

AKADEMIA GÓRNICZO-HUTNICZA IM. STANISŁAWA STASZICA W KRAKOWIE WYDZIAŁ ELEKTROTECHNIKI, AUTOMATYKI, INFORMATYKI I INŻYNIERII BIOMEDYCZNEJ

KATEDRA INFORMATYKI STOSOWANEJ

Praca dyplomowa inżynierska

Automatyczne odkrywanie procesów biznesowych przy użyciu programowania genetycznego Automated Business Process Discovery using Genetic Programming

Autor: Piotr Seemann Kierunek studiów: Informatyka

Opiekun pracy: dr inż. Krzysztof Kluza

Uprzedzony o odpowiedzialności karnej na podstawie art. 115 ust. 1 i 2 ustawy z dnia 4 lutego 1994 r. o prawie autorskim i prawach pokrewnych (t.j. Dz.U. z 2006 r. Nr 90, poz. 631 z późn. zm.): "Kto przywłaszcza sobie autorstwo albo wprowadza w błąd co do autorstwa całości lub części cudzego utworu albo artystycznego wykonania, podlega grzywnie, karze ograniczenia wolności albo pozbawienia wolności do lat 3. Tej samej karze podlega, kto rozpowszechnia bez podania nazwiska lub pseudonimu twórcy cudzy utwór w wersji oryginalnej albo w postaci opracowania, artystycznego wykonania albo publicznie zniekształca taki utwór, artystyczne wykonanie, fonogram, wideogram lub nadanie.", a także uprzedzony o odpowiedzialności dyscyplinarnej na podstawie art. 211 ust. 1 ustawy z dnia 27 lipca 2005 r. Prawo o szkolnictwie wyższym (t.j. Dz. U. z 2012 r. poz. 572, z późn. zm.): "Za naruszenie przepisów obowiązujących w uczelni oraz za czyny uchybiające godności studenta student ponosi odpowiedzialność dyscyplinarną przed komisją dyscyplinarną albo przed sądem koleżeńskim samorządu studenckiego, zwanym dalej «sądem koleżeńskim».", oświadczam, że niniejszą pracę dyplomową wykonałem(-am) osobiście i samodzielnie i że nie korzystałem(-am) ze źródeł innych niż wymienione w pracy.



Spis treści

1.	Wpr	owadze	nie	7
	1.1.	Zarys	tematyki pracy	7
	1.2.	Cele p	oracy	7
	1.3.	Zawar	tość pracy	8
2.	Wst	ep teore	etyczny	9
	2.1.	Proces	sy biznesowe	9
		2.1.1.	Procesy biznesowe	9
		2.1.2.	Zarządzanie procesami biznesowymi	10
	2.2.	Mode	lowanie procesów biznesowych	10
		2.2.1.	Modelowanie procesów biznesowych	10
		2.2.2.	Dzienniki zdarzeń	10
		2.2.3.	Odkrywanie procesów biznesowych	10
		2.2.4.	Algorytmy do wykrywania procesów biznesowych	10
	2.3.	Metry	ki	11
		2.3.1.	Prostota	11
		2.3.2.	Odwzorowanie	11
		2.3.3.	Precyzja	11
		2.3.4.	Generalizacja	11
		2.3.5.	Złożoność	12
	2.4.	Ewolu	ıcja genetyczna	12
		2.4.1.	Algorytmy genetyczne	12
		2.4.2.	Ewolucja genetyczna a inne algorytmy uczenia maszynowego	13
		2.4.3.	Ewolucja gramatyczna	13
	2.5.	Grama	atyka	13
		2.5.1.	BNF	13
		2.5.2.	Tworzenie gramatyki pod kątem ewolucji	13
3	Proi	ekt i im	nlementacia	15

6 SPIS TREŚCI

	3.1.	Wykorzystane technologie	15	
		3.1.1. Python 3.8.1	15	
		3.1.2. PonyGE2	15	
	3.2.	Tworzenie gramatyki procesu biznesowego	16	
	3.3.	3.3. Projekt systemu		
	3.4.	Implementacja	21	
	3.5.	Wybór parametrów algorytmu	32	
4.	Dysk	skusja rezultatów		
	4.1.	Przykładowe wyniki	35	
	4.2.	Porównanie z innymi algorytmami	35	
	4.3.	Wyniki w zależności od przyjętych metryk	35	
	4.4.	Wnioski	35	
5.	Pods	sumowanie	37	

1. Wprowadzenie

1.1. Zarys tematyki pracy

Zdefiniowanie kroków potrzebnych do osiągnięcia danego efektu jest konieczne do zrozumienia podejmowanych działań i wprowadzenia ewentualnych udoskonaleń. Z czasem biznes zdał sobie z tego sprawę i kierując się zasadą: "Jeżeli nie jesteś w stanie opisać czegoś jako proces, nie masz pojęcia, co robisz", firmy zaczęły podejmować próby uporządkowania i zamknięcia swoich działań w ramy, co doprowadziło do wzrostu popularności procesów biznesowych.

Identyfikacja i opis procesów biznesowy sprawia, że wszystkie operacje w firmie stają się przejrzyste i łatwiejsze do zrozumienia. Analiza procesów biznesowych może pozwolić na zwiększenie produktywności oraz redukcję kosztów. Procesy biznesowe mogą pozwolić na przewidywanie przyszłych zdarzeń na podstawie danych, znajdowanie wąskich gardeł, a także zmniejszają zależność firm od poszczególnych ludzi.

W związku z możliwością gromadzenia coraz większej ilości danych, a także chęcią ich wykorzystania oraz rosnącą popularnością Data Science biznes zdał sobie sprawę z możliwości wykorzystanie technologii informatycznych w kontekście procesów biznesowych. Zapoczątkowało to powstanie na pograniczu zarządzania procesami biznesowymi i metod informatycznych używanych do analizy danych dziedziny zwanej odkrywaniem procesów biznesowych (eng. process mining).

