

grupo variante. La región del gen vinculante del receptor parece ser muy similar a la del SARS-COV y se cree que el mismo receptor. Se utilizaría para la entrada celular. |

4.1 Estructura de viriones y su genoma

Los coronavirus están envueltos estructuralmente, Perteneciente a los virus de ARN de cadena positiva. Categoría que tiene los genomas conocidos más grandes de ARN. Las estructuras del coronavirus son. Más en forma esférica, pero su estructura tiene El potencial de modificar su morfología en Respuesta a las condiciones ambientales, siendo pleomórfico. La membrana capsular que representa el sobre externo por lo general tiene Proyección de glicoproteína y cubre el núcleo, que comprende una proteína de matriz que contiene un ARN positivo-strand. Desde la estructura Posee 5'-Capped y 3'-Polyadenylated Termina, sigue siendo idéntico al celular. mrnas.'® La estructura está compuesta por Hemaglutinina esterasa (é1) (presente solo en algunos beta-coronavirus), spike (s), pequeño membrana (e), membrana (m) y nucleocápside (N), como se muestra (Figura 1). La envoltura que contiene glicoproteína es responsable de apego a la célula huésped, que posee el epítomos antitoxicos primarios principalmente aquellos