桂。

努力做一名科研工作者;向优秀的人学习请教。

博客园

首页

新随笔

联系

管理

### 公告

#### Since 2017.05.21:



昵称:桂。 园龄:1年6个月 粉丝:237 关注:16 +加关注

> 2018年7月 二三四五六 **B** — 24 25 26 27 28 29 30 2 3 4 5 6 7 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 1 2 3

# 最新随笔

- 1. Mathmatica简介
- 2. 概率论02
- 3. 概率论01
- 4. 小数延迟滤波器的诸多工程问题及改进措施
- 5. coon's patch
- 6. system generator学习笔记【02】
- 7. CZT变换 (chirp z-transform)
- 8. system generator学习笔记【01】
- 9. 硬件资源拆解
- 10. 基础008\_定浮点转化[floating point IP]

## 随笔分类

- 00-C 语言(2)
- 01-MATLAB(12)
- 02-Python(9)
- 03-前端相关(1)
- 10-HTK(1)
- 11-Linux(3)
- 12-Tensorflow(2)
- 13-scikit-learn(4)

随笔-242 文章-7 评论-157

### 随机抽样一致算法 (Random sample consensus, RANSAC)

作者:桂。

时间: 2017-04-25 21:05:07

链接: http://www.cnblogs.com/xingshansi/p/6763668.html



# 前言

仍然是昨天的问题,别人问到最小二乘、霍夫变换、RANSAC在直 线拟合上的区别。昨天梳理了霍夫变换,今天打算抽空梳理一下 RANSAC算法,主要包括:

- 1) RANSAC理论介绍
- 2) RANSAC应用简介;

内容为自己的学习记录,其中很多地方借鉴了别人,最后一起给出链接。

# 一、RANSAC理论介绍

普通最小二乘是保守派:在现有数据下,如何实现最优。是从一个整体误差最小的角度去考虑,尽量谁也不得罪。

RANSAC是改革派:首先假设数据具有某种特性(目的),为了达到目的,适当割舍一些现有的数据。

给出最小二乘拟合(红线)、RANSAC(绿线)对于一阶直线、二阶曲线的拟合对比:



- 15-音频分析工具(2)
- 16-硬件(39)
- 20-音频信号(30)
- 21-信号处理(55)
- 22-图像(3)
- 23-模式识别(18)
- 24-矩阵(18)
- 25-测向算法(32)
- 26-电磁(2)
- 27-数学(2)
- 待归档(5)
- 读书(26)
- 工作记录(12)
- 随手记(9)

# 随笔档案

- 2018年6月 (4)
- 2018年5月 (22)
- 2018年4月 (4)
- 2018年3月(2)
- 2018年2月 (12)
- 2018年1月 (4)
- 2017年12月 (3)
- 2017年11月 (11)
- 2017年10月 (13)
- 2017年9月 (14)
- 2017年8月 (18)
- 2017年7月 (14)
- 2017年6月 (16)
- 2017年5月 (37)
- 2017年4月 (29)
- 2017年3月 (25)
- 2017年2月 (10)
- 2017年1月 (4)

### 积分与排名

积分 - 142061

排名 - 2143

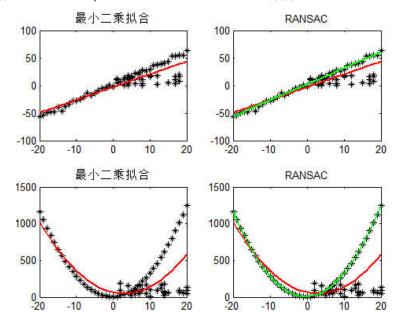
#### 最新评论

1. Re:信号处理——EMD、VMD的一点 小思考

@Matti太久没用都记不清了。不过可以这样:计算每个IMF的瞬时频率,sort排序,人为统一起来。...

--桂。

2. Re:信号处理——EMD、VMD的一点 小思考



可以看到RANSAC可以很好的拟合。RANSAC可以理解为一种采样的方式,所以对于多项式拟合、混合高斯模型(GMM)等理论上都是适用的。

### RANSAC的算法大致可以表述为(来自wikipedia):

Given:

```
data - a set of observed data points
    model - a model that can be fitted to data points
    n - the minimum number of data values required to fit
the model
    k - the maximum number of iterations allowed in the
algorithm
    t - a threshold value for determining when a data
point fits a model
    d - the number of close data values required to
assert that a model fits well to data
    bestfit - model parameters which best fit the data
(or nul if no good model is found)
iterations = 0
bestfit = nul
besterr = something really large
while iterations < k {
    maybeinliers = n randomly selected values from data
    maybemodel = model parameters fitted to maybeinliers
    alsoinliers = empty set
    for every point in data not in maybeinliers {
        if point fits maybemodel with an error smaller
than t
             add point to also inliers
```

我看到你EMD和VMD对比图中,VMD分解的各个IMF是按照频率由大到小排列,而EMD则是反的。但是我之前自己做EMD的时候IMF也是频率由大到小,我对EMD了解的不是太多,想问下EMD和VMD分解的......