1.2. Cele pracy

Celem pracy jest projekt i implementacja metody odkrywania procesów biznesowych przy użyciu programowania genetycznego. W pracy zbadano jak wybór metod programowania genetycznego, wybór gramatyki, a także parametrów programu wpływa na jakość rozwiązania. Zaprezentowano też przykłady użycia algorytmu do okrywania procesów biznesowych oraz porównano z innymi dostępnymi algorytmami. Ponadto w pracy zostały zbadana hipoteza czy rozwiązywania problemu najpierw dla prostych przypadków i wykorzystanie rozwiązań tego problemu może mieć korzystny wpływ na rozwiązanie bardziej skomplikowanego problemu.

8 1.3. Zawartość pracy

1.3. Zawartość pracy

Praca zastała podzielona na cztery części. We wstępie teoretycznym zostały przybliżone zagadnienia potrzebne do zrozumienia pracy. W kolejnej części została przedstawiona implementacja algorytmu do wyszukiwania procesów genetycznych. Następnie zaprezentowane zostały wyniki działanie algorytmu dla przykładowych dzienników zdarzeń. Omówione zostało też jak na czas znajdowania rozwiązania oraz jego jakość wpływają przyjęte parametry algorytmu w szczególności wybór metryk oraz wagi z jakimi każda metryka powinna być brana pod uwagę.

2. Wstęp teoretyczny

2.1. Procesy biznesowe

2.1.1. Procesy biznesowe

Procesy biznesowe opisuja zbiór aktywność, które podejmuje grupa podmiotów w celu osiagniecia celu biznesowego. W literaturze brakuje jednej ogólnie przyjętej definicji procesu biznesowego. W latach 90. XX wieku proponenci BPR, czyli Przeprojektowania procesów biznesowych (eng. Business process re-engineering) starali sie sprecyzować pojecie procesu biznesowego. W ksiażce "Process Innovation: Reengineering Work through Information Technology"[1] Davenport określił termin ten jako "Ustrukturyzowany, mierzalny zbiór działań, których celem jest wytworzenie określonego produktu dla określonego klienta lub rynku". Autor położył nacisk na zbiór kroków prowadzących do celu, raczej niż na końcowy efekt. W dalszej części autor pisze "Proces jest zatem określonym uporządkowaniem czynności roboczych w czasie i przestrzeni, z początkiem i końcem oraz jasno określonymi wejściami i wyjściami: strukturą działania.". Inni pionierzy BPR Michael Hammer i James Champy proponują podejście "Proces biznesowy to zbiór działań, który pobiera jeden lub więcej rodzajów danych wejściowych i tworzy wynik, który ma wartość dla klienta" [2]. Autorzy dają większą dowolność, co do definicji procesu, nie wspominając o konieczności jego logicznej organizacji czy mierzalności. Z kolei Jacobson zupełnie pomija konieczność zamknięcia procesu w jakiekolwiek ramy: Źestaw czynności wewnętrznych wykonywanych w celu obsługi klienta"[3]. Nacisk na konieczność odniesienia procesów do wymiernych środków firmy widzimy w definicji: "Procesy biznesowe są aktywną częścią biznesu. Opisują funkcje firmy i obejmują zasoby, które są używane, przekształcane lub wytwarzane. Proces biznesowy to abstrakcja, która pokazuje współprace między zasobami i transformację zasobów w biznesie. Podkreśla, w jaki sposób wykonywana jest praca, zamiast opisywać produkty lub usługi wynikające z tego procesu."[4]. Szczególnie ważny jest tutaj fragment o transformacji zasobów, gdyż każe on rozumieć poszczególne aktywności w procesie jako powiązane ze sobą i kończące się namacalnymi rezultatami. Definicja "Proces biznesowy to seria kroków mających na celu wytworzenie produktu lub usługi. W wyniku niektórych procesów produkt lub usługa jest odbierana przez zewnętrznego klienta organizacji. Nazywamy te podstawowe procesy. Inne procesy wytwarzają produkty, które są niewidoczne dla klienta zewnętrznego, ale są niezbędne do efektywnego zarządzania firmą. Nazywamy te procesy wsparcia"[5] wprowadza rozgraniczenie na podtypy procesów. Ważnym jest jednak że nie jest koniecznością, aby rezultaty procesu były widoczne na zewnątrz organizacji.

Powyższe definicji skupiają się na delikatnie odmienny aspektach procesów biznesowych, nie zawsze szczegółowo wspominając o innych. Starając się usystematyzować powyższe sformułowania, chcąc zbudować bazę do dalszej analizy tematu, można przyjąć, że procesy biznesowe charakteryzują:

- Określony cel, którym jest wytworzenie wartości dla klienta lub pośrednio firmy. Jednak warto
 jeszcze raz zaznaczyć ze proces biznesowy skupia się na sposobie osiągnięcia celu, a nie opisie
 celu samego w sobie.
- Dyskretny, jasno zdefiniowany i identyfikowalny zbiór aktywności.
- Jasno określony początek i koniec.
- Pomiędzy kolejnymi procesami zachodzi zależność przyczynowo-skutkowa.

2.1.2. Zarządzanie procesami biznesowymi

Zarządzanie Ważny jest człowiek

2.2. Modelowanie procesów biznesowych

2.2.1. Modelowanie procesów biznesowych

Odkrywanie procesów Metryki ważne

2.2.2. Dzienniki zdarzeń

W kontekście odkrywania procesów biznesowych ważne są dla nas tylko zdarzenia i kolejność ich wykonywania. Informacje o dokładnym czasie wykonania oraz użytkowniku, który wykonał daną operację możemy pominąć. Ponadto musimy wiedzieć jak często dany wariant wystąpił.

