

## DISCUSIÓN/VALORACIÓN FINAL DE LA ASIGNATURA

### CONFERENCIAS

Las conferencias han sido un punto muy positivo de la asignatura. Aprecio que hayamos podido asistir a algunas impartidas por investigadores destacados en sus campos como Oscar Lao. Además están bien planteadas en cuanto a diversidad de campos de investigación y temáticas. Algunas como la de Leonardo se aprecian en cuanto a aportar consejos sobre metodología y software bioinformático o sobre el mundo de la investigación, realizar doctorados, etc.

### PRÁCTICAS

En su conjunto considero que la asignatura tiene una carga de trabajo muy superior a la que podríamos esperar de 3ECTS. Si bien es cierto, que los créditos asignados no son fácilmente modificables considero que sería conveniente ajustar las prácticas a los horarios correspondientes o bien ligeramente superiores. Sin embargo, en ello debe tenerse en cuenta que las mismas requieren de uso de Linux y que los análisis necesitan una potencia informática que la mayoría de portátiles no tienen. Precisamente esto último, hace que el tiempo que necesitamos para hacer los scripts se extienda severamente.

En cuanto a contenido creo que aprender a manejar ggplot2 ha sido probablemente la práctica mejor planteada en cuanto a utilidad, principalmente porque daba más autonomía a la hora de realizarla.

Los paquetes de R para realizar GWAS y RNAseq son conocimiento útil pero el formato de ambas prácticas en sí no fomenta el aprendizaje de cómo generarlas. Por lo menos mi sensación fue de estar ejecutando chunks constantemente, no como si estuviera contribuyendo activamente o encargándome de crearlo yo mismo a partir de la información disponible.

La práctica 1 considero que es quizá la que menos me ha convencido, principalmente porque requería una enorme cantidad de tiempo, necesitaba archivos muy pesados y una gran cantidad de comandos que no pueden aprenderse de la noche a la mañana (sin conocimiento de bash previo se hace muy complejo).

En resumen, sugeriría darles un cambio de enfoque a las prácticas buscando una mejor comprensión de algunas metodologías respecto a hacer más. Creo que esto reduciría la carga de trabajo y ayudaría a los estudiantes a ir más relajados. Por ejemplo, en lugar de realizar una práctica de GWAS y una de RNAseq podría repartirse entre los grupos y, en la presentación, que cada cual explicase el funcionamiento a aquellos que no lo han trabajado.

## PRESENTACIONES

Creo que las presentaciones ayudarían a interiorizar mejor lo aprendido en las prácticas si fueran más cortas. El hecho de realizar 20-25 min de presentación no fomenta sintetizar los puntos clave a remarcar de cada práctica sino lo opuesto, extenderse en algunos casos en cuestiones de menor importancia para adquirir una idea global de cada una.

## TRABAJO EN EQUIPO

Uno de los factores que ha amplificado mi sensación de fatiga y carga de trabajo ha sido una difícil coordinación con el resto del equipo. Especialmente en las últimas semanas con los *reports* (correr los sets de datos, redactar, etc.) solo dos personas hemos pasado días enteros en las salas de ordenadores de la Universidad o con el portátil para completar las tareas. En general, creo que ello ha contribuido mucho a una sensación de estrés y sobrecarga constante estos últimos días.

## EQUIPO DOCENTE

Al igual que la conferencias me parece que el equipo docente ha sido de un carácter muy positivo de la asignatura. Es de agradecer poder plantear dudas y recibir una respuesta rápida y comprensible, el trato cercano con los alumnos, que ha ayudado a rebajar, en la medida de lo posible, el efecto de tanto trabajo.

Al final gran parte de lo que he expuesto en los puntos anteriores es comprensible considerando que es la primera vez tanto de la asignatura como el equipo. Al final son consideraciones sobre el contenido y la gestión del tiempo de la asignatura. ¡En lo que es actitud y apoyo al alumnado encantadísimo con Marta!