--Matti

3. Re:空间谱专题10: MUSIC算法 @桂。好的~多谢回复...

--7yen

4. Re:空间谱专题10: MUSIC算法 @7yen你的情况我不确定。可以先分析 下采集的数据,验证一下自己的假设是否 合理...

--桂。

5. Re:空间谱专题10: MUSIC算法博主,你好,有个问题想请教一下,混响情况下MUISC算法性能不好便是因为你上面说的相干情况存在吗?

--7yen

#### 阅读排行榜

- 1. python音频处理用到的操作(21199)
- 2. 音频特征提取——librosa工具包使用 (15280)
- 3. 信号处理——Hilbert变换及谱分析 (13057)
- 4. PCA算法(11138)
- 5. MATLAB (2) ——小波工具箱使用简介(10854)

#### 推荐排行榜

- 1. 信号处理——EMD、VMD的一点小思 考(7)
- 2. 音频特征提取——常用音频特征(6)
- 3. python音频处理用到的操作(4)
- 4. 霍夫变换(3)
- 5. 混合高斯模型 ( GMM ) 推导及实现 (3)

```
if the number of elements in alsoinliers is > d {
    % this implies that we may have found a good model
    % now test how good it is
    bettermodel = model parameters fitted to all

points in maybeinliers and alsoinliers
    thiserr = a measure of how well model fits these

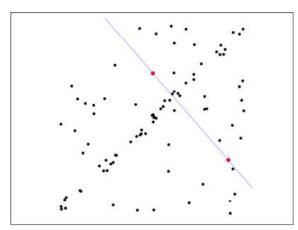
points

if thiserr < besterr {
    bestfit = bettermodel
    besterr = thiserr
  }
}

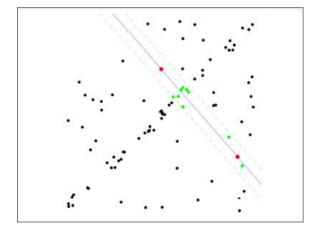
increment iterations
}</pre>
```

### RANSAC简化版的思路就是:

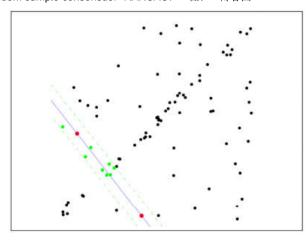
**第一步**:假定模型(如直线方程),并随机抽取Nums个(以2个为例)样本点,对模型进行拟合:



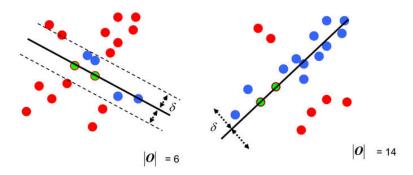
**第二步**:由于不是严格线性,数据点都有一定波动,假设容差范围为:sigma,找出距离拟合曲线容差范围内的点,并统计点的个数:



**第三步**:重新随机选取Nums个点,重复第一步~第二步的操作,直到结束迭代:



第四步:每一次拟合后,**容差范围内都有对应的数据点数**,找出**数据点个数最多**的情况,就是**最终的拟合结果**:



至此:完成了RANSAC的简化版求解。

这个RANSAC的简化版,只是给定迭代次数,迭代结束找出最优。如果样本个数非常多的情况下,难不成一直迭代下去?其实RANSAC忽略了几个问题:

- 每一次随机样本数**Nums的选取**:如二次曲线最少需要3个点确定,一般来说,Nums少一些易得出较优结果;
- 抽样迭代次数**Iter的选取**:即重复多少次抽取,就认为是符合要求从而停止运算?太多计算量大,太少性能可能不够理想;
- 容差**Sigma的选取**:sigma取大取小,对最终结果影响较大;

这些参数细节信息参考:维基百科。

RANSAC的作用有点类似:将数据一切两段,一部分是自己人,一部分是敌人,自己人留下商量事,敌人赶出去。RANSAC开的是家庭会议,不像最小二乘总是开全体会议。

附上最开始一阶直线、二阶曲线拟合的code(只是为了说明最基本的思路,用的是RANSAC的简化版):