2.2.3. Odkrywanie procesów biznesowych

2.2.4. Algorytmy do wykrywania procesów biznesowych

Alpha algorithm

The ILP Miner

Heuristic Miner

Multi-phase Miner

2.3. Metryki 11

Nr sprawy	Status oferty	Data i czas	Użytkownik
1	do przygotowania	02.01.2016 13:31:00	U3
1	przygotowana	02.01.2016 13:31:15	U3
1	wysłana	02.01.2016 13:31:21	U3
1	zwrócona	11.01.2016 09:44:49	U112
1	zaakceptowana	12.01.2016 13:13:45	U87
2	do przygotowania	04.01.2016 09:49:22	U7
2	przygotowana	04.01.2016 09:49:23	U7
2	anulowana	11.01.2016 11:34:36	U95
3	do przygotowania	04.01.2016 10:04:45	U28
3	przygotowana	04.01.2016 10:04:46	U28
3	wysłana	04.01.2016 10:05:50	U28
3	anulowana	29.02.2016 08:01:20	U1

Rys. 2.1. Przykład dziennika zdarzeń

2.3. Metryki

[6]

2.3.1. Prostota

Najprostsza z metryk.

 $M_{pro} = 1 - \frac{i losc \ duplikatow \ w \ modelu + i losc \ brakujacych \ wartosci \ w \ modelu}{i losc \ unikalnych \ zdarzen \ w \ logu + i losc \ zdarzen \ w \ modelu}$

2.3.2. Odwzorowanie

Pozostałe metryki obliczane są na podstawie tej metryki.

$$M_o = (1 - \sum_{0}^{ilosc\ procesow\ w\ logu} \frac{blad\ odwzorowania\ logu\ w\ modelu}{minimalna\ dugosc\ sciezki\ w\ modelu + dugosc\ sciezki\ w\ logu})^4$$

Przykład liczenia odwzorowania:

2.3.3. Precyzja

$$M_{pre} = (1 - \sum_{0}^{ilosc\ zdarzen\ w\ modelu} \frac{ilosc\ osiagalnych\ zdarzen\ w\ modelu-ilosc\ osiagalnych\ zdarzen\ w\ modelu}{ilosc\ osiagalnych\ zdarzen\ w\ modelu})^{\frac{1}{3}}$$

2.3.4. Generalizacja

$$M_g = \frac{1 - \sum_0^{ilosc\ zdarzen\ w\ logu} \frac{1}{\sqrt{ilosc\ wystapien\ zdarzenia}}}{ilosc\ zdarzen\ w\ logu}$$

2.3.5. Złożoność

Promuje rozwiązywanie prostych problemów w prosty sposób

$$M_z = 1 - \frac{1}{\sqrt{1 - odwzorowanie * \sqrt{zlozonosc modelu}}}$$

2.4. Ewolucja genetyczna

2.4.1. Algorytmy genetyczne

[7] Algorytmy genetyczne są inspirowaną selekcją naturalną heurystyką, która używa znanych z ewolucji biologicznej operacji jak mutacja, selekcja czy krzyżowanie do rozwiązywania problemów wyszukiwania i optymizacji. Ich ideą jest zaproponowanie metody przeszukiwania przestrzeni losowy rozwiązań w celu wyszukania najlepszych z nich. Pierwszy raz zostały zaproponowane w [8].

Sposób działania algorytmów genetyczny polega na stworzeniu populacji losowych rozwiązań zwanych genotypami lub chromosomami, które kodowane są za pomocą licz całkowitych i zapisywane ww tablicy jednowymiarowej. Następnie dla każdego elementu populacji obliczane są metryki pozwalające ocenić jak dobre jest wygenerowane rozwiązanie. Po sklasyfikowaniu rozwiązań generujemy nową populację mutując lub krzyżując głownie choć nie tylko najlepsze chromosomy. Proces ten jest powtarzany do momentu otrzymania satysfakcjonującego rozwiązania.

Selekcja: Selekcja proporcjonalna - wybieramy losowo rozwiązania z puli wszystkich rozwiązań z warunkiem, że rozwiązania z największą wartością metryk mają największą szansę na bycie zachowanymi w populacji. Jest to najpopularniejsza metoda selekcji i najczęściej umożliwiająca najszybsze znalezienie rozwiązania. Pozwala na elityzm, czyli zachowanie części najlepszych genotypów w przyszłej populacji.

Selekcja turniejowa - wybieramy podzbiór ze zbioru rozwiązań i zachowujemy w przyszłej najlepsze rozwiązanie z tego podzbioru. Rozwiązanie to pozwala na duży wpływ na presję genetyczną - zwiększając wielkość podzbioru ograniczamy szansę na wybór z niską wartością metryk. Jest to także metoda, która łatwe zrównoleglenie.

Krzyżowanie - : Krzyżowanie punktowe - spośród dwóch genotypów losowo wybieramy jeden punkt, następnie tworzymy dwa nowe genotypy pierwszy z chromosomów na prawo od punktu w pierwszym genotypie i na lewo w genotypie drugim oraz drugi z dwóch pozostałych.

Krzyżowanie dwupunktowe - spośród dwóch genotypów losowo wybieramy dwa punkty, następnie część pomiędzy tymi punktami jest zamieniana pomiędzy genotypami.

Krzyżowanie n-punktowe - uogólnienie powyższych krzyżowań dla n punktów.

Krzyżowanie zamiana w drzewie - genotyp może być reprezentowany jako drzewo, w tej metodzie zamieniamy ze sobą dwa poddrzewa, tworzone są tylko prawidłowe rozwiązania, jednak jest to metoda wymagająca większej ilości obliczeń.

Mutacja: Mutacja punkowa - dowolna wartość w tablicy zostaje zmieniona na inną losową wartość. Pozostałe produkcje pozostają niezmienione.

2.5. Gramatyka

Mutacja zamiana w drzewie - genotyp może być reprezentowany jako drzewo, w tej metodzie tworzone jest nowe poddrzewo, przy tej metodzie tworzone są tylko prawidłowe rozwiązania, jednak jest to metoda wymagająca większej ilości obliczeń.

2.4.2. Ewolucja genetyczna a inne algorytmy uczenia maszynowego

Algorytmy genetyczne pozwalają przeszukać najszerszą przestrzeń rozwiązań. Pozwalają na znajdowanie nieoczywistych rozwiązań. Inna heurystyką, która używa losowo rozwiązuje problem jest simulated annealing. Algorytm genetyczny jest łatwy w zrównogleniu i pozwala znaleźć globalne rozwiązanie. Sieci neuronewe: Pula rozwiązań zamiast jednego rozwiązywania. Szersze przeszukiwanie rozwiązań.

