

AKADEMIA GÓRNICZO-HUTNICZA IM. STANISŁAWA STASZICA W KRAKOWIE WYDZIAŁ ELEKTROTECHNIKI, AUTOMATYKI, INFORMATYKI I INŻYNIERII BIOMEDYCZNEJ

KATEDRA INFORMATYKI STOSOWANEJ

Praca dyplomowa inżynierska

Automatyczne odkrywanie procesów biznesowych przy użyciu programowania genetycznego Automated Business Process Discovery using Genetic Programming

Autor: Piotr Seemann Kierunek studiów: Informatyka

Opiekun pracy: dr inż. Krzysztof Kluza

Uprzedzony o odpowiedzialności karnej na podstawie art. 115 ust. 1 i 2 ustawy z dnia 4 lutego 1994 r. o prawie autorskim i prawach pokrewnych (t.j. Dz.U. z 2006 r. Nr 90, poz. 631 z późn. zm.): "Kto przywłaszcza sobie autorstwo albo wprowadza w błąd co do autorstwa całości lub części cudzego utworu albo artystycznego wykonania, podlega grzywnie, karze ograniczenia wolności albo pozbawienia wolności do lat 3. Tej samej karze podlega, kto rozpowszechnia bez podania nazwiska lub pseudonimu twórcy cudzy utwór w wersji oryginalnej albo w postaci opracowania, artystycznego wykonania albo publicznie zniekształca taki utwór, artystyczne wykonanie, fonogram, wideogram lub nadanie.", a także uprzedzony o odpowiedzialności dyscyplinarnej na podstawie art. 211 ust. 1 ustawy z dnia 27 lipca 2005 r. Prawo o szkolnictwie wyższym (t.j. Dz. U. z 2012 r. poz. 572, z późn. zm.): "Za naruszenie przepisów obowiązujących w uczelni oraz za czyny uchybiające godności studenta student ponosi odpowiedzialność dyscyplinarną przed komisją dyscyplinarną albo przed sądem koleżeńskim samorządu studenckiego, zwanym dalej «sądem koleżeńskim».", oświadczam, że niniejszą pracę dyplomową wykonałem(-am) osobiście i samodzielnie i że nie korzystałem(-am) ze źródeł innych niż wymienione w pracy.



Spis treści

1.	Wpr	Wprowadzenie		
	1.1.	Cele p	oracy	7
	1.2.	2. Przegląd prac		
	1.3.	Zawar	tość pracy	7
2.	Wst	ęp teore	etyczny	9
	2.1.	Proces	sy biznesowe	9
		2.1.1.	Procesy Biznesowe	9
		2.1.2.	Dzienniki zdarzeń	9
	2.2.	Mode	lowanie procesów biznesowych	9
	2.3.	Algor	ytmy do wykrywania procesów biznesowych	9
	2.4.	Ewolu	ıcja genetyczna	9
		2.4.1.	Algorytmy genetyczne	9
		2.4.2.	Ewolucja genetyczna a inne algorytmy uczenia maszynowego	9
		2.4.3.	Ewolucja gramatyczna	9
	2.5. Gramatyka			
		2.5.1.	BNF	9
		2.5.2.	Możliwe problemy przy tworzeniu gramatyki	9
	2.6.	2.6. Metryki		9
		2.6.1.	Prostota	10
		2.6.2.	Odwzorowanie	10
		2.6.3.	Precyzja	10
		2.6.4.	Generalizacja	10
		2.6.5.	Złożoność	10
3.	Proj	ekt i im	plementacja	11
	3.1.	Wyko	rzystane technologie	11
		3.1.1.	Python 3.8.1	11
		312	PonyGE2	11

6 SPIS TREŚCI

5.	Podsi	umowanie	25
	4.4.	Wnioski	23
	4.3.	Wyniki w zależności od przyjętych metryk	23
	4.2.	Porównanie z innymi algorytmami	23
	4.1.	Przykładowe wyniki	23
4. Dyskusja rezultatów		usja rezultatów	23
	3.5.	Wybór parametrów algorytmu	18
	3.4.	Implementacja	14
	3.3.	Projekt systemu	14
	3.2.	Tworzenie gramatyki procesu biznesowego	11

