

# AKADEMIA GÓRNICZO-HUTNICZA IM. STANISŁAWA STASZICA W KRAKOWIE WYDZIAŁ ELEKTROTECHNIKI, AUTOMATYKI, INFORMATYKI I INŻYNIERII BIOMEDYCZNEJ

KATEDRA INFORMATYKI STOSOWANEJ

Praca dyplomowa inżynierska

Automatyczne odkrywanie procesów biznesowych przy użyciu programowania genetycznego Automated Business Process Discovery using Genetic Programming

Autor: Piotr Seemann Kierunek studiów: Informatyka

Opiekun pracy: dr inż. Krzysztof Kluza

Uprzedzony o odpowiedzialności karnej na podstawie art. 115 ust. 1 i 2 ustawy z dnia 4 lutego 1994 r. o prawie autorskim i prawach pokrewnych (t.j. Dz.U. z 2006 r. Nr 90, poz. 631 z późn. zm.): "Kto przywłaszcza sobie autorstwo albo wprowadza w błąd co do autorstwa całości lub części cudzego utworu albo artystycznego wykonania, podlega grzywnie, karze ograniczenia wolności albo pozbawienia wolności do lat 3. Tej samej karze podlega, kto rozpowszechnia bez podania nazwiska lub pseudonimu twórcy cudzy utwór w wersji oryginalnej albo w postaci opracowania, artystycznego wykonania albo publicznie zniekształca taki utwór, artystyczne wykonanie, fonogram, wideogram lub nadanie.", a także uprzedzony o odpowiedzialności dyscyplinarnej na podstawie art. 211 ust. 1 ustawy z dnia 27 lipca 2005 r. Prawo o szkolnictwie wyższym (t.j. Dz. U. z 2012 r. poz. 572, z późn. zm.): "Za naruszenie przepisów obowiązujących w uczelni oraz za czyny uchybiające godności studenta student ponosi odpowiedzialność dyscyplinarną przed komisją dyscyplinarną albo przed sądem koleżeńskim samorządu studenckiego, zwanym dalej «sądem koleżeńskim».", oświadczam, że niniejszą pracę dyplomową wykonałem(-am) osobiście i samodzielnie i że nie korzystałem(-am) ze źródeł innych niż wymienione w pracy.



# Spis treści

1.	Wpr	owadze	nie	7
	1.1.	Cele p	racy	7
	1.2.	Przegla	ąd prac	7
	1.3.	Zawart	tość pracy	7
2.	Wst	ep teoret	tyczny	9
	2.1.	Proces	y biznesowe	9
		2.1.1.	Procesy Biznesowe	9
		2.1.2.	Dzienniki zdarzeń	9
	2.2.	Model	owanie procesów biznesowych	9
	2.3.	Algory	tmy do wykrywania procesów biznesowych	9
	2.4.	Ewolu	cja genetyczna	9
	2.5.	Grama	tyka	9
		2.5.1.	BNF	9
		2.5.2.	Możliwe problemy przy tworzeniu gramatyki	9
	2.6.	Metryl	xi	9
		2.6.1.	Stopień złożoności	10
		2.6.2.	Odwzorowanie	10
		2.6.3.	Precyzja	10
		2.6.4.	Generalizacja	10
3.	Proj	ekt i imj	plementacja	11
	3.1.	Wykor	zystane technologie	11
		3.1.1.	Python 3.8.1	11
		3.1.2.	PonyGE2	11
	3.2.	Tworze	enie gramatyki procesu biznesowego	11
	3.3.	.3. Projekt systemu		13
	3.4.	4. Implementacja		13
	3.5.	.5. Wybór parametrów algorytmu		16

6 SPIS TREŚCI

4.	4. Dyskusja rezultatów		
	4.1.	Przykładowe wyniki	19
	4.2.	Porównanie z innymi algorytmami	19
	4.3.	Wyniki w zależności od przyjętych metryk	19
	4.4.	Wnioski	19
5.	Pods	umowanie	21

