

# Práctica 1

## *Alineamiento de secuencias con Biopython*

### Objetivo

Resolver problemas relacionados con el alineamiento de secuencias biológicas.

### Tareas

1. (1 punto) Resuelve, utilizando el módulo pairwise2 (o el módulo Align con PairwiseAligner) de Biopython, los siguientes problemas Rosalind:
  - 1.1. BA5E (Find a Highest-Scoring Alignment of Two Strings)
  - 1.2. BA5F (Find a Highest-Scoring Local Alignment of Two Strings)
  - 1.3. BA5G (Compute the Edit Distance Between Two Strings)
  - 1.4. BA5J (Align Two Strings Using Affine Gap Penalties)

<http://rosalind.info/problems/list-view/?location=bioinformatics-textbook-track>

### Entregables

Un archivo comprimido con el siguiente contenido:

- 1) El código fuente de cada uno de los subapartados, que deberá nombrarse con el nombre del problema (ejemplo: ba5e.py).
- 2) Un fichero explicativo de cómo se ejecutan cada uno de los códigos fuente incluidos y cómo se le pasan los parámetros/secuencias.

### Fecha de entrega

Para obtener la puntuación completa se debe entregar a través de la plataforma campus virtual antes de las 23:55 del 18 de marzo de 2022.

Se podrá entregar con penalización (80% de la nota) hasta el 6 de mayo de 2022.