

Por lo tanto, basado en la carga viral, podemos evaluar la progresión de la infección (291). En Además de todos los hallazgos anteriores, la secuenciación y Las filogenéticas son críticas en la identificación correcta. y la confirmación del agente viral causal y Útil para establecer relaciones con el anterior. aislados y secuencias, así como saber, especialmente Durante una epidemia, el nucleótido y el aminoácido. Mutaciones y la divergencia molecular. El rápido Desarrollo e implementación de pruebas de diagnóstico. Contra la novela enfermedades emergentes como COVID-19 plantear desafíos significativos debido a la falta de Recursos y limitaciones logísticas asociadas con un brote (155).

La infección SARS-COV-2 también se puede confirmar por Aislamiento y cultivo. El epitelial de la vía aérea humana. Se encontró que el cultivo celular era útil para aislar SARS-COV-2 (3). El control eficiente de un El brote depende del rápido diagnóstico de la enfermedad. Recientemente, en respuesta a la COVID-19. Brote, reversa en tiempo real cuantitativo de 1 paso Se desarrollaron ensayos de la Transcripción-PCR que detectan las regiones ORF1B y N del SARS-COV-2 genoma (156). Ese ensayo fue encontrado para lograr el Detección rápida de SARS-COV-2. Ácido nucleico basado en ácido Los ensayos ofrecen una alta precisión en el diagnóstico de SARS-