Kukri_c26900_996	AS1G	4B	10	IWGSC_CSS_4BL_scaff_6976097:10270-10370 IWGSC_CSS_3AL_scaff_4423720:2818-2918 IWGSC_CSS_5DL_scaff_4534190:5140-5240 IWGSC_CSS_5BL_scaff_10809940:10978-11078 IWGSC_CSS_3B_scaff_10588935:1828-1927 IWGSC_CSS_5AS_scaff_1525221:83-183 IWGSC_CSS_2AL_scaff_6400534:979-1079 IWGSC_CSS_4DL_scaff_14378263:3989-4089 IWGSC_CSS_7DS_scaff_3869499:4136-4236 IWGSC_CSS_6AS_scaff_4373823:3035-3135	homeologous	cagaCggtgtaatctaGtgctA	cagaCggtgtaatctaGtgctG	tctctgtaggggtactcTtctCA	chromosome_semispecific	50

```
                 . 2 . 4 . 6 . 8 . 10 . 12 . 14 . 16 . 18 . 20 . 22 . 24 . 26 . 28 . 30 . 32 . 34 . 36 . 38 . 40 . 42 . 44 . 46 . 48 . 50 . 52 . 54 . 56 . 58 . 60 . 62 . 64 . 66
0     B     CACAGACGGTGTAATCTAGTGCTGCTAACTGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTAGTAAGT
1     A     CACAGACGGTGTAATCTAGTGCTACTAACTGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTAGTAAGT
2     4B    CACAGACGGTGTAATCTAGTGCTACTAACTGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTAGTAAGT
3     3A    CACAGACGGTGTAATCTAATGCTGCTAACCGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
4     5D    CACAGACGGTGTAATCTAATGCTGCTAACCGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
5     5B    CACAGACGGTGTAATCTAATGCTGCTAACCGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
6     3B    CACAGACGGTGTAATCTAATGCTGCTAACCGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
7     5A    CACAGATGGTGTAATCTAATGCTGCTAACCGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
8     2A    CACAGACGGTGTAATCTAATGCTGCTAACTGAGAGGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
9     4D    CACAGACGGTGTAATCTAATGCTGCTAACCGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGC
10    7D    CACAGATGGTGTAATCTAATGCTGCTAACCGAGAAGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
11    6A    CACAGACGGTGTAATCTAATGCTACTAACCAAGAGGAGTACCCCTACAGAGAATAGGTTGGTGAGT
12    MASK  4I------C----------G-----:------TG---A--------------------A--A--T
```