, Walk, Turn, Walk, Idle) et donc de 4 ruptures : même si la première rupture calculée est au bon endroit – sur un changement de régime – elle va en séparer 1 de 4, 2 de 3, 3 de 2 ou 4 de 1. On est bien loin du cadre théorique.

Observons en détails la manière de procéder sur un exemple (signal ??) Puisque le changement est autant en écart-type qu'en moyenne, on utilise la formule 2.7 pour le CUSUM.

Et on l'applique dès le début à tout le signal comme en 3.1b. Ceci nous donne $\hat{t}_0 = 401$ avec $L_{401} = 756, 7$. On a notre première rupture, on utilise donc le CUSUM de part et d'autre de \hat{t}_0 , donnant 3.2. C'est $\hat{t}_1 = 601$ qui a l'avantage avec $L_{601} = 88, 98$ sur la rupture proposée par le CUSUM entre 1 et $400 - L_{202} = 87, 72$. Le CUSUM va alors chercher des ruptures entre 401 et 600 et entre 601 et 800 mais cela donne lieu à de très faibles vraisemblances (cf 3.3). Ainsi la troisième et dernière rupture choisie est $\hat{t}_2 = 202$ qui avait était proposé au tour précédent.





(a) De 1 à 200 : $\mathcal{N}(0,1)$; de 201 à 400 : $\mathcal{N}(0,3)$; de 401 à 600 : $\mathcal{N}(10,3)$; de 601 à 800 : $\mathcal{N}(10,1)$

(b) Résultat du CUSUM sur tout le signal

FIGURE 3.1 – Au début de l'algorithme dichotomique : le signal et un premier CUSUM

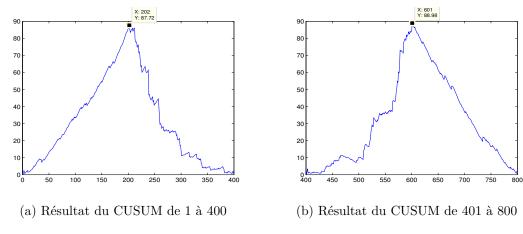


FIGURE 3.2 – Les nouveaux résultats de CUSUM après le premier choix

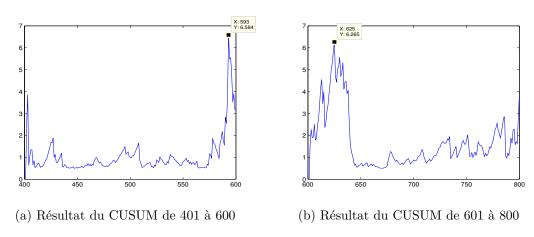


FIGURE 3.3 – Les nouveaux résultats de CUSUM après le deuxième choix

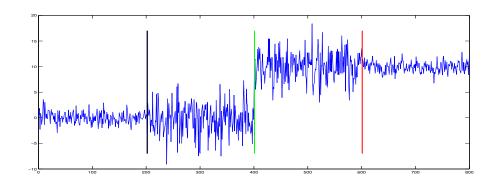


FIGURE 3.4 – Signal segmenté par la méthode dichotomique; en vert : rupture 1; en rouge : rupture 2; en noir : rupture 3

Cas de plusieurs ruptures : implémentation par fenêtres

Il a été vu dans la partie précédente que l'implémentation dichotomique du CUSUM débordait du cadre théorique : en effet, on fait à itération l'hypothèse d'une unique rupture dans le signal, alors que l'on désire en détecter plusieurs. De plus, on cherche dans cette approche à comparer entre elles des ruptures sur des signaux qui n'ont a priori aucun rapport les uns les autres. Pour pallier ce défaut, nous proposons ici une approche par fenêtres.

4.1 Principe théorique

L'algorithme CUSUM, tel qu'il est présenté dans le chapitre 2, ne permet de détecter qu'une seule rupture dans un signal donné. Nous traitons ici le cas de signaux ayant un nombre R de ruptures, avec $R \geq 1$. Si l'on désire se servir de l'algorithme CUSUM, pour rester dans le cadre théorique, il nous faudra nous assurer que le signal qu'on observe ne possède qu'une seule rupture.

