



به نام خدا

دانشگاه تهران



دانشکده مهندسی برق و کامپیوتر

درس شبکه‌های عصبی و یادگیری عمیق

تمرین اول

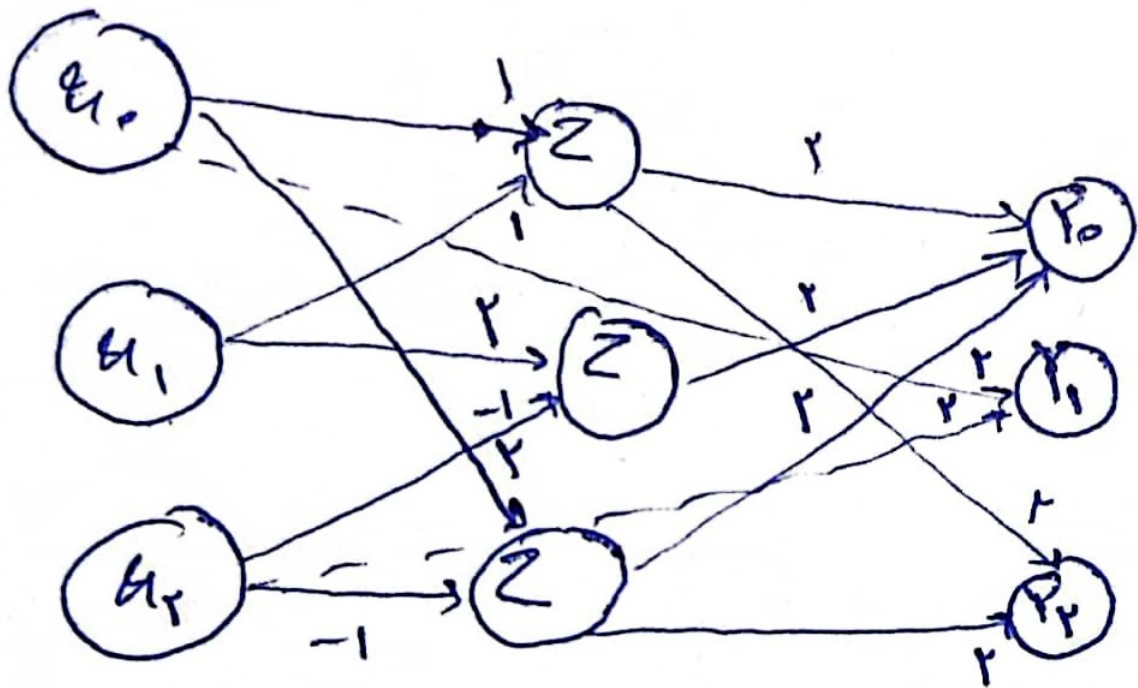
نام و نام خانوادگی	آرمان عطاردی – پوریا شیخ الاسلامی
شماره دانشجویی	810100394 – 810101228
تاریخ ارسال گزارش	1401.12.28

فهرست مطالب

۲	۱	شبکه عصبی Mcculloch Pitts
۲	۱.۱	ماشین متناهی قطعی DFA
۲	۱.۱.۱	الف)
۲	۲.۱.۱	ب)
۳	۳.۱.۱	ج)
۳	۴.۱.۱	د)
۶	۲	شبکه های AdaLine and MadaLine
۶	۱.۲	AdaLine
۶	۱.۱.۲	الف)
۷	۲.۱.۲	ب)
۱۰	۳.۱.۲	ج)
۱۱	۴.۱.۲	د)
۱۲	۲.۲	MadaLine
۱۲	۱.۲.۲	الف)
۱۲	۲.۲.۲	ب)
۱۳	۳.۲.۲	ج)
۱۴	۴.۲.۲	د)
۱۵	۳	Auto-Encoder for classification
۱۶	۴	Multi-Layer Perceptron
۱۶	۱.۴	آشنایی و کار با دیتاست (پیش پردازش)
۱۶	۲.۴	Multi-Layer Perceptron

(ج ۳.۱.۱)

با ادغام کردن ۳ مدار بالا به مدار زیر می رسم:



شکل ۲: DFA با استفاده از شبکه عصبی

توجه داشته باشید که threshold تمام مدار ها برابر ۲ می باشد.

(د ۴.۱.۱)

با استفاده از کد زیر کلاس نورون را تعریف کرده و سپس وزن ها و ورودی خود را مشخص می کنیم:

```
import numpy as np
class mp_neuron:
    def __init__(self , w0 , w1 , w2):
        self.w = np.array([[w0 , w1 , w2]])
        self.CONST_THRESHOLD = 2
        self.net = 1
        self.h = 0

    def setInput(self , x0 , x1 , x2):
        input = np.array([[x0],
                           [x1],
```

```

        [x2]])
    self.net = np.sum(np.matmul(self.w , input))

    def getH(self):
        if self.net != 1 :
            if self.net >= self.CONST_THRESHOLD : self.h = 1
            else : self.h = 0
        return self.h

    def getNet(self):
        return self.net

    def getW(self):
        return self.w

    def getThreshold(self):
        return self.CONST_THRESHOLD

z0 = mp_neuron(1 , 1 , 0 )
z1 = mp_neuron(0, 2 , 1 )
z2 = mp_neuron(2 , 0 , 1)
#-----
y0 = mp_neuron(2,2,2)
y1 = mp_neuron(2,0,2)
y2 = mp_neuron(2,0,2)
#-----
print("insert your input : /n")
x0 = int(input("X0 : "))
x1 = int(input("X1 : "))
x2 = int(input("X2 : "))
#-----
z0.setInput(x0 , x1 , x2 )
z1.setInput(x0 , x1 , x2 )
z2.setInput(x0 , x1 , x2 )
#-----
y0.setInput(z0.getH() , z1.getH() , z2.getH())
y1.setInput(x0 , x1 , x2)
y2.setInput(z0.getH() , z1.getH() , z2.getH())
#-----
print(" y0 = " , y0.getH() , "\n y1 = " ,y1.getH() , "\n y2 = " ,y2.g

