Acceso a BDs Biológicas: Entrez System

Luis E. Garreta U luis.garreta@javerianacali.edu.co

Curso de Bioinformática

Pontificia Universidad Javeriana – Cali Facultad de Ingeniería - Carrera de Biología

13 de agosto de 2018

Acceso a las BDs Biológicas

- Búsqueda y recuperación textual
- Tres grandes herramientas integradas para búsquedas y recuperación:
 - ► Entrez: desarrollado en el NCBI
 - ► SRS: desarrollda en el EBI
 - ▶ DBGET: desarrollada como parte del GenomeNet de Japón
- Adémas de las búsquedas, se ofrece enlaces a información relacionada
- Las tres herramientas difieren ligeramente:
 - ► En las BD que consultan,
 - ► En los enlaces a la información relacionada
- ► Nos enfocaremos en unos de los más usados: ENTREZ



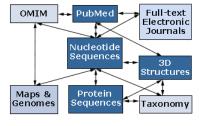
GenBank

- Colección anotada de secuencias del NCBI.
- Las secuencias pueden ser de diversos tipos y alcances:
 - ► Secuencia de ADN, ARN, aminoácidos
 - Secuencia de transcrito, gen, cromosoma, genoma
 - ► Secuencia de mutación (SNP)
 - ▶ ... hasta 40 BDs distintas
- PubMed: complementa a GenBank con una colección anotada de artículos científicos
- ► Entrez es la herramienta del NCBI para facilitar las búsquedas

Entrez (https://www.ncbi.nlm.nih.gov/)

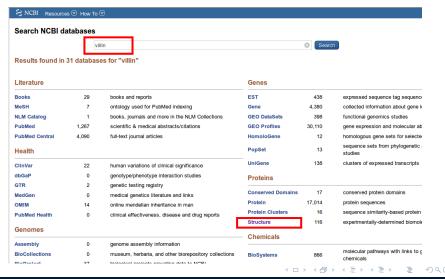
Brinda una herramienta integrada para acceder a las BDs del NCBI

- Secuencias de nucleótidos
- Secuencias de proteínas
- Estructuras macromoleculares
- ► Genomas y mapas gen´eticos
- ► Literatura: MEDLINE
- Mas de 38 DBs

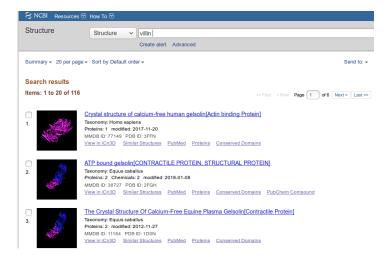


. . .

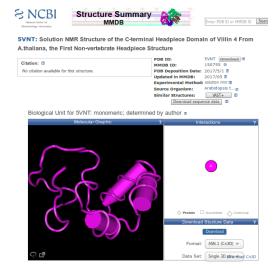
Ejemplo: Búsqueda estructura 3D de la Villin



Ejemplo: Lista de Resultados por estructura



Ejemplo: Selección de un registro particular



Formas de Realizar las Búsquedas

Las búsquedas en las BDs pueden ser hechas de varias formas:

- Por tópico:
 - ► Ingresar palabra o "frase
 - Utilizar operadores booleanos: AND, OR, NOT
 - ► Utilizar comodines: cyanobact* (cyanobacterium and cyanobacterial)
- ► Por identificadores únicos:
 - Secuencias de ADN y proteínas se les asigna un único número de acceso cuando se ingresan a la BD (e.g
 - ► CAA50375.1 (Villin, partial [Homo sapiens])
- ► Por autor:
 - ► Apellido + Iniciales
 - e.g: mann nh

Búsqueda avanzada en Entrez

- ▶ Uso de manuales
 - Fundamental para cualquier herramienta bioinformática
- Operadores booleanos: AND, OR, NOT
 - horse OR horses
- ► Filtros: corchetes tras el nombre:
 - horse[Organism]
 - ► BRCA1[Gene Name]
- Comillas: para coincidencia exacta si hay más de una palabra
 - ► "Equus caballus"