2.4.3. Ewolucja gramatyczna

Ewoluuje gramatykę za pomocą metod ewolucji genetycznej w celu znalezienia programu, który najlepiej rozwiązuje problem. Podejście to zostało zaproponowane w [7].

2.5. Gramatyka

2.5.1. BNF

Backus-Naur from jest notacją używaną do kodowaniu gramatyk bezkontekstowych.

Gramatyka bezkontekstowa -

Gramtyka $G=(N,\Sigma,P,S)$ -

2.5.2. Tworzenie gramatyki pod kątem ewolucji

W celu ograniczenia niepotrzebnych obliczeń gramatyka powinna tworzyć jak najmniej niewłaściwych rozwiązań. Tworząc gramatykę pod kątem wykorzystania jej w procesie ewolucji ważne jest, żeby ilość produkcji jak najlepiej odzwierciedlała jak często chcemy uzyskać dany stan. Stosując operator mutacji możemy uzyskać genotypy, które nie należą do języka, czyli nie są właściwym rozwiązaniami. Żeby ograniczyć zbędne obliczenia gramatyka powinna minimalizować szansę na to, że zamieniając produkcję na dowolną inną dostępną dla danego symbolu produkcję uzyskamy słowo które nie należy do języka. Przykład: a+b <e> = aSe | b <S> = + | -

```
<e> = aee | b | + | -
Produkcja 1:
<e> -> aSe -> a+e -> a+b Produkcja 2: <e> -> aee -> a+e -> a+b
```

Jeśli w kroku a+e zajdzie mutacja, może uzyskać gramatykę np. a+-, która nie należy do języka, dlatego pierwsza gramatyka jest lepsza.

14 2.5. Gramatyka

3. Projekt i implementacja

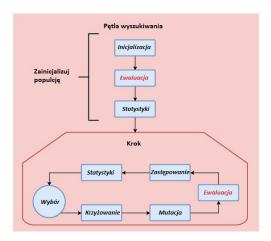
3.1. Wykorzystane technologie

3.1.1. Python 3.8.1

Do implementacji algorytmu został użyty Python. Jest to najpopularniejszy język programowania w domenie uczenia maszynowego. Wymagana jest wersja 3.8+ ze względu na użycie w implementacji metod dostępnych od tej wersji.

3.1.2. PonyGE2

PonyGE2 [9] jest implementacja ewolucji genetycznej w języku Python. Pozwala na łatwa konfiguracje parametrów ewolucji genetycznej oraz możliwość dodania własnych problemów oraz sposobów ewaluacji wyników.



Rys. 3.1. Pętla wyszukiwania

3.2. Tworzenie gramatyki procesu biznesowego

Przy tworzeniu gramatyki procesu biznesowego ważnym jest, żeby znaleźć balans, jeśli chodzi o poziom skomplikowania zaproponowanej gramatyki. W pracy [10] autorzy przeanalizowali składniki języka BPMN pod kątem częstotliwości ich stosowania. z pracy wynika, że najczęściej stosowany elementami modelów procesu biznesowego, jeśli chodzi o bramki są: xor, and oraz pętle lop. Do przedstawionej poniżej gramatyki dodano także bramkę opt, czyli or jako uogólnienie bramki xor w celu uniknięcia zagnieżdżonych bramek xor. Ponadto koniecznym jest posiadanie bramki seq, która oznacza normalny przepływ procesów.

Zapis GE_RANGE:n jest rozszerzenie do gramatyki zapewnianym przez PonyGE2, które umożliwia dodanie ilości zmiennych, czyli GE_RANGE:2 oznacza 0l1l2. Wzorując się na Zapis GE_RANGE:dataset_vars jest rozszerzenie do gramatyki zapewnianym przez PonyGE2, które umożliwia dodanie ilości zmiennych odpowiadającej ich ilości w zbiorze danych.

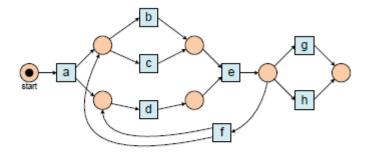
Listing 3.1. Gramatyka procesu biznesowego

Przykład wygenerowanej gramatyki: and({d}opt({f})and({a}{c})lop(seq(lop({a}){e})))

Wszystkie bramki mają nazwy tej samej długości - 3 znaki, co pozwoli na łatwiejsze parsowanie gramatyki.

longate - oznacza pętle Poniższy przykład pokazuje gramatykę, którą ciężko opisać przy pomocy podstawowych bramek logicznych:

Jest to możliwe za pomocą notacji: $\{a\}$ and $(xor(\{b\}\{c\})\{d\})\{e\}$ lop $(\{f\}$ and $(xor(\{b\}\{c\})\{d\})\{e\})$ xor $(\{g\}\{h\})$ Użycie powyższej notacji rodzi jednak kilka problemów, Musimy mieć produkcje $\{a\}$ lo $\{(\{f\}\}$ and $(xor(\{b\}\{c\})\{d\})\{e\})$ xor $\{\{g\}\{h\}\}$



Rys. 3.2. Przykład problemu

18 3.3. Projekt systemu

3.3. Projekt systemu

3.3.0.1. Podział na moduły

Implementację podzielone na następujące moduły:

- wrappers PonyGE2 nie jest przystosowane do zaimportowania jako biblioteka, dlatego żeby oddzielić kod PonyGE2 od naszego kodu należało rozszerzyć lub nadpisać cześć z modułów PonyGE2. Moduły, które nadpisano to params, który zawiera konfigurację aplikacji oraz grammar, gdzie dodano zmiany w jaki sposób parsowana jest podana gramatyka.
- fitness_functions zawiera klasę bazowy moduł, gdzie znajduje się bazowa klasa dla obliczania metryk
- process_discovery moduł zawiera całą logikę obliczenia metryk

```
itness_functions
    🛵 __init__.py
    🛵 process_fitness.py
process_discovery
 evaluation
   > alignment_calculation
   > complexity_calculation
   > Imageneralization_calculation
   > precision_calculation
   > m simplicity_calculation
       🛵 __init__.py
       the metrics_calculation.py
> De event
  exception
> 🗖 gate
> 🖿 log
   util 🖿
   🛵 __init__.py
wrappers
    🛵 __init__.py
    [ grammar_wrapper.py
    🛵 params_wrapper.py
 🛵 __init__.py
 🛵 main.py
```