```

خروجی برنامه برای تمام ورودی های ممکن به شکل زیر خواهند بود:

شکل ۳: خروجی های شبکه عصبی طراحی شده به ازای تمام ورودی های ممکن

```
insert your input : /n
X0 : 0
X1 : 0
X2 : 1
y0 = 0
y1 = 1
y2 = 0
```

```
insert your input : /n
X0 : 0
X1 : 1
X2 : 1
y0 = 0
y1 = 1
y2 = 0
```

```
insert your input : /n
X0 : 1
X1 : 0
X2 : 1
y0 = 0
y1 = 1
y2 = 0
```

```
insert your input : /n
X0 : 1
X1 : 1
X2 : 1
y0 = 1
y1 = 1
y2 = 1
```

```
insert your input : /n
X0 : 0
X1 : 0
X2 : 0
y0 = 0
y1 = 0
y2 = 0
```

```
insert your input : /n
X0 : 0
X1 : 1
X2 : 0
y0 = 1
y1 = 0
y2 = 0
```

```
insert your input : /n
X0 : 1
X1 : 0
X2 : 0
y0 = 1
y1 = 1
y2 = 1
```

```
insert your input : /n
X0 : 1
X1 : 1
X2 : 0
y0 = 1
y1 = 1
y2 = 1
```

۲ شبکه های AdaLine and MadaLine

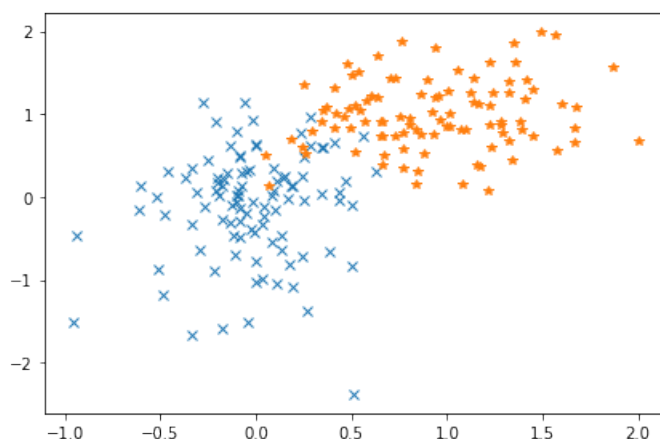
۱.۲ AdaLine

۱.۱.۲ الف

با توجه به داده‌های خواسته شده در این سوال و متغیرهای تصادفی ایکس و ایگرگ با میانگین داده شده و انحراف معیار مشخص نمودار پراکندگی یا همان اسکتر پلات را ترسیم خواهیم کرد به کمک پایتون در ابتدا برای این کار باید از ۱۰۰ داده تصادفی که به صورت اعداد گاوسی هستند استفاده کنیم برای این کار کدهای مربوط به اعداد تصادفی گاوسی را در ابتدا در پایتون یا جویپتر نوت بوک یا اسپایدر یا دیگر نرم افزارهای برنامه نویسی پیاده سازی میکنیم و دو دسته جدا یعنی کلاس اول و کلاس دوم را می سازیم . همانطور که مستحضر هستید میانگین اعداد یعنی مجموع اعداد تقسیم بر تعداد داده ها و در اینجا چون تعداد داده ها ۱۰۰ و میانگین خواسته شده ۱ می باشد پس باید مجموع اعداد نیز ۱۰۰ در نظر گرفته شود . با استفاده از کتابخانه NumPy دو دسته داده را با کد زیر رسم کرده و نمایش می دهیم.

```
#creating the first sets of data
mean1 = [0, 0]
cov1 = [[0.1, 0], [0, 0.4]]
x1, y1 = np.random.multivariate_normal(mean1, cov1, 100).T
#-----
#Creating the second sets of data
mean2 = [1, 1]
cov2 = [[0.2, 0], [0, 0.2]]
x2, y2 = np.random.multivariate_normal(mean2, cov2, 100).T
```

نتیجه بدین شکل خواهد بود:



شکل ۴: داده های AdaLine

۲.۱.۲ (ب)

حال نورون های Adaline را به صورت زیر تعریف می کنیم:

