

# Algoritmos para exploración en grafos

Algorítmica

Pablo M. Moreno Mancebo

## Descripción del trabajo - Ejercicio 9

Dado un conjunto de  $n$  enteros, necesitamos decidir si puede ser descompuesto en dos subconjuntos disjuntos cuyos elementos sumen la misma cantidad. Resolver el problema mediante una técnica de exploración en grafos.

# Índice

<b>Análisis</b>	<b>3</b>
<b>Diseño</b>	<b>3</b>
Componentes del algoritmo Backtracking	3
Adaptación de plantilla	4
<b>Implementación</b>	<b>4</b>

## 1. Análisis

Creo que lo más inteligente es plantearlo de la siguiente forma, devolver un vector de int en el cual, cada posición representa uno de los enteros, y el valor de esa posición puede ser 1 ó 2 (el conjunto al que lo metes).

He optado por **Backtracking**:

- Búsqueda exhaustiva para todas las posibles combinaciones que pueden ser solución

Si tenemos : 5 -3 2 0

Con Backtracking debería explorar todas las opciones posibles como:

Si en un subconjunto tenemos  $5 + -3 = 2$  y  $2 + 0 = 2$

## 2. Diseño

### - Componentes del algoritmo Backtracking

- Buscar una **representación** del tipo  $T=(x_1, x_2, \dots, x_t)$ : sol ( vector de int en el cual, cada posición representa uno de los enteros, y el valor de esa posición puede ser 1 ó 2 (el conjunto al que lo metes).
- **Restricciones implícitas**:  $x_i$  tendrá valores entre 1 y 2 dependiendo del conjunto donde se incluya
- **Restricciones explícitas**: Los subconjuntos deben ser disjuntos, no puede estar el mismo elemento en ambos subconjuntos.
- **Estructura del árbol/grafó implícito**: Los estados pueden ser:
  - 0 -> No se ha elegido conjunto
  - 1 -> Se ha metido en el conjunto 1
  - 2 -> Se ha metido en el conjunto 2
  - 3 -> Se ha probado tanto en el conjunto 1 como en el el 2
- **Función objetivo**:
 

```

SonIguales(secuencia, sol)
{
    s1 = 0, s2 = 0
    Desde i = 0 hasta i < secuencia.size
        Si sol[i] == 1 ENTONCES s1 += secuencia[i] SI NO s2 += secuencia[i]
    Devolver (s1 == s2)
}
```

## - Adaptación de plantilla

**Para** cada valor  $v$  posible de la variable  $x_k$  **hacer:**

**Si** se han probado todas las opciones, realizamos la vuelta atrás

**SI NO**

**SI** estamos en la última posición, se trata de una posible solución

**SI** hemos alcanzado el objetivo, devolvemos la solución,

**SI NO**, continuamos probando con el siguiente valor

**SI NO**

Probamos con el siguiente valor

**FIN PARA**

Devolvemos conjunto vacío por no encontrar solución.

## 3. Implementación

Compilar y ejecutar: `g++ -O2 -o ejecutable p5.cpp; ./ejecutable`

```
const int SIN_DECIDIR = 0;
const int TODOS_PROBADOS = 3;

//Función objetivo
bool SonIguales(const vector<int> &secuencia, const vector<int> &sol)
{
    int s1 = 0, s2 = 0;
    for (int i = 0; i < secuencia.size(); i++)
    {
        (sol[i] == 1) ? s1 += secuencia[i] : s2 += secuencia[i];
    }
    return (s1 == s2);
}

vector<int> Backtracking(const vector<int> &secuencia)
{
    // En el vector sol[i] =
    // 0 -> No se ha elegido conjunto
    // 1 -> Se ha metido en el conjunto 1
    // 2 -> Se ha metido en el conjunto 2
    // 3 -> Se ha probado tanto en el conjunto 1 como en el el 2
```

```
vector<int> sol(secuencia.size(), SIN_DECIDIR);
int pos = 0;
while (pos >= 0)
{
    sol[pos]++;
    if (sol[pos] == TODOS_PROBADOS)
    {
        // Si se han probado todas las opciones, realizamos la vuelta atrás
        sol[pos] = SIN_DECIDIR;
        pos--;
    }
    else
    {
        // Si estamos en la última posición, se trata de una posible solución
        if (pos == secuencia.size() - 1)
        {
            // Si hemos alcanzado el objetivo, devolvemos la solución,
            // sino, continuamos probando con el siguiente valor
            if (SonIguales(secuencia, sol))
            {
                return sol;
            }
        }
        else
        {
            // Si no es solución, pasamos a probar con el siguiente valor
            pos++;
        }
    }
}
// No hemos encontrado solución, vector vacío
return vector<int>();
}
```

## 4. Análisis teórico de la eficiencia

```

while (pos >= 0) O(2n)
{
    sol[pos]++; O(1)
    if (sol[pos] == TODOS_PROBADOS) O(1)
    {
        sol[pos] = SIN_DECIDIR; O(1)
        pos--; O(1)
    }
    else
    {
        if (pos == secuencia.size() - 1) O(1)
            if (SonIguales(secuencia, sol)) O(n)
                return sol; O(1)
            else
                pos++; O(1)
    }
}

```

### Explicación:

En el mejor caso, backtracking podría ser  $O(n)$ , aunque podría llegar a tener que explorar el árbol completo del espacio de estados del problema.

En el peor caso, si el número de nodos es  $2^n$ , el tiempo del algoritmo backtracking será de orden  $O(p(n)2^n)$  u  $O(q(n)n!)$ , con  $p$  y  $q$  polinomios en  $n$ .

## 5. Pruebas: Ejecución del algoritmo

Compilar y ejecutar: `g++ -O2 -o ejecutable p5.cpp; ./ejecutable`

El main muestra un mini menú:

- 1- Hace 3 pruebas con números que he probado durante la realización del algoritmo
- 2- Pide los números para probar el algoritmo y muestra si la hay la posible

organización de los subconjuntos.

```
pablo@pablo:~/Documentos/ALG/p5$ ./exe
Seleccionar opción:
    1-Pruebas variadas
    2-Introducir secuencia
1

Solución 1:
v1[0] = 5
v1[1] = -3
v1[2] = 0
v1[3] = 2

sol[0] = 1
sol[1] = 1
sol[2] = 1
sol[3] = 2

Solución 2:
v2[0] = 5
v2[1] = 3
v2[2] = 0
v2[3] = 2

sol[0] = 1
sol[1] = 2
sol[2] = 1
sol[3] = 2

Solución 3:
v3[0] = 5
v3[1] = 4
v3[2] = 0
v3[3] = 2

sol: No se ha encontrado solución.
pablo@pablo:~/Documentos/ALG/p5$
```

## Ejecución paso a paso:

1º

v	1   2   3
sol	0   0   0

2º

v	1   2   3
sol	1   0   0

3º

v	1   2   3
sol	1   1   0

4º

v	1   2   3	Son iguales = false suma1 = 6 suma2 = 0
sol	1   1   1	

5º

v	1   2   3	Son Iguales = True Suma1: 1+2 = 3 Suma2: 3 = 3
sol	1   1   2	