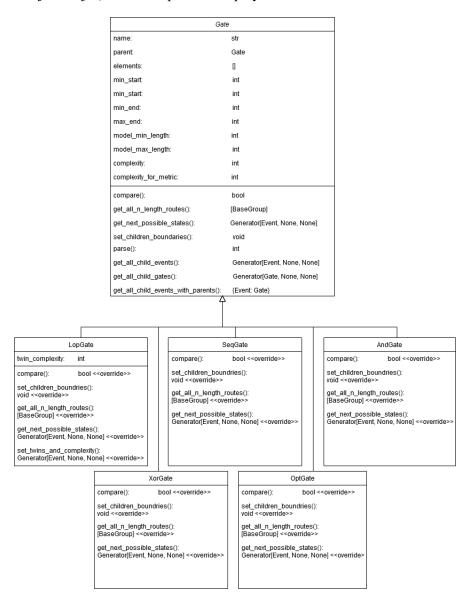
Rys. 3.3. Podział na moduły

3.3. Projekt systemu 19

3.3.0.2. Model

Podział na dwie klasy przydatne na różnym etapie procesowania:

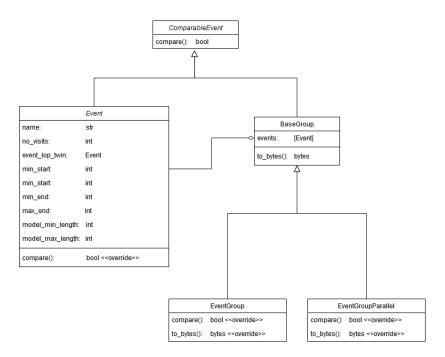
Gate: Gramatyka zostaje sparsowana na to klasa. Pozwala to zastąpić proces w formie ciągu znaków na formę, na której łatwiej będzie nam operować w przyszłość.



Rys. 3.4. Gate UML

EventGroup: Obliczanie metryk dla klasy Gate byłoby utrudnione z uwagi na duża ilość bramek logicznych Takie modularne podejście pozwala na dodanie nowych bramek logiczny bez konieczności zmieniana metody obliczanie dopasowania, która jest najbardziej złożonym algorytmem występującym w programie.

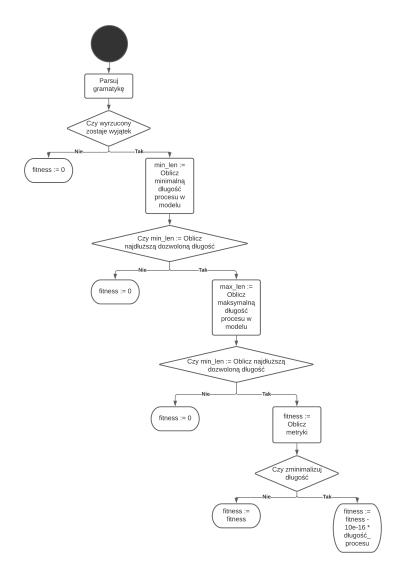
3.3. Projekt systemu



Rys. 3.5. Event UML

3.4. Implementacja

3.4.0.1. Ogólny schemat blokowy



Rys. 3.6. Ogólny schemat blokowy

3.4.0.2. Parsowanie gramatyki

Parser pozwala na przetworzenie wyników uzyskanych na drodze ewolucji gramatycznej na postać, na której łatwiej będzie operować. Rezultaty uzyskane na drodze rewolucji gramatycznej w PonyGE2 są w formie tekstowej, z którą praca byłaby niewygodna, dlatego używamy parsera, żeby otrzymać wynik w postaci drzewa obiektów Gate, którego liśćmi będą obiekty Event. Parsując korzystamy z faktu, że przy projektowaniu gramatyki wszystkie bramki logiczne zostały oznaczone 3 literowymi symbolami, a wszystkie zdarzenia otoczone nawiasami klamrowymi. Tworząc każdy obiekt Event dodajemy informację o liczbie dzieci tego obiektu, co przyda nam się przy obliczaniu metryki precyzja.

```
def parsuj(wyrażenie: str) -> int:
   for i w zakresie długość_wyrażenia:
      if wyrażenie[i] == "{":
         zdarzenie := Event(wyrażenia[i + 1])
         dodaj zdarzenie do aktualnie parsowanej bramki
      elif wyrażenie[i] == ")":
         return i+1
      elif i+4 < długość_wyrażenia:
          if wyrażenie[i:i + 3] == "seq" and (self.name == "seq" or self.name == "lop"):
             usuń_niepotrzebe_bramki
          else:
             if wyrażenie[i:i+2] == 'lo' and wyrażenie[i:i+3] != 'lop':
                bramka := stwórz nową bramkę Gate typu zgodnego z wyrażeniem
                i += 3
                przeparsowane_znaki = bramka.parsuj(wyrażenie[i+4:])
                if self.name == "seq" or self.name == "lop":
                   if int(wyrażenie[i+2]) <= długpść(gate.elementy):</pre>
                      for x in gate.elementy[int(wyrażenie[i+2]):]:
                         self.dodaj_element(x)
                dodaj zdarzenie do aktualnie parsowanej bramki
                i += ilość_przeparsowanych_znaków
             else:
                bramka := stwórz nową bramkę Gate typu zgodnego z wyrażeniem
                przeparsowane_znaki = bramka.parsuj(wyrażenie[i+4:])
                dodaj zdarzenie do aktualnie parsowanej bramki
                i += ilość_przeparsowanych_znaków
       else:
          wyrzuć wyjątek
```

Listing 3.2. Parser gramatyki

3.4.0.3. Obliczanie metryk

Mając już sparsowany model musimy obliczyć metryki. Najbardziej problematyczną metryką do obliczenia jest dopasowanie. Obliczanie dopasowanie można rozbić na następujące kroki:

- Znalezienie ścieżek o długości n w modelu.
- Przerobienie ścieżek na postać zawierającą BaseGroup.
- Obliczenie dopasowania.