#Define a class with the charectristics of adaline neuron
class adaline_neuron:

one can change these constants

def **__init__**(**self**):

self.w = [0.002 ,0.00319]

self.alpha = 0.0001

self.threshold = 0.005

self.net = 1

self.h = 0

def setInput(**self** , x0 , x1):

input = np.array([[x0],
[x1]])

self.net = np.sum(np.matmul(**self.w** , **input**)) + **self.threshold**

def getH(**self**):

if self.net != 1 :

if self.net >= **self.CONST_THRESHOLD** : **self.h** = 1

else : **self.h** = 0

return self.h

def getNet(**self**):

return self.net

def getW(**self**):

return self.w

def getThreshold(**self**):

return self.threshold

def learn(**self** , sx , sy ,t):

i=0

#start using the formula to find the right weights and biyas

temp =0

for i **in** range(200):

self.setInput(sx[i] , sy[i])


```

        self.w[0] = self.w[0] + (self.alpha *
                                   (t[i] - self.net) * sx[i] )
        self.w[1] = self.w[1] + (self.alpha *
                                   (t[i] - self.net) * sy[i] )

        #find the right bias
        self.threshold = self.threshold +
            (self.alpha * (t[i] - self.net))
        temp+=(1/2 * ((t[i] - self.net)**2))
    return temp

def isEnough(self , sx , sy , t ):
    CONST_ERROR_THRESHOLD = 1
    flag = False
    for i in range (100):
        self.setInput(sx[i] , sy[i])
        # print((t - self.net)**2)
        if ((t - self.net) **2) > CONST_ERROR_THRESHOLD :
            flag = True
    return flag

```

در کد بالا چندین متد تعریف شده که مهم ترین آنها متد learn می باشد. در این متد مقدار وزن و بایاس با توجه به ارور تعریف شده تعیین می شوند به طوری که مقدار آن را مینیمم کنند. همچنین مقدار خطا در هر ایپاک بدست آورده می شود و در انتها آنها را در یک نمودار نمایش می دهیم. با تکرار متد آموزش به طور متوالی (در اینجا ۱۰۰ بار) به شکل زیر نتیجه قابل قبولی بدست می آوریم:

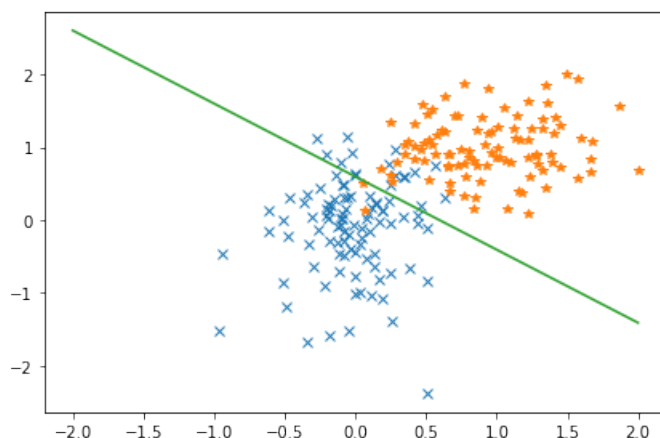
```

#Defining our neuron
ada_nur = adaline_neuron()
flag = True
ct=0
errorData01 = []

while(ct<100):
    error01 = ada_nur.learn(all_data[:,0] ,all_data[:,1] , all_data[:,2])
    errorData01.append(error01)
    flag1 = ada_nur.isEnough(x1 , y1 , 1)
    if (not(flag1)) : break
    ct +=1
print("ct = " , ct)

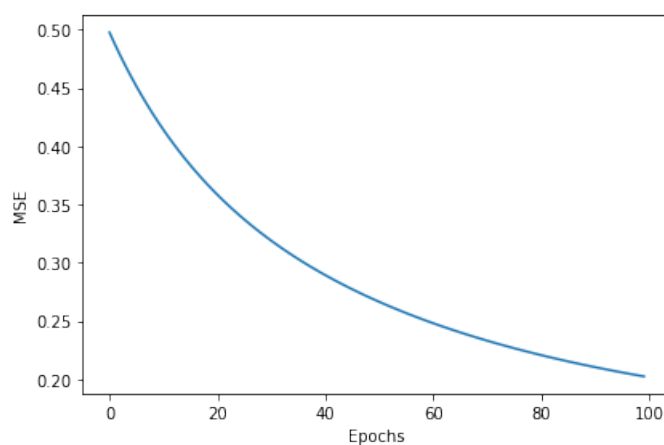
```

نتیجه طبقه بندی بدین صورت می باشد:



شکل ۵: طبقه بندی با استفاده از AdaLine

همچنین نمودار خطا در طول ۱۰۰ اپاک به شکل زیر است:

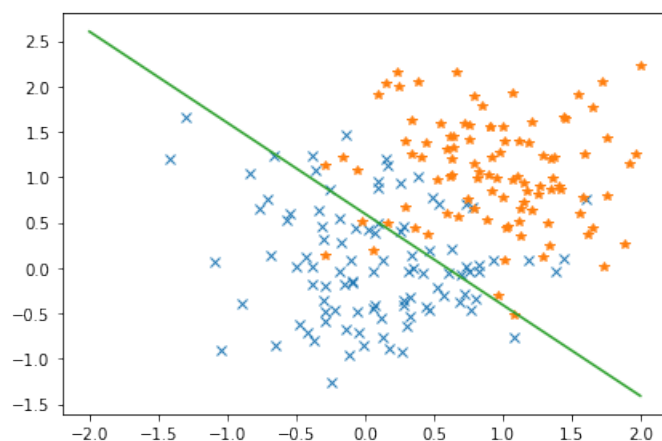


شکل ۶: خطای طبقه بندی AdaLine

با توجه به دو تصویر بالا می توان نتیجه گرفت که طبقه بندی به بهترین شکل انجام شده و مقدار خطا در طول ۱۰۰ اپاک به ۰ نزدیک شده. البته با توجه با داده ها خطای ۰ امکان پذیر نمی باشد اما نورم AdaLine به گونه ای طبقه بندی را انجام داده که خطا به کمترین مقدار خود برسد.

