MAT 3775 Analyse de la régression

Chapitre 5 Sélection de modèles

P. Boily (uOttawa)

Session d'hiver – 2023

Aperçu

- 5.1 Préliminaires (p.3)
- 5.2 Sélection du meilleur sous-ensemble (p.5)
- 5.3 Sélection par étapes (p.7)
- 5.4 Mesures d'ajustement (p.10)

5 - Sélection de modèles

Avec des ensembles de données et des situations réelles raisonnables, nous pouvons souvent construire des dizaines (voire des centaines) de modèles liés à un scénario spécifique.

Lorsque la plupart de ces modèles sont "alignés" les uns avec les autres (c'est-à-dire qu'ils donnent des résultats semblables), choisir le modèle le plus simple est généralement la meilleure approche.

En pratique, nous pouvons également atteindre un point de **rendements décroissants** – inclure plus de variables dans le modèle pourrait ne pas donner un meilleur pouvoir prédictif.

Comment choisir "le" modèle avec lequel travailler?

5.1 – Préliminaires

Un modèle linéaire $Y = \mathbf{X}\boldsymbol{\beta} + \boldsymbol{\varepsilon}$, $\boldsymbol{\varepsilon} \sim \mathcal{N}(\mathbf{0}, \sigma^2 \mathbf{I}_n)$ est considéré comme une approximation de la fonction de régression (non nécessairement linéaire)

$$y = f(\mathbf{x}) = E\{Y \mid (X_1, \dots, X_p) = \mathbf{x}\}.$$

Dans le cadre des moindres carrés, nous supposons une **relation linéaire** entre la réponse Y et les prédicteurs X_1, \ldots, X_p :

$$\mathbf{b} = \arg\min_{\beta} \{ \|\mathbf{Y} - \mathbf{X}\boldsymbol{\beta}\|_{2}^{2} \}.$$

Mais la précision de la prédiction souffre lorsque p > n; l'interprétabilité du modèle peut être améliorée en supprimant les caractéristiques non pertinentes (c'est-à-dire en réduisant p).

Il y a 3 classes de méthodes pour ce faire :

- les méthodes de réduction/régularisation (hors sujet pour le cours, cf. section 4.6);
- la **réduction de la dimension**, dans laquelle nous projetons les p prédicteurs sur une variété \mathcal{H} , avec $\dim(\mathcal{H}) = M \ll p$, et
- la sélection des sous-ensembles, où nous identifions un sous-ensemble de prédicteurs p pour lesquels il y a une (forte) association avec la réponse, et nous ajustons un modèle à cet ensemble réduit en utilisant le cadre des moindres carrés – étant donné p prédicteurs (dont certains peuvent être des termes d'interaction, des variables binaires, des puissances, etc.), il existe 2^p modèles qui peuvent être ajustés sur les données. Lequel de ces modèles est le meilleur ?

5.2 – Sélection du meilleur sous-ensemble

Dans l'approche **sélection du meilleur sous-ensemble** (BSS), la recherche du meilleur modèle est généralement composée de 3 étapes :

- 1. soit \mathcal{M}_0 le **modèle nul** (sans prédicteur) qui prédit simplement la moyenne de l'échantillon pour toutes les observations ;
- 2. pour k = 1, ..., p (et tant que le modèle peut être ajusté) :
 - (a) ajuster **chaque** modèle qui contient k prédicteurs (il y en a $\binom{p}{k}$);
 - (b) choisir le modèle \mathcal{M}_k ayant la plus petite SSE (plus grand R^2);
- 3. sélectionner un **unique** modèle à partir de $\{\mathcal{M}_0, \dots, \mathcal{M}_p\}$ en utilisant C_p (AIC), BIC, R_a^2 , ou toute autre métrique appropriée.

Nous ne pouvons pas utiliser SSE ou R^2 comme métriques à la dernière étape, car nous choisirions toujours \mathcal{M}_p (puisque SSE décroît de façon monotone avec k et R^2 augmente de façon monotone avec k).

L'approche BSS est simple, mais avec 2^p modèles à essayer, elle devient infaisable sur le plan des calculs lorsque p est élevé (p > 40, disons).

De plus, lorsque p est élevé, les chances de trouver un modèle qui fonctionne bien selon l'étape 3 mais mal pour de nouvelles observations augmentent, ce qui conduit au sur-ajustement et à la haute variance des estimations.

Nous supposons que tous les modèles sont des modèles de moindres carrés, mais les algorithmes de sélection de sous-ensembles peuvent être utilisés pour d'autres familles de méthodes ; il suffit de disposer d'estimations d'erreurs de **formation** (2b) et de **validation** (3) appropriées.

