

Laboratorio 6: Usando Docker en Bioinformática

Solo tengo dos aspectos a comentar sobre este laboratorio, el primero es que presenta una errata en el apartado 3.2. donde en la ultima parte del primer enunciado nos indica que comprobemos que todo funciona ejecutando los dos notebooks, pero aparece repetido el notebook `kmer-solution.ipynb`.

Por otro lado, como resultado en Docker entiendo que quiere comprobar la existencia en el repositorio remoto de la imagen creada a partir de la imagen de Python utilizada en el apartado 3.2. únicamente y no de todas las imágenes que nos hemos descargado en nuestro directorio local. Pero creo que podría a ver quedado más claro en el guion.

Por lo demás, es útil para aprender y familiarizarse con el uso de las imágenes y contenedores de Docker.