

(SADS-COV) se identificó por primera vez en lechones Tener enteritis severa y pertenece al género. Alphacoronavirus (106). El brote fue asociado con una considerable mortalidad a escala de PIGLETS (24,693 muertes) a través de cuatro granjas en China (134). El virus aislado de los lechones era casi idéntico y tenía un 95% de similitud genómica con Murciélago de herradura (especie de rinolophus) coronavirus HKU2, sugiriendo un bate de origen del virus de cerdo (106, 134, 135). También es imperativo tener en cuenta que el Trabajo triste-cov comenzó en la provincia de Guangdong, Cerca de la ubicación del origen pandémico del SARS. (134). Antes de este brote, los cerdos no fueron conocidos por Ser infectado con coronavirus de origen de murciélago. Esta Indica que el coronavirus de origen de murciélago saltó a Cerdo al romper la barrera de la especie. El siguiente paso de Este salto podría no terminar bien, ya que los cerdos son Considerado el recipiente de mezcla para virus de influenza a. Debido a su capacidad para ser infectada por ambos humanos y Influenza aviar A virus (136).

Del mismo modo, pueden actuar como el recipiente de mezcla para Coronavirus, ya que están en contacto frecuente con Tanto los humanos como las múltiples especies de vida silvestre. Además, también se encuentran cerdos para ser susceptibles a Infección con SARS-COV y MERS-COV humanos, Haciendo este escenario una pesadilla (109, 137). Está