## 一阶直线拟合:

```
clc;clear all;close all;
set(0,'defaultfigurecolor','w');

Generate data
param = [3 2];
npa = length(param);

x = -20:20;
```

```
y = param*[x; ones(1,length(x))]+3*randn(1,length(x));
     data = [x randi(20,1,30);...
 8
 9
         y randi(20,1,30)];
10
     %figure
     figure
11
     subplot 221
12
13
     plot(data(1,:),data(2,:),'k*');hold on;
     %Ordinary least square mean
14
15
     p = polyfit(data(1,:),data(2,:),npa-1);
16
     flms = polyval(p,x);
     plot(x,flms,'r','linewidth',2);hold on;
17
     title('最小二乘拟合');
18
19
     %Ransac
20
     Iter = 100;
21
     sigma = 1;
22
     Nums = 2;%number select
23
     res = zeros(Iter,npa+1);
24
     for i = 1:Iter
     idx = randperm(size(data,2),Nums);
25
26
     if diff(idx) ==0
27
         continue;
28
     end
29
     sample = data(:,idx);
     pest = polyfit(sample(1,:),sample(2,:),npa-1);%parameter est
30
     res(i,1:npa) = pest;
31
32
     res(i,npa+1) = numel(find(abs(polyval(pest,data(1,:))-data(2
33
34
     [~,pos] = max(res(:,npa+1));
     pest = res(pos,1:npa);
35
36
     fransac = polyval(pest,x);
37
     %figure
38
     subplot 222
39
     plot(data(1,:),data(2,:),'k*');hold on;
     plot(x,flms,'r','linewidth',2);hold on;
40
     plot(x,fransac,'g','linewidth',2);hold on;
41
     title('RANSAC');
42
```

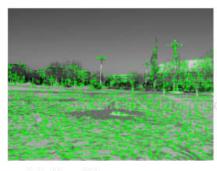
# 二阶曲线拟合:

```
+ View Code
```

# 二、RANSAC应用简介

RANSAC其实就是一种采样方式,例如在图像拼接(Image stitching)技术中:

第一步: 预处理后(据说桶形变换,没有去了解过)提取图像特征(如SIFT)



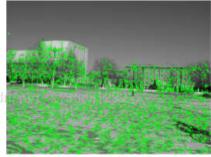
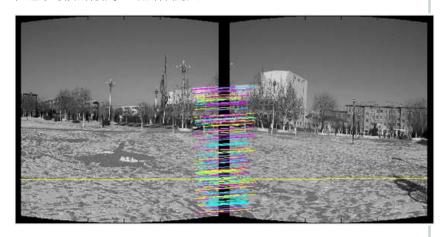


图 1 的 sift 特征

图 2 的 sift 特征→

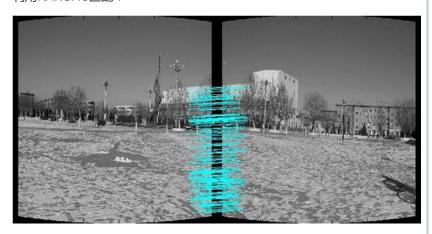
第二步:特征点进行匹配,可利用归一化互相关(Normalized Cross Correlation method, NCC)等方法。

但这个时候会有很多匹配错误的点:



这就好比拟合曲线,有很多的误差点,这个时候就想到了RANSAC算法:我不要再兼顾所有了,每次选取Nums个点匹配  $\rightarrow$  计算匹配后容差范围内的点数  $\rightarrow$  重复实验,迭代结束后,找出点数最多的情况,就是最优的匹配。

# 利用RANSAC匹配:



第三步:图像拼接,这个就涉及拼接技术了,直接给出结果:



# 参考:

• RANSAC:

https://en.wikipedia.org/wiki/Random\_sample\_consensus

• 图像拼接:

http://blog.csdn.net/xiaoch1222/article/details/5351089

分类: 22-图像,21-信号处理

标签: RANSAC, 随机采样一致





<u>桂。</u> 关注 - 16 粉丝 - 23

+加关注

2

0

« 上一篇: 霍夫变换

» 下一篇:统计学习方法:核函数(Kernel function)

posted @ 2017-04-25 22:13 桂。 阅读(4929) 评论(1) 编辑 收藏

# 评论列表

#1楼 2018-04-10 15:05 没事敲敲代码

非常直观,感谢分享

支持(0) 反对(0)

刷新评论 刷新页面 返回顶部

注册用户登录后才能发表评论,请登录或注册,访问网站首页。

【推荐】超50万VC++源码:大型组态工控、电力仿真CAD与GIS源码库!

【推荐】腾讯云新注册用户域名抢购1元起

【大赛】2018首届"顶天立地"AI开发者大赛