1. Wprowadzenie

- 1.1. Cele pracy
- 1.2. Przegląd prac
- 1.3. Zawartość pracy

8 1.3. Zawartość pracy

2. Wstęp teoretyczny

- 2.1. Procesy biznesowe
- 2.1.1. Procesy Biznesowe
- 2.1.2. Dzienniki zdarzeń
- 2.2. Modelowanie procesów biznesowych
- 2.3. Algorytmy do wykrywania procesów biznesowych
- 2.3.0.1. Alpha algorithm
- **2.3.0.2.** The ILP Miner
- 2.3.0.3. Heuristic Miner
- 2.3.0.4. Multi-phase Miner
- 2.4. Ewolucja genetyczna
- 2.4.1. Algorytmy genetyczne

[1]

- 2.4.2. Ewolucja genetyczna a inne algorytmy uczenia maszynowego
- 2.4.3. Ewolucja gramatyczna
- 2.5. Gramatyka
- 2.5.1. BNF
- 2.5.2. Możliwe problemy przy tworzeniu gramatyki
- 2.6. Metryki

10 2.6. Metryki

2.6.1. Prostota

$$M_{pro} = 1 - \frac{ilosc\ duplikatow\ w\ modelu + ilosc\ brakujacych\ wartosci\ w\ modelu}{ilosc\ unikalnych\ zdarzen\ w\ logu + ilosc\ zdarzen\ w\ modelu}$$

2.6.2. Odwzorowanie

$$M_o = 1 - \sum_{n=-\infty}^{+\infty} \sqrt{2}$$

2.6.3. Precyzja

$$M_{pre} = 1 - \sum_{n=-\infty}^{+\infty} \sqrt{2}$$

2.6.4. Generalizacja

$$M_g = 1 - \sum_{n=-\infty}^{+\infty} \sqrt{2}$$

2.6.5. Złożoność

$$M_z = 1 - \sum_{n=-\infty}^{+\infty} \sqrt{2}$$

3. Projekt i implementacja

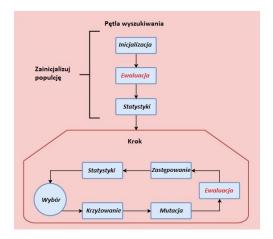
3.1. Wykorzystane technologie

3.1.1. Python 3.8.1

Do implementacji algorytmu został użyty Python. Jest to najpopularniejszy język programowania w domenie uczenia maszynowego. Wymagana jest wersja 3.8+ ze względu na użycie w implementacji metod dostępnych od tej wersji.

3.1.2. PonyGE2

PonyGE2 [3] jest implementacja ewolucji genetycznej w jezyku Python. Pozwala na latwa konfiguracje parametrow ewolucji genetycznej oraz latwa mozliwosc dodania wlasnych problemow oraz sposobow ewaluacji wynikow.



Rys. 3.1. Petla wyszukiwania

3.2. Tworzenie gramatyki procesu biznesowego

Przy tworzeniu gramatyki procesu biznesowego ważnym jest, żeby znaleźć balans, jeśli chodzi o poziom skomplikowania zaproponowanej gramatyki. W pracy [4] autorzy przenalizowali składniki języka BPMN pod kątem częstotliwości ich stosowania. z pracy wynika, że najczęściej stosowany elementami modelów procesu biznesowego, jeśli chodzi o bramki są: xor, and oraz pętlexe lop. Do przedstawionej poniżej gramatyki dodano także bramkę opt, czyli or jako uogólnienie bramki xor w celu uniknięcia zagnieżdżonych bramek xor. Ponadto koniecznym jest posiadanie bramki seq, która oznacza normalny przepływ procesów.

Zapis GE_RANGE:n jest rozszerzenie do gramatyki zapewnianym przez PonyGE2, ktore umożliwia dodanie ilosci zmiennych, czyli GE_RANGE:2 oznacza 0|1|2. Wzorując się na Zapis GE_RANGE:dataset_vars jest rozszerzenie do gramatyki zapewnianym przez PonyGE2, ktore umożliwia dodanie ilosci zmiennych odpowiadającej ich ilosci w zbiorze danych.