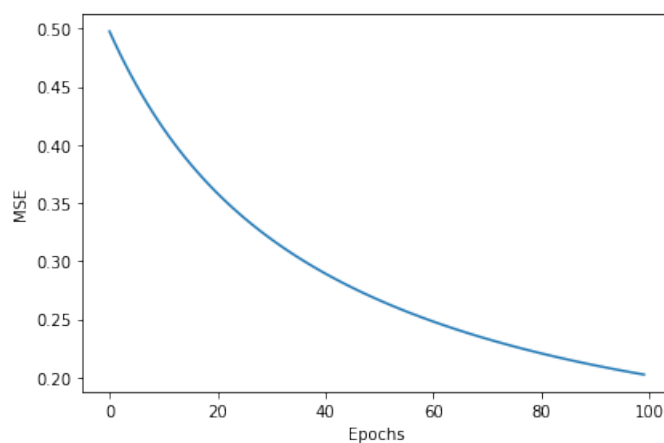
۳.۱.۲ ج

با تغییر مقادیر میانگین و واریانس در قسمت اول مراحل بالا را دوباره تکرار می کنیم. نتایج به صورت زیر خواهد بود:



شکل ۷: طبقه بندی با استفاده از AdaLine

و نمودار خطا به شکل زیر است:



شکل ۸: طبقه بندی با استفاده از AdaLine

این بار نیز خطا ۰ نشده زیرا داده ها به صورت خطی از هم جدا پذیر نیستند اما نرون AdaLine توانسته به بهترین شکل ممکن آنها را جدا کند به صورتی که خطا به حداقل برسد.

۴.۱.۲ د

تفاوت داده های ب و ج در آنست که داده های قسمت ج به شدت درهم تنیده هستند و به همین دلیل زمان بیشتری برای جداسازی آنها نیاز است. همچنین در انتهای جداسازی مقدار Loss بیشتر از حالت ب است.

MadaLine ۲.۲

۱.۲.۲ الف)

الگوریتم MRI به صورت زیر است: تابع فعال سازی به شکل تابع `sign` است. در این الگوریتم ابتدا مقادیر وزن ها و بایاس را به صورت رندوم یک عدد کوچک انتخاب می کنیم. سپس مراحل زیر را آنقدر تکرار می کنیم تا یا وزن ها دیگر تغییر نکنند یا حلقه به تعداد مشخصی اجرا شود:

ورودی ها را اعمال کنید و مقادیر خروجی هر نورون را مشخص کنید.

سپس مقدار `net` و خطا را محاسبه کرده و به شکل زیر وزن ها را بروزرسانی کنید

اگر مقدار هدف برابر مقدار خروجی بود هیچ کدام از نورون ها بروزرسانی نمی شوند در غیر این صورت

اگر مقدار هدف برابر ۱ بود وزن نورونی که خروجی آن به ۰ نزدیک تر است را بروزرسانی کن و اگر مقدار هدف برابر -۱ بود وزن همه نورون هایی که خروجی آن مثبت نیست را بروزرسانی کن.

۲.۲.۲ ب)

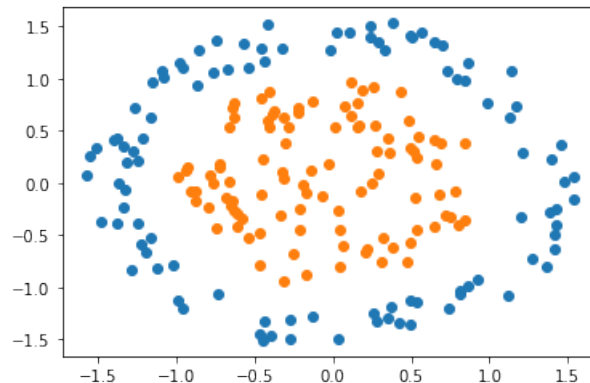
با استفاده از کد زیر داده ها را خوانده و رسم می کنیم:

```
#Read data from csv
headers = ['X', 'Y', 'T']
df = pd.read_csv('/content/MadaLine.csv', names=headers)
df = df.reset_index() # make sure indexes pair with number of rows

#Apply data into lists
xData01 = []
yData01 = []
xData02 = []
yData02 = []

for index, row in df.iterrows():
    if row['T'] == 1:
        xData01 = xData01 + [row['X']]
        yData01 = yData01 + [row['Y']]
    else:
        xData02 = xData02 + [row['X']]
        yData02 = yData02 + [row['Y']]
plt.scatter(xData01, yData01)
plt.scatter(xData02, yData02)
```

