

Proteína transmembrana viral de clase I. El tamaño de este La proteína abundante es varía de 1,160 aminoácidos. (IBV, virus de la bronquitis infecciosa, en aves de corral) a 1,400 Los aminoácidos (Fcov, Feline Coronavirus) (43). Eso miente en un trímero en la superficie de virión, dando al virión un Apariencia corona o corona. Funcionalmente es Requerido para la entrada del virión infecciosa. partículas en la célula a través de la interacción con Varios receptores celulares huésped (44).

Además, actúa como un factor crítico para el tejido. El tropismo y la determinación de la gama de host (45). En particular, la proteína S es una de las vitales. Proteínas inmunodominantes de COVS capaces de Al inducir las respuestas inmunes del huésped (45). los ectodomains en todas las proteínas COVS S tienen similares Organizaciones de dominios, divididas en dos subunidades, S1. y 82 (43). El primero, S 1, ayuda en el receptor de host. vinculante, mientras que la segunda, S2, explica fusión. El primero (S1) se divide en dos Subdominios, a saber, el dominio N-terminal (NTD) y dominio C-terminal (CTD). Ambos Los subdominios actúan como\_ dominios de unión al receptor, Interactuando de manera eficiente con varios receptores de huéspedes. (45). El SL CTD contiene la unión al receptor. Motivo (RBM). En cada proteína de punta de coronavirus, la Trimeric S1 se ubica en la parte superior del S2 Trimeric.