# 1. Wprowadzenie

- 1.1. Cele pracy
- 1.2. Przegląd prac
- 1.3. Zawartość pracy

8 1.3. Zawartość pracy

## 2. Wstęp teoretyczny

2.1. Proces	y biznesowe
-------------	-------------

- 2.1.1. Procesy Biznesowe
- 2.1.2. Dzienniki zdarzeń
- 2.2. Modelowanie procesów biznesowych
- 2.3. Algorytmy do wykrywania procesów biznesowych
- 2.3.0.1. Alpha algorithm
- **2.3.0.2.** The ILP Miner
- 2.3.0.3. Heuristic Miner
- 2.3.0.4. Multi-phase Miner
- 2.4. Ewolucja genetyczna

[1]

## 2.5. Gramatyka

- 2.5.1. BNF
- 2.5.2. Możliwe problemy przy tworzeniu gramatyki
- 2.6. Metryki

**10** 2.6. Metryki

- 2.6.1. Stopień złożoności
- 2.6.2. Odwzorowanie
- 2.6.3. Precyzja
- 2.6.4. Generalizacja

## 3. Projekt i implementacja

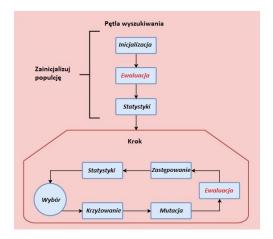
## 3.1. Wykorzystane technologie

#### 3.1.1. Python 3.8.1

Do implementacji algorytmu został użyty Python. Jest to najpopularniejszy język programowania w domenie uczenia maszynowego. Wymagana jest wersja 3.8+ ze względu na użycie w implementacji metod dostępnych od tej wersji.

#### 3.1.2. PonyGE2

PonyGE2 [3] jest implementacja ewolucji genetycznej w jezyku Python. Pozwala na latwa konfiguracje parametrow ewolucji genetycznej oraz latwa mozliwosc dodania wlasnych problemow oraz sposobow ewaluacji wynikow.



Rys. 3.1. Petla wyszukiwania

## 3.2. Tworzenie gramatyki procesu biznesowego

Przy tworzeniu gramatyki procesu biznesowego ważnym jest, żeby znaleźć balans, jeśli chodzi o poziom skomplikowania zaproponowanej gramatyki. W pracy [4] autorzy przenalizowali składniki języka BPMN pod kątem częstotliwości ich stosowania. z pracy wynika, że najczęściej stosowany elementami modelów procesu biznesowego, jeśli chodzi o bramki są: xor, and oraz pętle lop. Do przedstawionej poniżej gramatyki dodano także bramkę opt, czyli or jako uogólnienie bramki xor w celu uniknięcia zagnieżdżonych bramek xor. Ponadto koniecznym jest posiadanie bramki seq, która oznacza normalny przepływ procesów.

Zapis GE\_RANGE:dataset\_n\_vars jest rozszerzenie do gramatyki zapewnianym przez PonyGE2, ktore umożliwia dodanie ilosci zmiennych odpowiadającej ich ilosci w zbiorze danych.

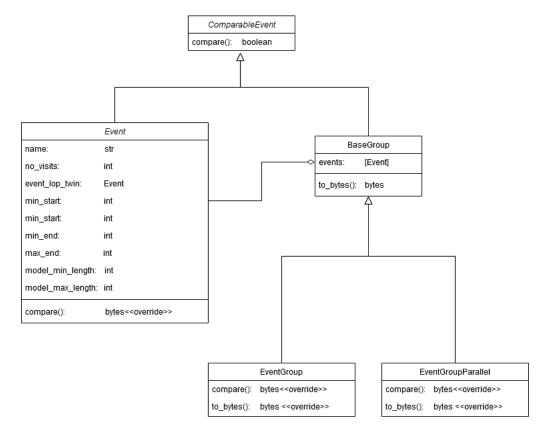
```
<e> ::= <anygateexceptseq>
<anygateexceptseq> ::= <anygateexceptseq> <anygateexceptseq> | <andgate> |
<xorgate> | <optgate> | <lopgate> | {<event>}
<anygate> ::= <anygate><anygate> | <andgate> | <xorgate> | <seqgate> | <optgate> |
<lopgate> | {<event>}
<andgate> ::= and(<anygate><anygate>)
<xorgate> ::= xor(<anygate><anygate>)
<seqgate> ::= seq(<anygateexceptseq><anygateexceptseq>)
<optgate> ::= opt(<anygatenosingleopt>)
<optdoublegate> ::= opt(<anygate><anygate>)
<anygatenosingleopt> ::= <anygate><anygate> | <andgate> | <xorgate> | <seqgate> |
<lopgate> | {<event>}
<lopgate> ::= lop(<anygatenosinglelop>)
<anygatenosinglelop> ::= <anygateexceptseq><anygateexceptseq> | <andgate> |
<xorgate> | <seqgate> | <optdoublegate> | {<event>}
<event> ::= GE RANGE:dataset n vars
```