Metryką, która nie wymaga obliczenia dopasowania jest prostota, dlatego możemy ją obliczyć wcześniej co przy niskim wyniku pozwala na wstępne odrzucenie części rezultatów bez konieczności kosztownego obliczania dopasowania. Pozostałe metryki wymagają obliczenia dopasowania i są obliczane dla najlepiej dopasowanej gramatyki. Łatwo można zauważyć, że jeżeli zdarzenie znajduję się w logu, a nie znajduje się w modelu dopasowanie nie będzie dobre. Pozwala to odrzucić rezultaty, które nie przekraczają progu.

```
def oblicz_metryki(log_info, model, najkrótsza_dozwolona_długość,
                   najdłuższa_dozwolona_długość, cache) -> int:
  metryki['PROSTOTA'] := oblicz_metryke_prostota(lista_zdarzeń_w_procesie),
      unikalne_zdarzenia_w_logu)
  if metryki['PROSTOTA'] < 2/3:</pre>
     return 0
  stosunek_wspólnych_zdarzeń_w_logu_i_modelu :=
      oblicz_stosunek_wspólnych_zdarzeń_w_logu_i_modelu()
      if stosunek_wspólnych_zdarzeń_w_logu_i_modelu <</pre>
        MINIMALNY_STOSUNUK_WSPÓLNYCH_ZDARZEŃ_W_LOGU_I_MODELU:
      return stosunek_wspólnych_zdarzeń_w_logu_i_modelu/10
  idealnie_dopasowane_logi := pusty_słownik
  skumulowany_błąd := 0
  for proces w log:
      najlepszy_bład_lokalny, najlepiej_dopasowana_ścieżka, najlepszy_process :=
     oblicz_metryki_dla_jednego_procesu(proces, model, minimalna_długość,
     maksymalna_długość, cache)
      if jakikolwiek proces w najlepiej_dopasowanej_ścieżce nie znajduje się w modelu:
         value, best_aligned_process = obilcz_dopasowanie_bez_cache(best_event_group,
            list(process), dict())
        best_local_error = calculate_alignment_metric(value, oblicz_długość(proces),
            oblicz_długość (best_event_group))
      if najlepszy_błąd_lokalny == 0:
         idealnie_dopasowane_logi.dodaj()[tuple(best_aligned_process)] =
         log_info.log[process]
      add_executions(model_events_list, best_aligned_process, log_info.log[process])
  metryki := oblicz_metryki
  najlepszy_wynik := oblicz_średnia_ważona_metryk
  return najlepszy_wynik
```

Listing 3.3. Obliczanie metryk

3.4.0.4. Obliczanie metryk dla jednego procesu

Ważnym jest, żeby jak najbardziej ograniczyć zbędne obliczenia.

```
def oblicz_metryki_dla_jednego_procesu(proces, model, najkrótsza_dozwolona_długość,
                                                najdłuższa_dozwolona_długość, cache):
  dłogość_procesu := oblicz_długość(proces)
  n := dłogość_procesu
  i := 1
  minimalny_błąd_dopasowania := -(dłogość_procesu + model.model_min_length)
  while not (dolny_limit_osiagniety and gorny_limit_osiagniety):
      if n >= min(oblicz_maksymalna_dozwolona_długość(dłogość_procesu),
                  dłogość_procesu - minimalny_błąd_dopasowania):
         górny_limit_osiagniety := True
         n += (-i \text{ if } i \% 2 == 1 \text{ else } i); i += 1
         continue
      if n <= max(oblicz_minimalna_dozwolona_długość(dłogość_procesu),
                  dłogość_procesu + minimalny_błąd_dopasowania):
         dolny_limit_osiagniety := True
         n += (-i if i % 2 == 1 else i); i += 1
         continue
      if najkrótsza_dozwolona_długość <= n <= najdłuższa_dozwolona_długość:
         ustaw_najwcześniejsze_i_najpóźniejsze_wystapienie_zdarzenia(model, n)
         ścieżki = model.znajdź_wszystkie_ścieżki_długości_n(n, proces)
         if ścieżki istnieją:
            for ścieżka in ścieżki:
               procent_wspólnych_zdarzeń := oblicz_procent_wspólnych_zdarzeń_
                  w_modelu_i_logu(ścieżka, proces)
               if procent_wspólnych_zdarzeń >= 1 - TOLERANCJA:
                  dodaj sćiezkę do lista_ścieżek_do_obliczenia
            posortowane_ścieżki := posortuj lista_ścieżek_do_obliczenia
            for ścieżka in posortowane_ścieżki:
               if procent_wspólnych_zdarzeń <= 1 + minimalny_błąd_dopasowania /</pre>
                  długość_procesu:
                  break
               błąd_dopasowania, najlepsze_dopasowane_zdarzenia, jest_z_cache :=
                  oblicz_najlepsze_dopasowanie_z_cache (ścieżka, proces, cache)
               if błąd_dopasowania > minimalny_błąd_dopasowania:
                  minimalny_błąd_dopasowania := błąd_dopasowania
                  najlepsze_dopasowane_zdarzenia := dopasowane_zdarzenia
                  najlepsza_ścieżka := scieżka
                  jest_najlepszy_z_cache := jest_z_cache
               if błąd_dopasowania == 0:
                  return minimalny_błąd_dopasowania, najlepsze_dopasowane_
                          zdarzenia, najlepsza_ścieżka, jest_najlepszy_z_cache
      n += (-i \text{ if } i \% 2 == 1 \text{ else } i); i += 1
   return minimalny_błąd_dopasowania, najlepsze_dopasowane_zdarzenia,
          najlepsza_ścieżka, jest_najlepszy_z_cache
```