نتیجه بدین صورت خواهد بود:

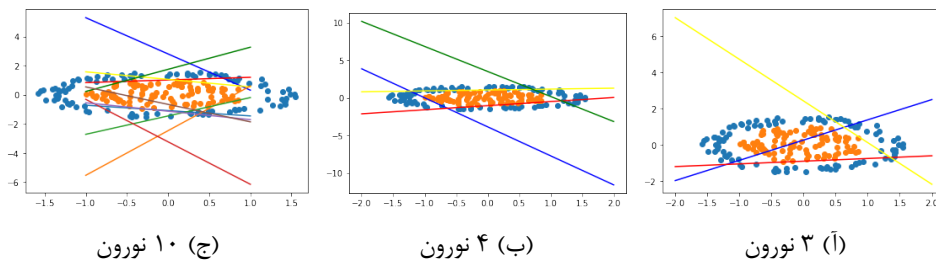


شکل ۹: داده های MadaLine

۳.۲.۲ (ج)

داده ها را با ۳، ۴ و ۱۰ نورون با استفاده از کد های پیوست شده از هم جدا می کنیم. نتیجه به صورت زیر خواهد بود:

شکل ۱۰: تقسیم بندی داده ها با استفاده از MadaLine



(ج) ۱۰ نورون

(ب) ۴ نورون

(آ) ۳ نورون

همچنین تعداد ایپاک ها و دقت آنها به شرح زیر است:

	Accuracy	Epochs
3 Neurons	74.5%	500
4 Neurons	100%	130
10 Neurons	100%	40

طبیعتاً با ۳ نورون نمی توانستیم به دقت صد در صد برسیم همچنین تعداد ایپاک ها برای رسیدن به دقت قابل قبول بسیار زیاد بود اما با ۴ نورون توانستیم دقت صد در صد را کسب کنیم. با اضافه کردن ۶ نورون دیگر با آنکه بار محاسباتی بیشتر شد اما در ایپاک کمتر (۴۰ ایپاک) توانستیم به همان دقت برسیم. البته تعداد ایپاک ها به صورت دستی انتخاب شده و برای انتخاب آنها از مقدار زیاد به کم حرکت کردیم و تا جایی که دقت افت نکند ادامه دادیم.

۴.۲.۲ (۵)

نتیجه بدست آمده قابل پیشبینی بود. با افزایش تعداد نورون ها تعداد ایپاک های لازم برای جداسازی کاهش پیدا می کند زیرا Redundancy افزایش پیدا کرده و چندین نورون جداسازی ها را برای یک قسمت انجام می دهند. طبیعتا کمتر از ۴ نورون نمی تواند این داده ها را از هم جداکنند.

Auto-Encoder for classification ۳

پاسخ ۴ – Multi-Layer Perceptron

۴-۱. پیش پردازش

I. ابتدا با استفاده از pandas فایل دیتاست را میخوانیم. که کد این بخش به همراه چند خط از دیتاست نشان داده شده است. لازم به ذکر است پیشتر اقدام به فراخوانی کتابخانه مربوط و نصب پکیج های لازم گردید.

```

In [1]: car_data = pd.read_csv('car_data.csv')
Out[1]:
   car_id  symboling  CarName  fueltype  aspiration  displacement  carburetor  drivetrain  enginehorsepower  wheelbase  ...  engineoil  fuelsystem  boretoratio  stroke  compressionratio  horsepower
0      1         2  Alfa Romeo  gas         std         1600         two         fwd         111
1      2         3  Alfa Romeo  gas         std         1600         two         fwd         111
2      3         1  Alfa Romeo  gas         std         1600         two         fwd         111
3      4         2  Alfa Romeo  gas         std         1600         two         fwd         111
4      5         2  Alfa Romeo  gas         std         1600         two         fwd         111
...
200  201        -1  Volvo 140G  gas         std         1600         two         fwd         111
201  202        -1  Volvo 140G  gas         std         1600         two         fwd         111
202  203        -1  Volvo 140G  gas         std         1600         two         fwd         111
203  204        -1  Volvo 140G  gas         std         1600         two         fwd         111
204  205        -1  Volvo 140G  gas         std         1600         two         fwd         111
205 rows x 26 columns

```

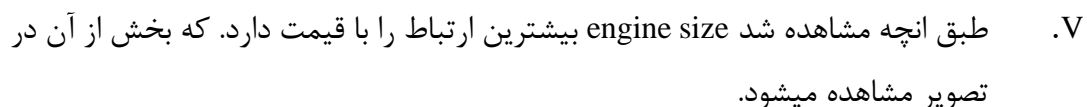
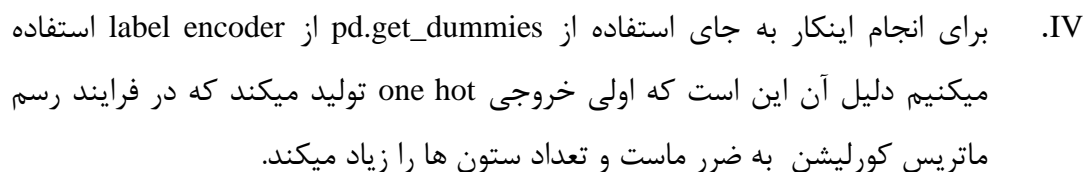
II. سپس با استفاده از دستور isna() اقدام به یافتن سلول های خالی کردیم و ستون های مربوطه را نشان دادیم. همانطور که در تصویر مشاهده میشود. همینطور در ادامه برای راحتی کار اقدام به deep copy از دیتاست کردیم.

```

In [2]: car_data.isna().sum()
Out[2]:
car_id      0
symboling   0
CarName      0
fueltype     0
aspiration   0
displacement 0
carburetor   0
drivetrain   0
enginehorsepower 0
wheelbase    0
...
engineoil    0
fuelsystem   0
boretoratio  0
stroke       0
compressionratio 0
horsepower   0
dtype: int64