Listing 3.1. Gramatyka procesu biznesowego

Przykład wygenerowanej gramatyki:  $and(\{d\}opt(\{f\})and(\{a\}\{c\})lop(seq(lop(\{a\})\{e\})))$ 

3.3. Projekt systemu 13

## 3.3. Projekt systemu

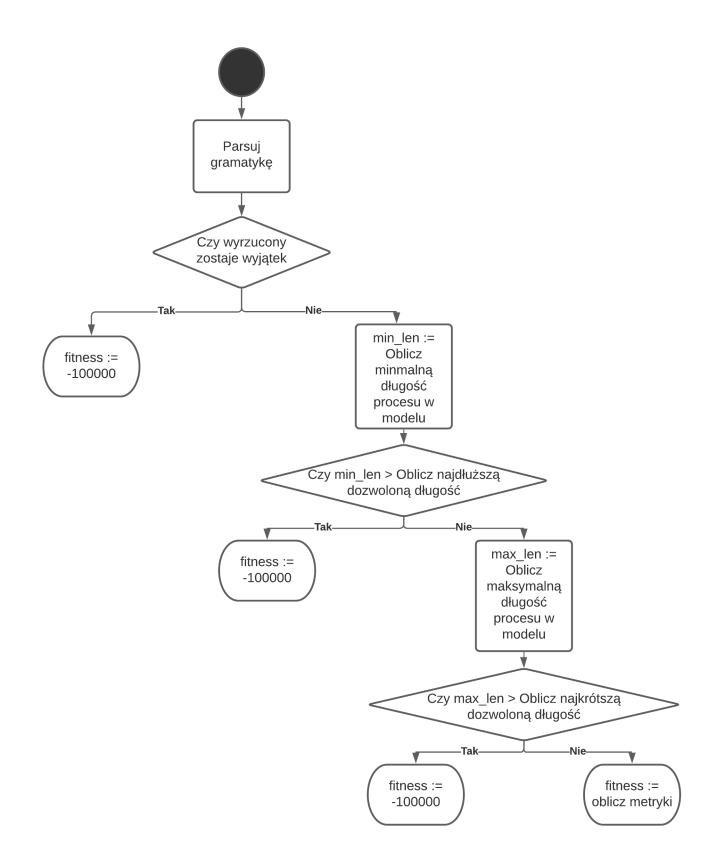


Rys. 3.2. Event UML

## 3.4. Implementacja

#### 3.4.0.1. Ogólny schemat blokowy

14 3.4. Implementacja



Rys. 3.3. Ogólny schemat blokowy

3.4. Implementacja

#### 3.4.0.2. Parsowanie gramatyki

Parser pozwala na przedtworzenie wyników uzyskanych na drodze ewolucji gramatycznej na postać, na której łatwiej będzie operować. Rezultaty uzyskane na drodze rewolucji gramatycznej w PonyGE2 są w formie tekstowej, z którą praca byłaby niewygodna, dlatego używamy parsera, żeby otrzymać wynik w postaci drzewa obiektów Gate, którego liśćmi będą obiekty Event. Parsując korzystamy z faktu, że przy projektowaniu gramtyki wszyskie bramki logiczne zostały oznaczone 3 literowymi symbolami, a wszystkie zdarzenia otoczone nawiasami klamrowymi. Tworząc każdy obiekt Event dodajemy informację o liczbie dzieci tego obiektu, co przyda nam się przy obliczaniu metryki precyzja.

```
def parsuj(wyrażenie: str) -> int:
   lokalnie_dodane_zdarzenia = []
    for i w zakresie długość_wyrażenia:
        if wyrażenia[i] == "{":
            zdarzenie := Event(wyrażenia[i + 1])
            dodaj zdarzenie do lokalnie_dodane_zdarzenia
            dodaj zdarzenie do aktualnie parsowanej bramki
            i += 2
        elif wyrażenia[i] == ")":
            return i+1
        elif i+4 < długość_wyrażenia:
            bramka := stwórz nową bramkę Gate typu zgodnego z wyrażeniem
            przeparsowane_znaki = bramka.parsuj(wyrażenie[i+4:])
            dodaj zdarzenie do aktualnie parsowanej bramki
            i += ilość_przeparsowanych_znaków
        else:
            wyrzuć wyjątek
    for zdarzenie w lokalnie_dodane_zdarzenia:
        zdarzenie.ilość_dzieci += 1
```