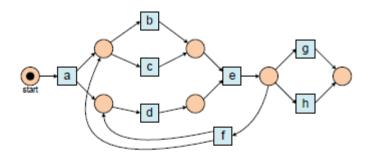
```
<e> ::= <anygateexceptseq>
<anyqateexceptseq> ::= <anyqateexceptseq><anyqateexceptseq> | <andqate> |
<xorgate> | <optgate> | <lopgate> | {<event>}
<anygate> ::= <anygate> | <andgate> | <xorgate> | <seqgate> | <optgate> |
<lopgate> | {<event>}
<andgate> ::= and(<anygate><anygate>)
<xorgate> ::= xor(<anygate><anygate>)
<seqgate> ::= seq(<anygateexceptseq><anygateexceptseq>)
<optgate> ::= opt(<anygatenosingleopt>)
<optdoublegate> ::= opt(<anygate><anygate>)
<anygatenosingleopt> ::= <anygate><anygate> | <andgate> | <xorgate> | <seqgate> |
<lopgate> | {<event>}
<lopgate> ::= lop(<anygatenosingleseqandlop>)
<longate> ::= lo<0_n>(<anygatenosingleseqandlop>)
<anyqatenosinglesegandlop> ::= <anyqateexceptseg><anyqateexceptseg> | <andqate> |
<xorgate> | <optdoublegate> | {<event>}
<event> ::= GE_RANGE:dataset_vars
<0_n> ::= GE_RANGE:2
```

Listing 3.1. Gramatyka procesu biznesowego

Przykład wygenerowanej gramatyki: $and(\{d\}opt(\{f\})and(\{a\}\{c\})lop(seq(lop(\{a\})\{e\})))$

Wszystkie bramki mają nazwy tej samej długości - 3 znaki, co pozwoli na łatwiejsze parsowanie gramatyki.

longate - oznacza pętle Poniższy przykład pokazuje gramatykę, którą ciężko opisać przy pomocy podstawowych bramek logicznych:

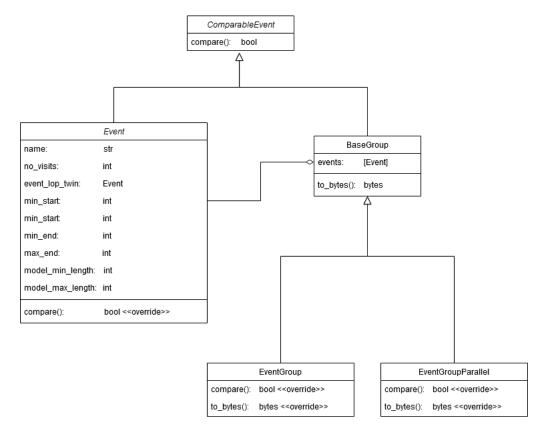


Rys. 3.2. Przykład problemu

Jest to możliwe za pomocą notacji: $\{a\}$ and $(xor(\{b\}\{c\})\{d\})\{e\}$ lop $(\{f\}$ and $(xor(\{b\}\{c\})\{d\})\{e\})$ xor $(\{g\}\{h\})$ Użycie powyższej notacji rodzi jednak kilka problemów, Musimy mieć produkcje $\{a\}$ lo $1(\{f\}$ and $(xor(\{b\}\{c\})\{d\})\{e\})$ xor $(\{g\}\{h\})$