Listing 3.4. Obliczanie metryk dla jednego procesu

3.4.0.5. Wyszukiwanie w modelu procesów o określonej długości

Łatwiejszym jest znalezienie wszystkich ścieżek o określonej długości. Algorytm rekurencyjny. Implementacja różni się w zależności od przeszukiwanej bramki logicznej. Poniżej zaprezentowano przykład dla bramki.

```
def znajdź_wszystkie_ścieżki_długości_n(n, proces) -> []:
   if n == 0:
        return []
    if self.model_max_length < n or n < self.model_min_length:</pre>
   min_lengths = self.get_children_min_length()
   max_lengths = self.get_children_max_length()
   global_list = []
    for elem in self.elements:
        local_list = []
        if isinstance(elem, Event):
            local_list.append(elem)
            min_lengths.pop(0)
            max_lengths.pop(0)
        else:
            lower_limit, upper_limit = self.get_goal_length_range(n, global_list, min_lengths, max_l
            for i in range(lower_limit, upper_limit + 1):
                try:
                    child_all_n_length_routes = elem.get_all_n_length_routes(i, process)
                except ValueError:
                    return None
                if child_all_n_length_routes is not None:
                    local_list.append(child_all_n_length_routes)
        if local_list:
            global_list.append(local_list)
    result = []
    if global_list:
        for elem in flatten_values(global_list):
            if self.check_length(n, elem):
                if n == 1:
                    # because always 1 elem list
                    result.append(elem[0])
                else:
                    self.check_valid_for_get_n_length(elem)
                    result.append(EventGroupParallel(elem))
    if result:
        return result
    else:
        return None
```

Listing 3.5. Wyszukiwanie procesów o długości n

3.4.0.6. Obliczanie dopasowania

Pomysł zaczerpnięty z algorytmu Needlessmann-Wunsch [11], który jest uogólnieniem odległości Levenshteina. Tworzymy macierz o wymiarach długość modelu i długość logu, w której obliczać będziemy rozwiązania. Rozwinięty o możliwość przeszukiwania modelu rekurencyjnie oraz o możliwość podawania listy równoległych zdarzeń.

```
def oblicz_dopasowanie(model, log):
   blad := {'DOPASOWANIE': 0, 'BRAK_DOPASOWANIA': -2, 'PRZERWA': -1}
   m = długość (model) + 1 # Macierz rozwiązań ilość wierszy.
   n = długość(log) + 1 # Macierz rozwiązań ilość kolumn.
   najlepiej_dopasowana_ścieżka := [None] * m
   macierz_rozwiazań := Zainicjalizuj macierz zerami
   # Wypelnij osie macierzy właściwymi wartościami
   for j in range(n):
       macierz_rozwiązań[0][j] := błąd['PRZERWA'] * j
   for i in range (1, m):
       if should_go_recurrent(model[i-1]):
           macierz_rozwiązań[i], najlepiej_dopasowana_ścieżka_podmodelu[i] :=
           dopasowanie_rekurencyjne(macierz_rozwiazań[i - 1], model[i - 1],
                                     [x for x in odwrócone_substringi(log)], i)
       elif długość (model[i-1]) > 1:
           macierz_rozwiązań[i], najlepiej_dopasowana_ścieżka_podmodelu[i] :=
           dopasowanie_równoległe(macierz_rozwiazan[i - 1], model[i - 1],
                                   [x for x in odwrócone_substringi(log)], kara, i)
       else:
           macierz_rozwiazań[i][0] := macierz_rozwiazań[i-1][0] + kara['PRZERWA']
           dopasowanie (macierz_rozwiazań, model[i - 1], log, kara, i, n)
   ścieżka := znajdź_ściezkę (macierz_rozwiązań, błąd['PRZERWA'], model,
   log, najlepiej_dopasowana_ścieżka_podmodelu)
   return macierz_rozwiązań[m-1], najlepiej_dopasowana_ścieżka
```

Listing 3.6. Obliczanie dopasowania

3.4.0.7. Znajdowanie ścieżki w modelu

Potrzebne do obliczenia precyzji oraz generalizacji.

```
def znajdź_sciezkę(macierz_rozwiązań, model, log, rozwiązania_podmodeli):
   sciezka = []
   while i != 0:
       długość_grupy_zdarzeń = długość (model[i - 1])
       if model_results_local[i] is not None:
           znaleziono_dopasowanie := False
           if macierz_rozwiązań[i][j] == macierz_rozwiązań[i - 1][j] + długość_grupy zdarzeń *
                [model_result.append(None) for _ in range(długość_grupy_zdarzeń)]
               macierz_rozwiązań[i][j] := 0
                i -= 1
           else:
                for k in range(j):
                    zdarzenia := get_not_none(model_results_local[i][k]
                    [dlugość (model_results_local[i][k]) - (j-k)], log)
                    if macierz_rozwiązań[i][j] == macierz_rozwiązań[i - 1][k] +
                        (długość_grupy_zdarzeń + (j-k) - 2 * długość(processes)) * błąd['PRZERW
                        [model_result.append(x) for x in processes]
                        for x in processes:
                            log = log.replace(x.name, "", 1)
                        [model_result.append(None)
                         for _ in range(długość_grupy_zdarzeń - len(processes))]
                        macierz_rozwiązań[i][j] = 0
                        i -= 1; j = k
                        znaleziono_dopasowanie = True
                        break
                if not znaleziono_dopasowanie:
                    if macierz_rozwiązań[i][j] == macierz_rozwiązań[i][j - 1] + błąd[/PRZERWA']
                        macierz_rozwiązań[i][j] = 0
                        j -= 1
       else:
            if macierz_rozwiązań[i][j] == macierz_rozwiązań[i - 1][j] + kara:
                model_result.append(None)
               macierz_rozwiązań[i][j] := 0
           elif macierz_rozwiązań[i][j] == macierz_rozwiązań[i][j - 1] + kara:
                macierz_rozwiązań[i][j] := 0
                j -= 1
           elif macierz_rozwiązań[i][j] == macierz_rozwiązań[i - 1][j - 1]:
                model_result.append(model[i-1])
                log = log.replace(model[i-1].name, "", 1)
                macierz_rozwiązań[i][j] := 0
                i -= 1; j -= 1
   return sciezka
```

