

HDPP4) para la infección por Mers-CoV (221). Los  
La herramienta de edición de genes CRISPR-CAS9 se ha utilizado para  
Insertar alteraciones genómicas en ratones, haciéndolos.  
Susceptible a la infección por Mers-CoV (222). Esfuerzos  
están en marcha para reconocer los modelos animales adecuados  
para SARS-COV2 / COVID-19, identifique el receptor  
Afección de este virus, estudiar patología en experimental.  
Modelos de animales, y explore el inmune específico del virus.  
Respuestas y estudios de protección, que juntos.  
aumentaría el ritmo de los esfuerzos realizados para  
Desarrollando vacunas y drogas potentes para contrarrestar esto.  
virus emergente. Líneas celulares, como el epitelial de mono.  
Líneas celulares (LLC-MK2 y VERO-B4), células pulmonares de cabra,  
Células de riñón de alpaca, células de cordón umbilical dromedary,  
y ex \_ vivo avanzado \_ tridimensional  
El tejido traqueobronquial, se han explorado para estudiar.  
COV HUMANOS (MERS-COV) (223, 224). Vero y  
Las células HUH-7 (células de cáncer de hígado humano) han sido  
utilizado para aislar SARS-COV-2 (194).

Recientemente, un estudio experimental con Rhesus.  
Los monos como modelos de animales revelaron la ausencia de  
Cualquier carga viral en nasofaríngeo y hisopos anales,  
y no se registró ninguna replicación viral en la primaria  
Tejidos en un intervalo de tiempo de 5 días después de la reinfección en  
Monos reexpuestos (274). El posterior  
Viroológico, radiológico, y \_ patológico.