```

سپس با توجه به نام های شرکت در دیتاست موجود با استفاده از دستور unique اقدام به یافتن و جایگذاری با نام های درست کردیم.



۴-۲. MLP

شمای کلی کد برای عدم تکرار در ابتدا آورده شده است و سپس صرفاً به تغییرات نتایج اشاره میشود.

```

def model(x_train, y_train):
    # Create the model
    model = Sequential([
        Dense(10, activation='relu'),
        Dense(10, activation='relu'),
        Dense(10, activation='relu')
    ])
    model.compile(optimizer='adam', loss='mse')

    # Train the model
    history = model.fit(x_train, y_train, validation_data=(x_test, y_test), epochs=100)

    # Print the history
    print(history.history)

    # Create the model
    model = Sequential([
        Dense(10, activation='relu'),
        Dense(10, activation='relu'),
        Dense(10, activation='relu')
    ])
    model.compile(optimizer='adam', loss='mse')

    # Train the model
    history = model.fit(x_train, y_train, validation_data=(x_test, y_test), epochs=100)

    # Print the history
    print(history.history)

    # Create the model
    model = Sequential([
        Dense(10, activation='relu'),
        Dense(10, activation='relu'),
        Dense(10, activation='relu')
    ])
    model.compile(optimizer='adam', loss='mse')

    # Train the model
    history = model.fit(x_train, y_train, validation_data=(x_test, y_test), epochs=100)

    # Print the history
    print(history.history)

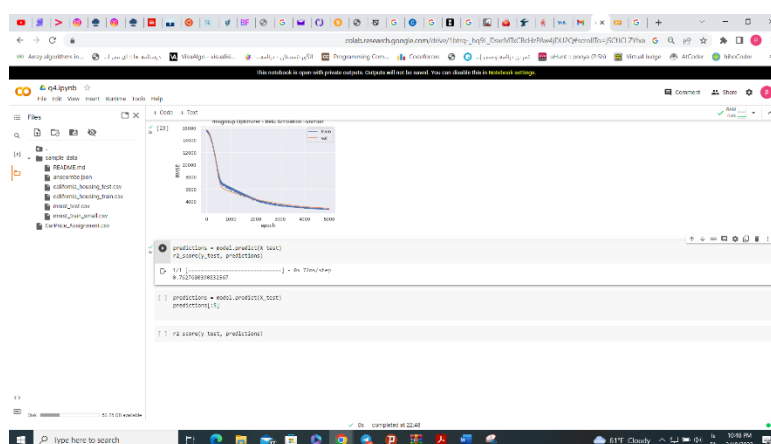
```

I. با توجه به صورت سوال به همان ترتیب عمل کردیم.

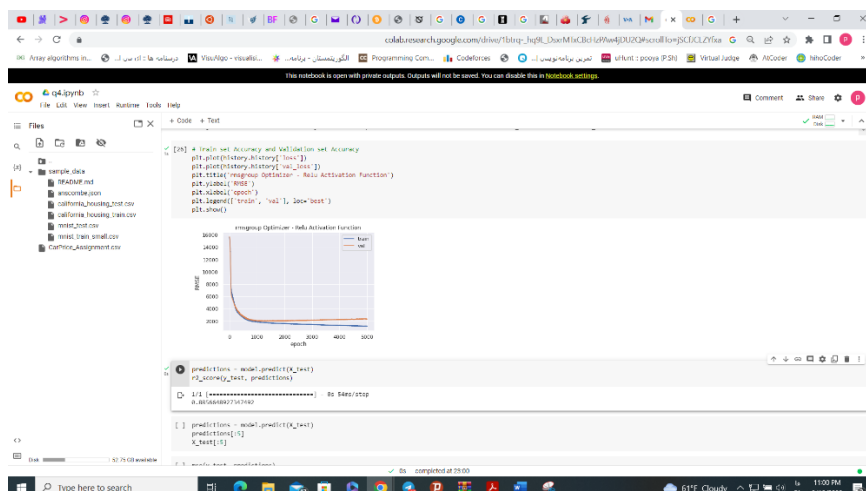
II. برای انجام از دو بهینه ساز adam و rmsprop استفاده کردیم و برای تابع loss نیز از rmse و r2-score

III. معیار r^2 -score در واقع همان ضریب تعیین است که نسبتی از واریانس متغیر وابسته است که از متغیرهای مستقل قابل پیشبینی باشد. این معیار در بحث های آماری بیشتر برای هدف پیشبینی خروجی آینده استفاده میشود که شامل یک رگرسیون خطی ساده است همینطور معمولا بین 0 و 1 قرار میگیرد. البته ممکن است مقادیر منفی نیز تولید شود چنین مواردی هنگامی پدیدار میشود که پیشبینی های مورد مقایسه با خروجی های متناظر از فرایند برازش مدل حاصل از آن داده ها مشتق نشده باشد. بهترین مقداری که میتواند بگیرد همان 1 است و مقدار 0 نشان دهنده این است که مدل همیشه میانگین خروجی بدون توجه به ورودی را گزارش میکند.