5.3 – Sélection par étapes

La sélection par étapes (SS) tente de surmonter ce défi en ne considérant qu'un ensemble restreint de modèles. La sélection par étapes par l'avant (FSS) commence par le modèle nul \mathcal{M}_0 et ajoute des prédicteurs un par un jusqu'à ce qu'on atteigne le modèle complet \mathcal{M}_p :

- 1. soit \mathcal{M}_0 le modèle nul ;
- 2. pour $k = 0, \dots, p-1$ (et tant que le modèle peut être ajusté) :
 - (a) considérer les p-k modèles qui ajoutent un seul prédicteur à \mathcal{M}_k ;
 - (b) choisir le modèle \mathcal{M}_{k+1} ayant la plus petite SSE (plus grand R^2);
- 3. sélectionner un **unique** modèle à partir de $\{\mathcal{M}_0, \dots, \mathcal{M}_p\}$ en utilisant C_p (AIC), BIC, R_a^2 , ou toute autre métrique appropriée.

La sélection par étapes rétrograde (aussi BSS, malheureusement) fonctionne dans l'autre sens, en commençant par le modèle complet \mathcal{M}_p et en supprimant les prédicteurs un par un jusqu'à ce qu'on atteigne le modèle nul \mathcal{M}_0 :

- 1. soit \mathcal{M}_p le modéle complet ;
- 2. pour $k = p, \dots, 1$ (et tant que le modèle peut être ajusté) :
 - (a) considérer les k modèles qui suppriment un seul prédicteur de \mathcal{M}_k ;
 - (b) choisir le modèle \mathcal{M}_{k-1} ayant la plus petite SSE (plus grand R^2);
- 3. sélectionner un **unique** modèle à partir de $\{\mathcal{M}_0, \dots, \mathcal{M}_p\}$ en utilisant C_p (AIC), BIC, R_a^2 , ou toute autre métrique appropriée.

L'avantage computationnel de SS par rapport à 5.2 est évident : au lieu d'ajuster 2^p modèles, SS n'en requiert que

$$1+p+(p-1)+\cdots+2+1=\frac{p^2+p+2}{2}$$
.

Bien qu'il n'y ait aucune garantie que le "meilleur" modèle (parmi les 2^p) se retrouve dans les modèles SS, SS peut être utilisé dans des contextes où p est **trop grand** pour que l'autre approche soit réalisable en termes de calcul.

Pour les moindres carrés, **BSS** ne fonctionne que si $p \le n$; si p > n, seule **FSS** est viable.

Les méthodes de **sélection hybride** (HS) tentent d'imiter la sélection du meilleur sous-ensemble tout en maintenant les calcul dans une plage gérable, un peu comme dans la SS.

5.4 – Mesures d'ajustement

En général, nous utilisons l'une des statistiques d'ajustement suivantes :

- le coefficient C_p de Mallow
- le critère d'information d'Akaike (AIC)
- le critère d'information bayésien (BIC), ou
- le coefficient de détermination ajusté R_a^2 .

Les trois premiers doivent être minimisés, le dernier doit être maximisé.

Ces statistiques d'ajustement requierent les quantités suivantes :

- n, p, et d = p + 2
- $\hat{\sigma}^2$, l'estimation de $\sigma^2 \{ \varepsilon \}$;
- SSE et SST.

Le coefficient C_p de Mallow est

$$C_p = \frac{1}{n}(SSE + 2d\hat{\sigma}^2) = \frac{1}{n}SSE + \underbrace{\frac{2d\hat{\sigma}^2}{n}}_{ajustment}.$$

Plus d augmente, plus le terme d'ajustement augmente ; si $\hat{\sigma}^2$ est une estimation sans biais de $\sigma^2\{\varepsilon\}$, C_p est une estimation sans biais de MSE .

Le critère d'information d'Akaike (AIC) est

$$AIC = -2 \ln L + \underbrace{2d}_{\text{adjustment}},$$

où L est la valeur maximisée de la fonction de vraisemblance pour le modèle estimé. Si les erreurs suivent une **loi normale**, cela revient à maximiser

$$\prod_{i=1}^{n} \frac{1}{\sqrt{2\pi}\hat{\sigma}} \exp\left(-\frac{(Y_i - \mathbf{X}_i \boldsymbol{\beta})^2}{2\hat{\sigma}^2}\right) = \frac{1}{(2\pi)^{n/2}\hat{\sigma}^n} \exp\left(-\frac{1}{2\hat{\sigma}^2} \sum_{i=1}^{n} (Y_i - \mathbf{X}_i \boldsymbol{\beta})^2\right),$$

ou, en prenant le logarithme,

$$\ln L = \text{constante} - \frac{1}{2\hat{\sigma}^2} \|\mathbf{Y} - \mathbf{X}\boldsymbol{\beta}\|^2,$$

d'où

$$\arg \max_{\beta} \{ \ln L(\beta) \} = \arg \min_{\beta} \{ \|\mathbf{Y} - \mathbf{X}\beta\|^2 \}.$$