3.3. Projekt systemu

3.3. Projekt systemu



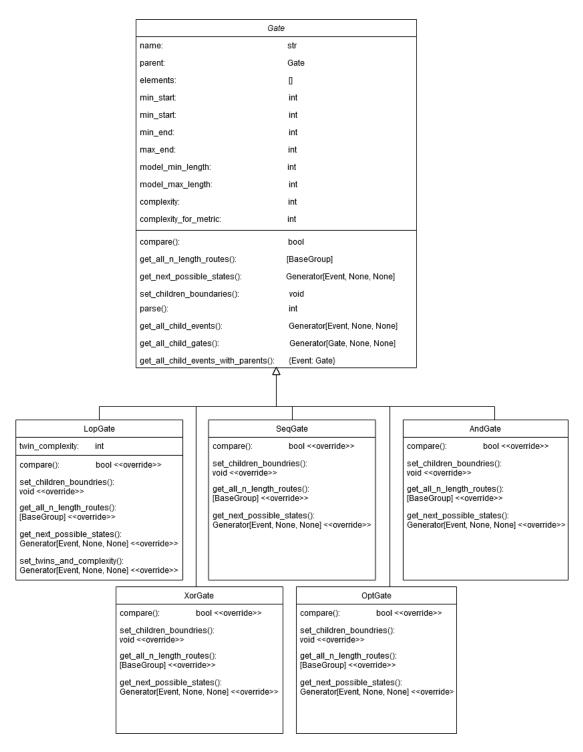
Rys. 3.3. Event UML

Gate costam

3.4. Implementacja

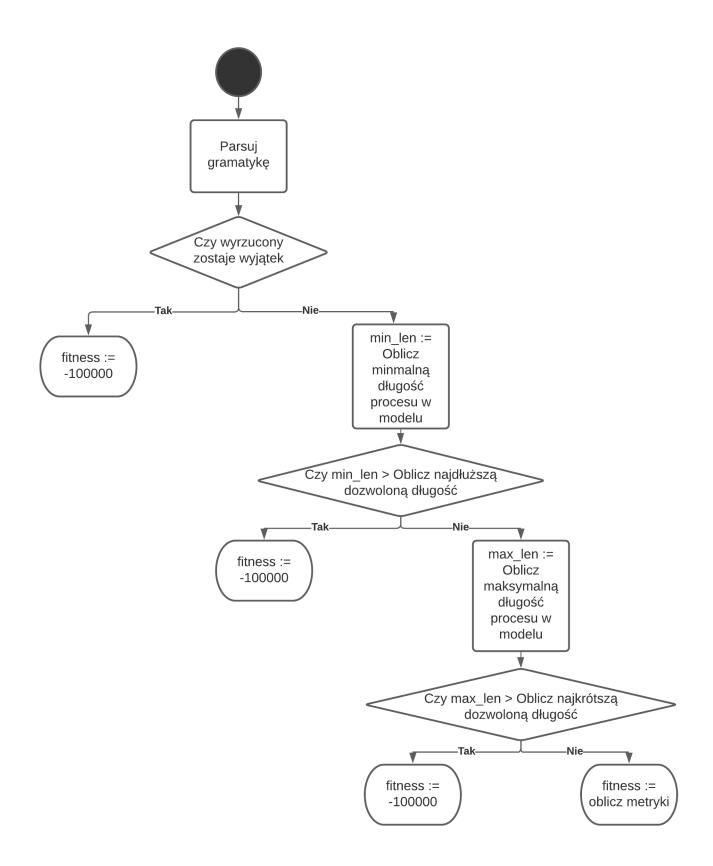
3.4.0.1. Ogólny schemat blokowy

3.4. Implementacja



Rys. 3.4. Gate UML

3.4. Implementacja



Rys. 3.5. Ogólny schemat blokowy

3.4. Implementacja

```
src
fitness_functions
      🛵 __init__.py
      process_fitness.py
  process_discovery
   evaluation
     > alignment_calculation
     > complexity_calculation
     > Imageneralization_calculation
     > precision_calculation
     > msimplicity_calculation
        🛵 __init__.py
        metrics_calculation.py
   > a exception
     gate gate
     log
    util
      🛵 __init__.py
  wrappers
      🛵 __init__.py
      ち grammar_wrapper.py
      🛵 params_wrapper.py
   🛵 __init__.py
   🛵 main.py
```

Rys. 3.6. Podział na moduły

3.4.0.2. Parsowanie gramatyki

Parser pozwala na przetworzenie wyników uzyskanych na drodze ewolucji gramatycznej na postać, na której łatwiej będzie operować. Rezultaty uzyskane na drodze rewolucji gramatycznej w PonyGE2 są w formie tekstowej, z którą praca byłaby niewygodna, dlatego używamy parsera, żeby otrzymać wynik w postaci drzewa obiektów Gate, którego liśćmi będą obiekty Event. Parsując korzystamy z faktu, że przy projektowaniu gramatyki wszystkie bramki logiczne zostały oznaczone 3 literowymi symbolami, a wszystkie zdarzenia otoczone nawiasami klamrowymi. Tworząc każdy obiekt Event dodajemy informację o liczbie dzieci tego obiektu, co przyda nam się przy obliczaniu metryki precyzja.

