Programme TD/TP M2 Mycologie

Mercredi 04/01 1

- Lois de probabilité utiles pour la génétique
- Analyse probabilistique des séquences génomiques
- Classification d'espèces par approches multivariées

Jeudi 05/01

- Environnement Unix, langages R et Python
- Principaux outils bioinformatiques (mafft, seaview, artemis)
- Gestion d'un projet bioinformatique avec Galaxy

Lundi 09/01

- Contrôle de qualité, visualisation sequences (fastqc, artemis)
- Mapping PSN 822 + souche SpoD1 + souche PSN240 sur *P. anse-rina* (bowtie2)

Mardi 10/01

- Assemblage et détection de mutation (varscan)
- Annotation de deux codes barre (artemis)

Mercredi 11/01

- Arbre phylogénétique des Sordariales 4 gènes/ITS (phyml)
- Comparaison des arbres

Jeudi 12/01

- Analyse de transcriptome données Silar & Debuchy (kallisto)
- Interprétation des clusters de gènes

Vendredi 13/01

- Analyse métagénomique données Egidi et al. (frogs)
- Interprétation données d'abondance

1. Horaires journée: 9-12h, 13h-16h30