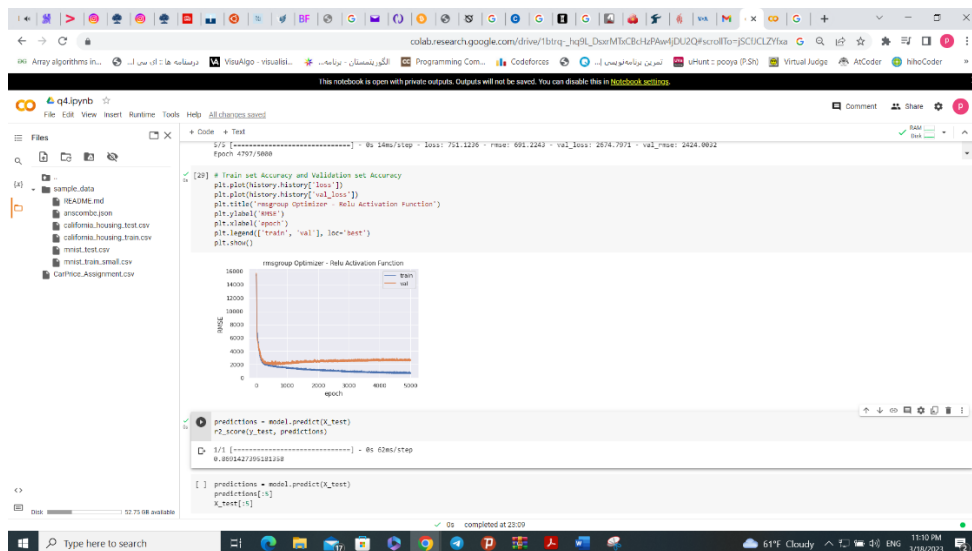
برای شروع ما برای تابع $rmse$ loss و برای $optimization$ ، $rmsprop$ را در نظر گرفتیم که در ادامه از mse و $adam$ استفاده شدند. لازم به ذکر است $patch-size=1$ در نظر گرفته شده است. در ادامه به ترتیب نتایج خروجی آورده شده است. ابتدا برای مدل با یک لایه پنهان r^2 -score 0.76 به دست آمد.



برای مدل با دو لایه پنهان نتایج زیر به دست آمد همچنین میزان r^2 -score 0.88 شد.



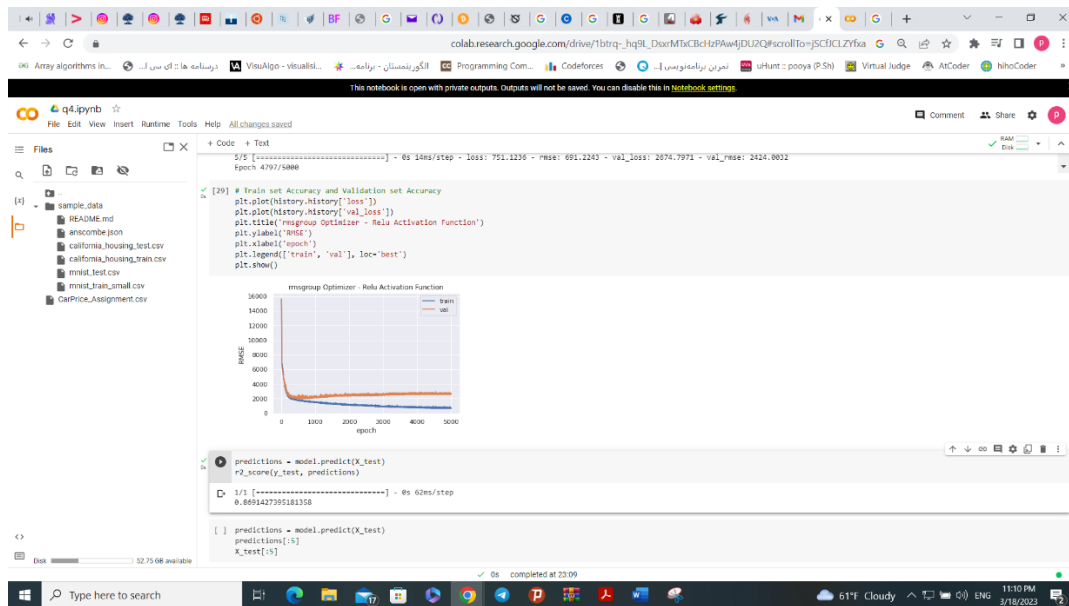
برای مدل با سه لایه پنهان نیز r^2 -score، 0.86 به دست آمد که نتایج قابل ملاحظه است.