3.4.0.3. Obliczanie metryk

3.4.0.4. Wyszukiwanie w modelu procesów o określonej długości

Algorytm rekurencyjny. Implementacja rózni się w zależności od przeszukiwanej branki logicznej.

```
def parsuj(wyrażenie: str) -> int:

for i w zakresie długość_wyrażenia:
   if wyrażenia[i] == "{":
        zdarzenie := Event(wyrażenia[i + 1])
        dodaj zdarzenie do aktualnie parsowanej bramki
        i += 2
   elif wyrażenia[i] == ")":
        return i+1
   elif i+4 < długość_wyrażenia:
        bramka := stwórz nową bramkę Gate typu zgodnego z wyrażeniem
        i += 3
        przeparsowane_znaki = bramka.parsuj(wyrażenie[i+4:])
        dodaj zdarzenie do aktualnie parsowanej bramki
        i += ilość_przeparsowanych_znaków
   else:
        wyrzuć wyjątek</pre>
```

Listing 3.2. Parser gramatyki

3.4.0.5. Obliczanie dopasowania

Pomysł zaczerpnięty z algorytmu Needlessmann-Wunsch [5], który jest uogólnieniem odległości Levenshteina. Rozwinięty o możliwość przeszukiwania modelu rekurencyjnie oraz o możliwość podawania listy równlogłych zdarzeń.

3.4.0.6. Znajdowanie ścieżki w modelu

Potrzebne do obliczenia precyzji oraz generazlizacji.

3.4.0.7. Cache

3.5. Wybór parametrów algorytmu

```
def oblicz_metryki(log, długość_logu, średnia_długość_procesu_w_logu, model,
                                   najkrótsza_dozwolona_długość,
                                   najdłuższa_dozwolona_długość) -> int:
   n = zaokrąglij(średnia_długość_process_w_logu)
   i = 1
   najlepszy_wynik = 0
   while n znajduje się pomiędzy największą i najmienjszą
          dopuszczalną długością logu:
        if najkrótsza_dozwolona_długość <= n <= najdłuższa_dozwolona_długość:
            procesy_o_dlugosci_n = model.wyszukaj_procesy_o_określonej_długości(n)
            wszystkie_procesy = model.wyszukaj_wszystkie_procesy
            wszyscy_rodzice_procesów = model.wyszukaj_wszystkich_rodziców_procesów
            if istnieją procesy_o_dlugosci_n:
                najlepszy_błąd_lokalny = 0
                for elem w log:
                    minimalny_błąd_lokalny = 1023
                    for proces w procesy_o_dlugosci_n:
                        błąd_lokalny, ścieżka = oblicz_dopasowanie(event_group, elem)
                        if błąd_lokalny < minimalny_błąd_lokalny:</pre>
                            minimalny_błąd_lokalny = błąd_lokalny
                            najlpesza_ścieżka = ścieżka
                    najlepszy_błąd_lokalny += minimalny_błąd_lokalny
               oblicz metryki odwzorowanie, precyzja, generalizacja, prostota
               najlepszy_wynik_lokalny = suma_obliczonych_metryk / liczba_metryk
               if najlepszy_wynik_lokalny > najlepszy_wynik:
                   najlepszy_wynik = najlepszy_wynik_lokalny
       if i % 2 == 1:
            n -= i
       else:
            n += i
        i += 1
   return najlepszy_wynik
```

Listing 3.3. Obliczanie metryk

Listing 3.4. Wyszukiwanie procesów o długości n

```
def oblicz_dopasowanie(model, log):
   kara = {'DOPASOWANIE': 0, 'BRAK_DOPASOWANIA': -2, 'PRZERWA': -1}
    wyniki_lokalne = [None] * dlugosc_macierzy_rozwiazan
   macierz_rozwiazan = Zainicjalizuj macierz zerami
    for i in range(m):
       macierz_rozwiazan[i][0] = kara['PRZERWA'] * i
    for j in range(n):
       macierz_rozwiazan[0][j] = kara['PRZERWA'] * j
    #Wypelnij osie macierzy wlasciwymi wartosciami
    for i in range (1, m):
        if should_go_recurrent(model[i-1]):
            al_mat[i], model_results_local[i] =
            recurrent_alignment(al_mat[i - 1], model[i - 1],
                                [x for x in substrings_of_string_reversed(log)], i)
        elif len(model[i-1]) > 1:
            al_mat[i], model_results_local[i] =
            parallel_alignment(al_mat[i - 1], model[i - 1],
                              [x for x in substrings_of_string_reversed(log)], kara, i)
        else:
            al_mat[i][0] = al_mat[i-1][0] + penalty['GAP']
            basic_alignment(al_mat, model[i - 1], log, kara, i, n)
   model_results = get_all_tracebacks(al_mat, penalty['GAP'], model,
    log, model_results_local)
    return macierz_rozwiazan[m-1] #ostatnia linijka, model_results
```