Listing 3.2. Parser gramatyki

#### 3.4.0.3. Obliczanie metryk

#### 3.4.0.4. Wyszukiwanie w modelu procesów o określonej długości

Algorytm rekurencyjny. Implementacja rózni się w zależności od przeszukiwanej branki logicznej.

#### 3.4.0.5. Obliczanie dopasowania

Pomysł zaczerpnięty z algorytmu Needlessmann-Wunsch [5], który jest uogólnieniem odległości Levenshteina. Rozwinięty o możliwość przeszukiwania modelu rekurencyjnie oraz o możliwość podawania listy równlogłych zdarzeń.

```
def oblicz_metryki(log, długość_logu, średnia_długość_procesu_w_logu, model,
                                   najkrótsza_dozwolona_długość,
                                   najdłuższa_dozwolona_długość) -> int:
   n = zaokrąglij(średnia_długość_process_w_logu)
   i = 1
   najlepszy_wynik = 0
   while n znajduje się pomiędzy największą i najmienjszą
          dopuszczalną długością logu:
        if najkrótsza_dozwolona_długość <= n <= najdłuższa_dozwolona_długość:
            procesy_o_dlugosci_n = model.wyszukaj_procesy_o_określonej_długości(n)
            wszystkie_procesy = model.wyszukaj_wszystkie_procesy
            wszyscy_rodzice_procesów = model.wyszukaj_wszystkich_rodziców_procesów
            if istnieją procesy_o_dlugosci_n:
                najlepszy_bład_lokalny = 0
                for elem w log:
                    minimalny_błąd_lokalny = 1023
                    for proces w procesy_o_dlugosci_n:
                        błąd_lokalny, ścieżka = oblicz_dopasowanie(event_group, elem)
                        if bład_lokalny < minimalny_bład_lokalny:</pre>
                            minimalny_bład_lokalny = bład_lokalny
                            najlpesza_ścieżka = ścieżka
                    najlepszy_błąd_lokalny += minimalny_błąd_lokalny
               oblicz metryki odwzorowanie, precyzja, generalizacja, prostota
               najlepszy_wynik_lokalny = suma_obliczonych_metryk / liczba_metryk
               if najlepszy_wynik_lokalny > najlepszy_wynik:
                   najlepszy_wynik = najlepszy_wynik_lokalny
        if i % 2 == 1:
            n -= i
        else:
            n += i
        i += 1
    return najlepszy_wynik
```

**Listing 3.3.** Obliczanie metryk

Listing 3.4. Wyszukiwanie procesów o długości n

#### 3.4.0.6. Znajdowanie ścieżki w modelu

Potrzebne do obliczenia precyzji oraz generazlizacji.

## 3.5. Wybór parametrów algorytmu

```
def oblicz_dopasowanie(model, log):
   kara = {'DOPASOWANIE': 0, 'BRAK_DOPASOWANIA': -2, 'PRZERWA': -1}
   wyniki_lokalne = [None] * dlugosc_macierzy_rozwiazan
   macierz_rozwiazan = Zainicjalizuj macierz zerami
   for i in range(m):
       macierz_rozwiazan[i][0] = kara['PRZERWA'] * i
   for j in range(n):
       macierz_rozwiazan[0][j] = kara['PRZERWA'] * j
   #Wypelnij osie macierzy wlasciwymi wartosciami
   for i in range(1, m):
       if should_go_recurrent(model[i-1]):
           al_mat[i], model_results_local[i] =
           recurrent_alignment(al_mat[i - 1], model[i - 1],
                                [x for x in substrings_of_string_reversed(log)], i)
       elif len(model[i-1]) > 1:
           al_mat[i], model_results_local[i] =
           parallel_alignment(al_mat[i - 1], model[i - 1],
                              [x for x in substrings_of_string_reversed(log)], kara, |i)
       else:
           al_mat[i][0] = al_mat[i-1][0] + penalty['GAP']
           basic_alignment(al_mat, model[i - 1], log, kara, i, n)
   model_results = get_all_tracebacks(al_mat, penalty['GAP'], model,
   log, model_results_local)
   return macierz_rozwiazan[m-1] #ostatnia linijka, model_results
```