Cependant,

AIC =
$$-2 \ln L + 2d = \text{constante} + \frac{1}{\hat{\sigma}^2} ||\mathbf{Y} - \mathbf{X}\boldsymbol{\beta}||^2 + 2d$$

= $\text{constante} + \frac{\text{SSE}}{\hat{\sigma}^2} + 2d$
= $\text{constante} + \frac{n}{\hat{\sigma}^2} \cdot \frac{1}{n} \left(\text{SSE} + 2d\hat{\sigma}^2 \right) = \text{constante} + \frac{n}{\hat{\sigma}^2} C_p.$

De toute évidence, lorsque la structure d'erreur est normale, minimiser AIC revient à minimiser C_p .

Le critère d'information bayésien utilise un terme d'ajustement différent :

$$\mathsf{BIC} = \frac{1}{n}(\mathsf{SSE} + d\hat{\sigma}^2 \ln n) = \frac{1}{n}\,\mathsf{SSE} + \underbrace{d\hat{\sigma}^2 \frac{\ln n}{n}}_{\mathsf{ajustment}}.$$

Cet ajustement pénalise les modèles ayant un nombre **élevé** de prédicteurs ; **minimiser** BIC aboutit à la sélection de modèles comportant moins de variables que ceux obtenus en **minimisant** C_p , en général.

Le coefficient de détermination ajusté R_a^2 d'un modèle à k- paramètres est

$$R_{a,k}^2 = 1 - \frac{\text{SSE}/(n-k-1)}{\text{SST}/(n-1)} = 1 - (1-R^2)\frac{n-1}{n-k-1}.$$

Maximiser $R_{a,k}^2$ minimise $\frac{\text{SSE}}{n-k-1}$, et pénalise les variables inutiles.

TL;DR : si p est le # de paramètres dans le **modèle complet** (F), on cherche un **modèle réduit** (R) bien ajusté à k paramètres.

- 1. Critère \mathbb{R}^2 : pour chaque sous-ensemble de prédicteurs, on calcule \mathbb{R}^2 ; on trouve un sous-ensemble à k prédicteurs tel que \mathbb{R}^2_k ne change pas de manière significative lorsque l'on augmente k.
- 2. Critère R_a^2 : pour chaque sous-ensemble de prédicteurs, on calcule R_a^2 ; on trouve un sous-ensemble à k prédicteurs qui maximise les R_a^2 .
- 3. Critère C_p de Mallow : pour chaque sous-ensemble de prédicteurs, on calcule $C_p = \frac{\mathrm{SSE}_k}{\mathrm{MSE}(F)} (n-2k)$; on cherche un sous-ensemble à k prédicteurs tel que C_p est petit et près de k (ce critère pourrait produire de nombreux modèles réduits appropriés).

Exemple : pour un certain ensemble de données avec trois prédicteurs, nous obtenons les C_p et R_p^2 de Mallow correspondants pour tous les sous-ensembles des prédicteurs.

p	C_p	R_p^2	Variables dans le modèle
$\overline{4}$	4.0000	0.8548	X_1, X_2, X_3
3	22.4041	0.7527	X_1 , X_2
3	29.1518	0.7189	X_1 , X_3
2	42.3306	0.6429	X_1
3	52.8666	0.6002	X_2 , X_3
2	81.6508	0.4461	X_2
2	146.8485	0.1197	X_3

En utilisant le critère C_p de Mallow ou le critère \mathbb{R}^2 , pouvons-nous trouver de "bons" modèles réduits ?

Solution : à part pour la première sélection (qui s'avère être le modèle complet, et non un modèle réduit), aucun des C_p n'est vraiment petit et près de p, donc le critère C_p de Mallow a peu de chances d'être utile.

Pour l'autre critère, nous avons

p	$ ho R^2$ le plus élevé
$\overline{2}$	0.6429
3	0.7527
4	0.8548

En passant de p=2 à p=3, la différence est 0.7527-0.6429=0.1098; En passant de p=3 à p=4, la différence est 0.8548-0.7527=0.1021. La seconde est légèrement plus petite que la première ; si nous devions absolument choisir un modèle réduit, nous devrions opter pour le modèle pour lequel $R^2=0.7527$ (celui avec les variables X_1 et X_2).