Listing 3.5. Obliczanie dopasowania

```
def znajdz_sciezke(macierz_rozwiazan, model, log, rozwiazania_podmodeli):
   sciezka = []
   while i != 0:
        event_group_full_length = len(model[i - 1])
        if model_results_local[i] is not None:
            matched_flag = False
            if array[i][j] == array[i - 1][j] + event_group_full_length * penalty_gap:
                [model_result.append(None) for _ in range(event_group_full_length)]
                array[i][j] = 0
                i -= 1
            else:
                for k in range(j):
                    processes = get_not_none(model_results_local[i][k]
                    [len(model_results_local[i][k]) - (j-k)], log)
                    if array[i][j] == array[i - 1][k] +
                         (event_group_full_length + (j-k) - 2 * len(processes)) * penalty_gap:
                         [model_result.append(x) for x in processes]
                        for x in processes:
                            log = log.replace(x.name, "", 1)
                        [model_result.append(None)
                         for _ in range(event_group_full_length - len(processes))]
                        array[i][j] = 0
                        i -= 1
                        j = k
                        matched_flag = True
                        break
                if not matched_flag:
                    if array[i][j] == array[i][j - 1] + penalty_gap:
                        array[i][j] = 0
                        j -= 1
        else:
            if array[i][j] == array[i - 1][j] + penalty_gap:
                model_result.append(None)
                array[i][j] = 0
                i -= 1
            elif array[i][j] == array[i][j - 1] + penalty_gap:
                array[i][j] = 0
                j -= 1
            elif array[i][j] == array[i - 1][j - 1]:
                model_result.append(model[i-1])
                log = log.replace(model[i-1].name, "", 1)
                array[i][j] = 0
                i -= 1
                j -= 1
   return sciezka
P. Seemann Automatyczne odkrywanie procesów biznesowych przy użyciu programowania genetycznego
```

Listing 3.6. Znajdowanie ścieżki w modelu

4. Dyskusja rezultatów

- 4.1. Przykładowe wyniki
- 4.2. Porównanie z innymi algorytmami
- 4.3. Wyniki w zależności od przyjętych metryk
- 4.4. Wnioski

24 *4.4. Wnioski*

5. Podsumowanie

Bibliografia

- [1] John R. Koza. *Genetic Programming: On the Programming of Computers by Means of Natural Selection*. Cambridge, MA, USA: MIT Press, 1992. ISBN: 0262111705.
- [2] J. C. A. M. Buijs, B. F. van Dongen i W. M. P. van der Aalst. "Quality Dimensions in Process Discovery: The Importance of Fitness, Precision, Generalization and Simplicity". W: *International Journal of Cooperative Information Systems* 23.01 (2014), s. 1440001. DOI: 10.1142/S0218843014400012.
- [3] Michael Fenton i in. "PonyGE2". W: Proceedings of the Genetic and Evolutionary Computation Conference Companion (2017). DOI: 10.1145/3067695.3082469.
- [4] Michael zur Muehlen i Jan Recker. "How Much Language Is Enough? Theoretical and Practical Use of the Business Process Modeling Notation". W: *Advanced Information Systems Engineering*. Red. Zohra Bellahsène i Michel Léonard. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg, 2008, s. 465–479. ISBN: 978-3-540-69534-9.
- [5] Saul B. Needleman i Christian D. Wunsch. "A general method applicable to the search for similarities in the amino acid sequence of two proteins". English (US). W: *Journal of Molecular Biology* 48.3 (mar. 1970), s. 443–453. ISSN: 0022-2836. DOI: 10.1016/0022-2836(70)90057-4.