Listing 3.5. Obliczanie dopasowania

```
def znajdz_sciezke(macierz_rozwiazan, model, log, rozwiazania_podmodeli):
    sciezka = []
    while i != 0:
        event_group_full_length = len(model[i - 1])
        if model_results_local[i] is not None:
            matched_flag = False
            if array[i][j] == array[i - 1][j] + event_group_full_length * penalty_gap:
                [model_result.append(None) for _ in range(event_group_full_length)]
                array[i][j] = 0
                i -= 1
            else:
                for k in range(j):
                    processes = get_not_none(model_results_local[i][k]
                     [len(model_results_local[i][k]) - (j-k)], log)
                    if array[i][j] == array[i - 1][k] +
                         (event_group_full_length + (j-k) - 2 * len(processes)) * penalty_gap:
                         [model_result.append(x) for x in processes]
                         for x in processes:
                             log = log.replace(x.name, "", 1)
                         [model_result.append(None)
                         for _ in range(event_group_full_length - len(processes))]
                        array[i][j] = 0
                        i -= 1
                         j = k
                        matched_flag = True
                        break
                if not matched_flag:
                    if array[i][j] == array[i][j - 1] + penalty_gap:
                        array[i][j] = 0
                         j -= 1
        else:
            if array[i][j] == array[i - 1][j] + penalty_gap:
                model_result.append(None)
                array[i][j] = 0
                i -= 1
            elif array[i][j] == array[i][j - 1] + penalty_gap:
                array[i][j] = 0
                j -= 1
            elif array[i][j] == array[i - 1][j - 1]:
                model_result.append(model[i-1])
                log = log.replace(model[i-1].name, "", 1)
                array[i][j] = 0
                i -= 1
                j -= 1
    return sciezka
P. Seemann Automatyczne odkrywanie procesów biznesowych przy użyciu programowania genetycznego
```

# 4. Dyskusja rezultatów

- 4.1. Przykładowe wyniki
- 4.2. Porównanie z innymi algorytmami
- 4.3. Wyniki w zależności od przyjętych metryk
- 4.4. Wnioski

**20** 4.4. Wnioski

# 5. Podsumowanie

## **Bibliografia**

- [1] John R. Koza. *Genetic Programming: On the Programming of Computers by Means of Natural Selection*. Cambridge, MA, USA: MIT Press, 1992. ISBN: 0262111705.
- [2] J. C. A. M. Buijs, B. F. van Dongen i W. M. P. van der Aalst. "Quality Dimensions in Process Discovery: The Importance of Fitness, Precision, Generalization and Simplicity". W: *International Journal of Cooperative Information Systems* 23.01 (2014), s. 1440001. DOI: 10.1142/S0218843014400012.
- [3] Michael Fenton i in. "PonyGE2". W: Proceedings of the Genetic and Evolutionary Computation Conference Companion (2017). DOI: 10.1145/3067695.3082469.
- [4] Michael zur Muehlen i Jan Recker. "How Much Language Is Enough? Theoretical and Practical Use of the Business Process Modeling Notation". W: *Advanced Information Systems Engineering*. Red. Zohra Bellahsène i Michel Léonard. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg, 2008, s. 465–479. ISBN: 978-3-540-69534-9.
- [5] Saul B. Needleman i Christian D. Wunsch. "A general method applicable to the search for similarities in the amino acid sequence of two proteins". English (US). W: *Journal of Molecular Biology* 48.3 (mar. 1970), s. 443–453. ISSN: 0022-2836. DOI: 10.1016/0022-2836(70)90057-4.