Pour cela, en gardant les notations du chapitre 1, supposons que l'on dispose de l'écart minimal entre deux ruptures :

$$p = \min_{-1 \le r \le R - 1} (t_{r+1} - t_r)$$

Ainsi, pour $t \in [p+1, N-p]$, on est assuré d'avoir au plus une rupture dans l'intervalle [t-p, t+p]. On peut donc appliquer l'algorithme CUSUM sur des fenêtres centrées en t et de taille 2p+1. Le principe de l'implémentation par fenêtres est alors d'appliquer l'algorithme CUSUM sur chacun des intervalles [t-p, t+p] pour $t \in [p+1, N-p]$, et de sélectionner ensuite les R meilleures ruptures.

Pour réduire le problème, simplifions quelque peu l'algorithme CUSUM : on considère ici uniquement l'hypothèse d'une rupture à la date t. On a ainsi, pour $t \in [t-p, t+p]$,

deux hypothèses:

$$H_0^t : \forall i \in [t-p, t+p], X_i \sim p_{\tilde{\theta}}$$

$$H_1^t : \begin{cases} \forall i \in [t-p, t-1], X_i \sim p_{\theta_0} \\ \forall i \in [t, t+p], X_i \sim p_{\theta_1} \end{cases}$$

Il s'agit alors, comme c'est fait dans l'algorithme CUSUM pour une rupture, de comparer ces deux hypothèses, ceci pour tout t:

$$L_{t} = \ln \left[\frac{\prod_{i=t-p}^{t-1} p_{\hat{\theta_{0}}}(x_{i}) \prod_{i=t}^{t+p} p_{\hat{\theta_{1}}}(x_{i})}{\prod_{i=t-p}^{t+p} p_{\hat{\theta}}(x_{i})} \right]$$
(4.1)

Cette formule se simplifie de la même manière que ce qui a été fait dans le chapitre 2, selon les différents types de changement : en moyenne, en écart-type, ou les deux en même temps. On cherche alors à sélectionner les R instants où il est le plus vraisemblable de trouver une rupture, c'est-à-dire les R plus grands maximas locaux de la suite $(L_t)_{t\in[p+1,N-p]}$.

4.2 Implémentation algorithmique

Le principe théorique de la détection de ruptures par fenêtres éclaire sur la manière d'implémenter l'algorithme. Pour cela, il nous faut :

- Calculer les scores L_t selon la formule 4.3 après simplification (selon qu'on cherche un changement en moyenne, en écart-type, ou les deux)
- Déterminer $\hat{t_0} = \arg\max_{t \in [p+1,N-p]} L_t$ Considérant $\hat{t_0}$ comme une rupture, on sait qu'il n'y a pas d'autre rupture dans la fenêtre $[\hat{t_0} - p, \hat{t_0} + p]$ par hypothèse; on peut donc retirer de la suite (L_t) les valeurs $(L_t)_{t \in [\hat{t_0} - p, \hat{t_0} + p]}$
- On recommence alors sur la sous-suite ainsi obtenue, jusqu'à avoir n ruptures Observons en détails la manière de procéder sur un exemple (signal 4.1)

On peut ici assurer un intervalle entre deux ruptures de 200 points (dans la pratique, il faut estimer cet intervalle). Pour pouvoir observer ce qui se passe avant la première rupture et après la dernière, on prendra ici des fenêtres de 150 points de chaque côté. On travaille de plus avec des ruptures en moyenne et en écart-type. On obtient alors la suite (L_t) montrée sur la figure 4.2.

On demande alors à trouver 3 ruptures à partir de cette figure. On commence par détecter le maximum à $\hat{t_0}=403,$ où $L_{\hat{t_0}}=184,2725.$ On exclut alors les valeurs de L_t pour $t \in [253, 553]$. On cherche alors le nouveau maximum : on trouve $\hat{t_1} = 198$ pour $L_{\hat{t_1}}=105,1670.$ On recommence alors la procédure d'exclusion des points dans le voisinage de cette rupture, et on trouve le dernier maximum : $\hat{t}_2 = 601$ pour $L_{\hat{t}_2} =$ 77,0389. La segmentation obtenue est montrée sur la figure 4.3.

