situación en la población mundial, lo que lleva a brotes de enfermedades que no se han controlado a Fecha, aunque se están poniendo los esfuerzos extensos. Lugar para contrarrestar este virus (25). Este virus ha sido propuesto para ser designado / nombrado grave agudo Síndrome respiratorio Coronavirus 2 (SARS-COV-2) por el Comité Internacional de Taxonomía de Virus (ICTV), que determinó que el virus pertenece. al síndrome respiratorio agudo severo relacionado con el síndrome Categoría de Coronavirus y encontró que este virus está relacionado. a SARS-COVS (26). SARS-COV-2 es miembro de El pedido Wnidovirales, Family Coronaviridae, Subfamilia ortocoronavirinae, que se subdivide.

en cuatro géneros, viz., Alphacoronavirus, Betacoronavirus, gammacoronavirus, y Deltacoronavirus (3, 27). Los géneros

Alphacoronavirus y Betacoronavirus se originan. de los murciélagos, mientras que = gammacoronavirus y Deltacoronavirus ha evolucionado de pájaro y porcino Piscinas genéticas (24, 28, 29, 275).

Los coronavirus poseen un single.

Genoma de ARN trenzado, positivo de alrededor de 30

KB, encerrado por una cola de 5'-tapa y 3'-poli (a) (30). los

El genoma de SARS-COV-2 es de 29.891 pp de largo, con una

Contenido de G + C del 38% (31). Estos virus son

encerrado con un sobre que contiene - viral