

virulencia de coronavirus debido a cambios en Morfología y tropismo (54). La proteína E consiste. de tres dominios, a saber, un breve amino hidrofílico Terminal, una gran transmembrana hidrófoba. dominio, y un dominio C-terminal eficiente (51). La proteína SARS-COV-2 E revela un amino similar Constitución ácida sin ninguna sustitución (16).

N proteína

La proteína N del coronavirus es multipropósito. Entre varias funciones, juega un papel en complejo. Formación con el genoma viral, facilita m. Interacción de proteínas necesaria durante el conjunto de viriones, y mejora la eficiencia de la transcripción del virus. (55, 56). Contiene tres altamente conservados y Dominios distintos, a saber, un ntd, un enlace de ARN Dominio o región enlazadora (LKR) y un CTD (57). El NTD se une con el extremo 3 'del genoma viral, tal vez a través de interacciones electrostáticas, y es altamente Divergido tanto en longitud como en secuencia (58). los LKR cargado es serina y arginina rica y también es conocido como el dominio SR (Serine y Arginine) (59). La LKR es capaz de interacción directa con in vitro. Interacción de ARN y es responsable de la señalización celular. (60, 61). También modula la respuesta antiviral de El anfitrión trabajando como antagonista para interferón.