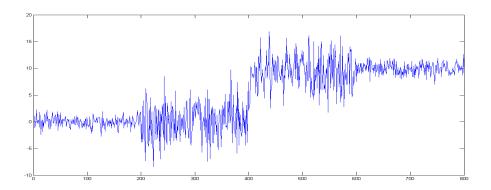


FIGURE 4.1 – De 1 à 200 : $\mathcal{N}(0,1)$; de 201 à 400 : $\mathcal{N}(0,3)$; de 401 à 600 : $\mathcal{N}(10,3)$; de 601 à 800 : $\mathcal{N}(10,1)$

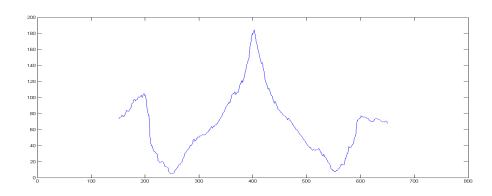


FIGURE 4.2 – Suite $(L_t)_{t \in [151,650]}$

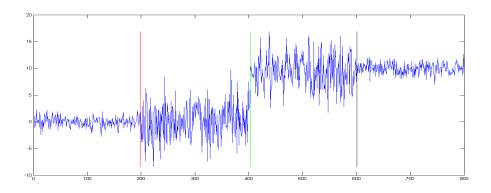


FIGURE 4.3 – Signal segmenté par la méthode par fenêtres; en vert : rupture 1; en rouge : rupture 2; en noir : rupture 3

Évaluation des performances

5.1 Sur des signaux synthétiques

Ces signaux sont générés en jouant sur 3 critères :

- le nombre de ruptures
- l'espace moyen entre les ruptures
- l'espace minimal entre mes ruptures

Les valeurs de l'espace entre ruptures sont tirés uniforment sur l'intervalle ouvert de \mathbb{R}^{+*} qui s'étend de l'espace minimal au double de l'espace moyen moins l'espace minimal.

On génère ainsi 100 signaux unidimensionnels pour un triplet d'argument donné afin de calculer dessus le RMSD – la déviation quadratique moyenne – mais aussi le taux d'erreur moyen et son écart-type. Le taux d'erreur étant le nombre de ruptures calculées à une distance supérieure de 10% de l'espace minimal d'une rupture réelle sur le nombre totale de ruptures (réelles ou calculées, il y en a autant). Remarquons qu'on ne pénalise pas les doublons de ruptures calculées sur une vraie rupture, ils ne sont pas problématique et peuvent être effacés a posteriori.

5.1.1 Selon le nombre de ruptures

On fixe l'espace minimal à 100 réalisations, en estimant que l'on cherche à débusquer des régimes physiologiques de l'ordre de la seconde et que les capteurs travaillent à 100Hz. L'espace moyen est reglé à 500 points (3 à 4000 points par acquisitions présentant environ 6 ruptures). Et on fait varier le nombre de points de ruptures de 1 à 20, ce qui va largement plus loin que la demande réelle.

On peut s'attendre à ce que l'implémentation la plus incapacitée par l'augmentation du nombre de ruptures soit l'approche dichotomique car on s'éloigne alors de plus en plus du cadre théorique. Tandis que l'approche par fenêtre ne fait pas la différence : il ne devrait pas y avoir de changement notable dans sa précision.

5.2 Sur des signaux physiologiques

Conclusion

Bibliographie

- [BN93] M. Basseville and I. V. Nikiforov. Detection of Abrupt Changes: Theory and Applications. 1993.
- [OJBS12] Laurent Oudre, J. Jakubowicz, P. Bianchi, and C. Simon. Classification of periodic activities using wasserstein distance. *IEEE Transactions on Biome*dical Engineering, 2012.
- [Pag54] E. S. Page. Continuous inspection scheme. Biometrika, 1954.
- [Was04] Larry Wasserman. All of Statistics : A concise course in statistical inference. 2004.