Listing 3.7. Znajdowanie ścieżki w modelu

3.4.0.8. Cache

W sytuacji kiedy wiele obliczeń się powtarza można znacząca przyspieszyć czas działania aplikacji poprzez zastosowanie cachowania. W przypadku naszego algorytmu można zauważyć dwa miejsca, w których często dochodzi to powtórzeń: Poprzednio obliczone rozwiązanie może się powtórzyć. W tym wypadku możemy skorzystać z cache genotypów, dostarczane przez bibliotekę PonyGE2. Podczas obliczania dopasowania, które jest najbardziej kosztownym obliczeniem. Ponadto z uwagi na duża ilość obliczeń, żeby ograniczyć rozmiar cache zaimplementowano cachowanie LRU.

3.5. Wybór parametrów algorytmu

Wybór parametrów algorytmu ma ogromny wpływ na jakość i szybkość znalezienia rozwiązania. Jest kilka zasad, którymi należy się kierować przy tym wyborze właśnie.

Włącza cache:

CACHE: True

CODON_SIZE: 100000

Ilość wątków procesora: CORES: 4

CROSSOVER: subtree

CROSSOVER_PROBABILITY: 0.75

DEBUG: False ELITE SIZE: 30

GENERATIONS: 100000

MAX_GENOME_LENGTH: 500

GRAMMAR_FILE: process-subtree.bnf

INITIALISATION: PI_grow INVALID_SELECTION: False LOOKUP_FITNESS: True

MAX_INIT_TREE_DEPTH: 13

MAX_TREE_DEPTH: 21

MULTICORE: True

MULTI OBJECTIVE: False

MUTATION: subtree
MUTATION_EVENTS: 1
POPULATION_SIZE: 500

FITNESS_FUNCTION: process_fitness

REPLACEMENT: generational

SAVE_STATE_STEP: 10
SELECTION: tournament
TOURNAMENT SIZE: 16

VERBOSE: True MAX_WRAPS: 3

ALIGNMENT_CACHE_SIZE: 32*1024

DATASET: discovered-processes.csv

MAX_ALLOWED_COMPLEXITY_FACTOR: 300

MINIMIZE_SOLUTION_LENGTH: True RESULT_TOLERANCE_PERCENT: 5

TIMEOUT: 5

Rekomendowane wagi poszczególnych metryk: WEIGHT_ALIGNMENT: 8

WEIGHT_COMPLEXITY: 2

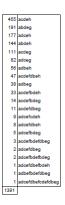
WEIGHT_GENERALIZATION: 2

WEIGHT_PRECISION: 2 WEIGHT_SIMPLICITY: 2

4. Dyskusja rezultatów

4.1. Przykładowe wyniki

Metoda została przetestowana dla dziennika zdarzeń:



Rys. 4.1. Dziennik zdarzeń

- 4.2. Porównanie z innymi algorytmami
- 4.3. Wyniki w zależności od przyjętych metryk
- 4.4. Wnioski

36 4.4. Wnioski

5. Podsumowanie

Bibliografia

- [1] Thomas H Davenport. *Process innovation: reengineering work through information technology*. Harvard Business Press, 1993.
- [2] Michael Hammer i James Champy. "Reengineering the corporation: A manifesto for business revolution". W: *Business Horizons* 36.5 (1993), s. 90–91. ISSN: 0007-6813. DOI: https://doi.org/10.1016/S0007-6813(05)80064-3.
- [3] Ivar Jacobson, Maria Ericsson i Agneta Jacobson. *The Object Advantage: Business Process Reengineering with Object Technology*. USA: ACM Press/Addison-Wesley Publishing Co., 1994. ISBN: 0201422891.
- [4] Hans-Erik Eriksson i Magnus Penker. *Business Modeling With UML: Business Patterns at Work.* 1st. USA: John Wiley i Sons, Inc., 1998. ISBN: 0471295515.
- [5] Geary A. Rummler i Alan P. Brache. *Improving performance: how to manage the white space on the organization chart.* Jossey-Bass, 1995.
- [6] J. C. A. M. Buijs, B. F. van Dongen i W. M. P. van der Aalst. "Quality Dimensions in Process Discovery: The Importance of Fitness, Precision, Generalization and Simplicity". W: International Journal of Cooperative Information Systems 23.01 (2014), s. 1440001. DOI: 10.1142/S0218843014400012.
- [7] Conor Ryan, Jj Collins i Michael O Neill. "Grammatical evolution: Evolving programs for an arbitrary language". W: Lecture Notes in Computer Science Genetic Programming (1998), 83–96. DOI: 10.1007/bfb0055930.
- [8] John R. Koza. Genetic Programming: On the Programming of Computers by Means of Natural Selection. Cambridge, MA, USA: MIT Press, 1992. ISBN: 0262111705.
- [9] Michael Fenton i in. "PonyGE2". W: Proceedings of the Genetic and Evolutionary Computation Conference Companion (2017). DOI: 10.1145/3067695.3082469.
- [10] Michael zur Muehlen i Jan Recker. "How Much Language Is Enough? Theoretical and Practical Use of the Business Process Modeling Notation". W: Advanced Information Systems Engineering. Red. Zohra Bellahsène i Michel Léonard. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg, 2008, s. 465–479. ISBN: 978-3-540-69534-9.

40 BIBLIOGRAFIA

[11] Saul B. Needleman i Christian D. Wunsch. "A general method applicable to the search for similarities in the amino acid sequence of two proteins". English (US). W: *Journal of Molecular Biology* 48.3 (mar. 1970), s. 443–453. ISSN: 0022-2836. DOI: 10.1016/0022-2836(70)90057-4.