با توجه به آنچه گفته شد مدل با دو لایه پنهان انتخاب میشود. داریم:

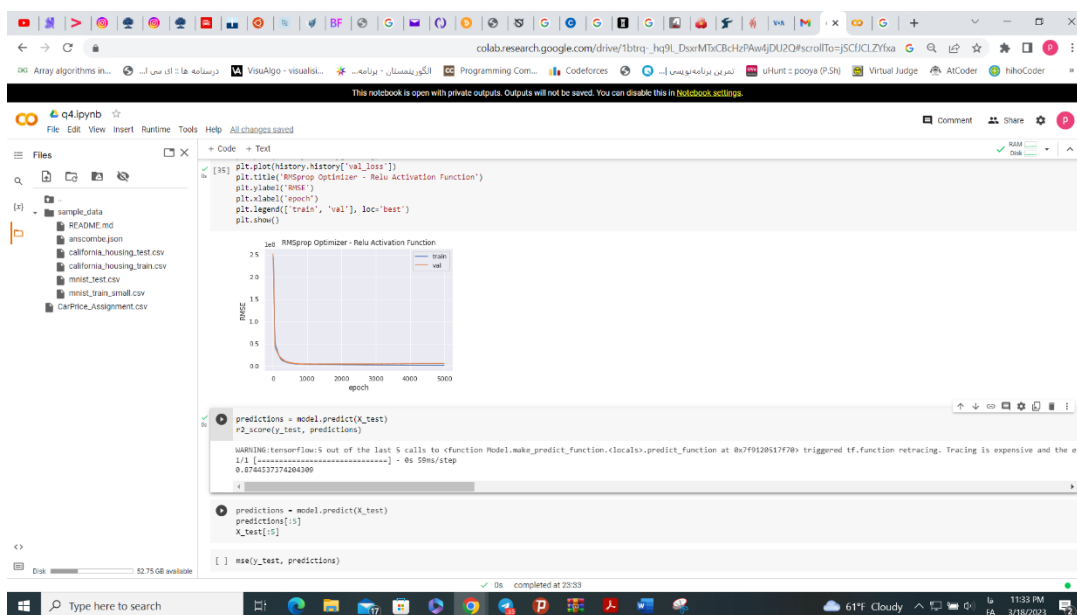
اکنون با توجه به صورت سوال برای مدل دومی آنچه خواسته شده است را رسم میکنیم:

IV. ابتدا تابع بهینه ساز را تغییر میدهیم:



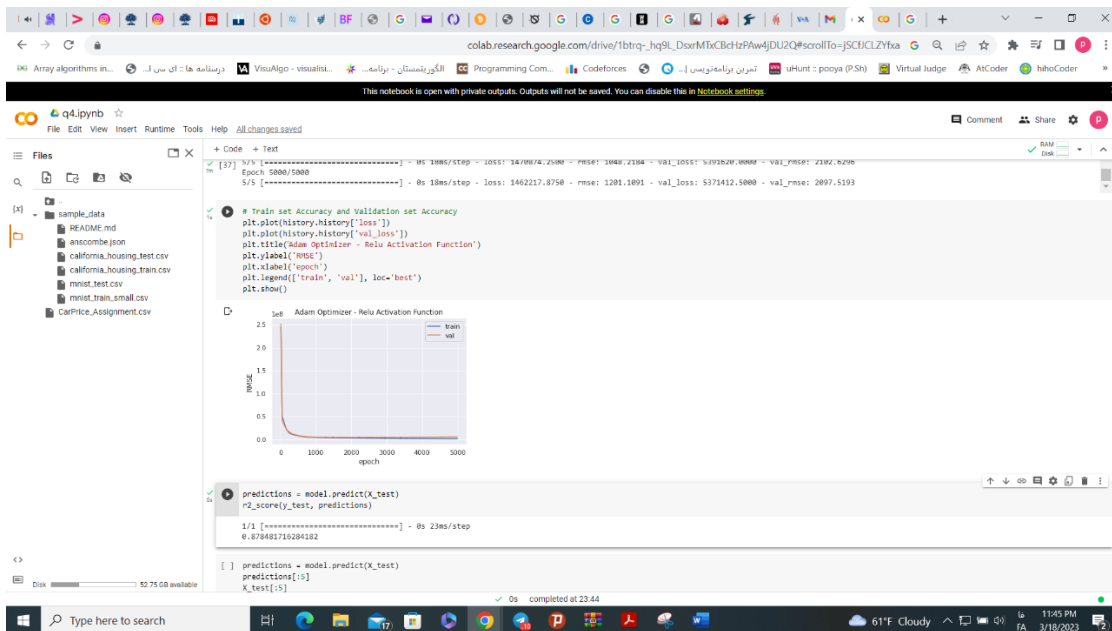
که در نتیجه آن r^2 -score 0.88 میشود.

سپس برای تابع loss، mse ابتدا با تابع بهینه ساز rmsprop:



که در نتیجه آن r^2 -score 0.87 میشود.

و سپس با تابع adam:



که در نتیجه آن r^2 -score 0.878 میشود.

نتایج قابل مشاهده اند.

V. نتایج پیش بینی شده به همراه مقادیر واقعی آن آورده شده است همچنین برای مشاهده ی میزان از معیار mean-squared-error استفاده شد که نتایج آن در ادامه آورده شده است.

