Jakub Kosmydel Norbert Morawski Bartłomiej Wiśniewski Przemysław Węglik

Badania operacyjne Projekt

Spis treści

1.	Wste	₹ p								•		•		•	•	•		•		•	٠	•	 ٠	•	 •	•	٠		•	2
2.	Opis	zagad	lnie	nia																										3
	2.1. Sformułowanie problemu															3														
	2.2.	Model	ma	tem	aty	czny	, .																							3
		2.2.1.																												3
		2.2.2.	Da	ane																										3
		2.2.3.	Sz	ukai	ne .																									4
		2.2.4.	Hi	perp	oara	amet	try																							4
		2.2.5.	Fu	ınkc	ja k	oszt	u.																							4
3.	Opis	algory	ytm	ıów																										5
	3.1.	Reprez	zent	acja	śrc	odov	viska	ì.																						5
		3.1.1.	$R\epsilon$	epre	zent	tacja	a ma	ару																						5
		3.1.2.	$R\epsilon$	epre	zent	tacja	a gei	not	ур	u																				5
		3.1.3.	$R\epsilon$	epre	zent	tacja	a lin	ii .																						5
	3.2.	Rozwia																												5
	3.3.	Symulacja														6														
	3.4.																				7									
	3.5.	Mutac	cja .																									7		
		3.5.1.	Li	neM	luta	$_{ m ttor}$																								7
		3.5.2.	Ge	enot	ype	Mut	tatoı	r.																						7
	3.6.	Krzyżo	owa	$_{ m nie}$																										7
		3.6.1.	Ge	enot	ype	Cro	sser																							7
4.	Apli	kacja .																												8
5.	Eksp	eryme	enty	<i>7</i> .																										9
	5.1.	Eksper	rym	ent	z lo	sow	ym	sto	so	wa	nie	em	n	nu	ta	cji	i	kr	zy:	żov	va	ń								9
6.	Pods	sumowa	ani	е.																										11

1. Wstęp

Celem naszego projektu jest znalezienie optymalnych tras linii dla autobusów, aby maksymalizować liczbę pasażerów, przy minimalnej liczbie linii autobusowych. Aby to osiągnąć, wykorzystywane są algorytmy genetyczne - algorytmy przeszukujące przestrzeń rozwiązań, które opierają się na procesie działania mechanizmu dziedziczenia biologicznego.

W systemie założono, że pozycje oraz popularność przystanków są z góry ustalone. Stosowanie algorytmów genetycznych pozwoliło na wygenerowanie zestawu najlepszych połączeń autobusowych, które można skonfigurować dla lepszego wykorzystania zasobów oraz zwiększenie korzyści z transportu publicznego dla pasażerów.

2. Opis zagadnienia

2.1. Sformułowanie problemu

Naszym celem w projekcie jest zaprojektowanie sieci linii autobusowych pokrywającej dany obszar miejski, który już posiada sieć przystanków autobusowych. Linie te, powinny mieć możliwość obsłużenia jak największej liczby pasażerów, tworząc jak najmniej postojów oraz zatrzymując się na jak najmniejszej liczbie przystanków.

2.2. Model matematyczny

2.2.1. Założenia

- 1. Przystankom przypisujemy ilość punktów w zależności od gestości zaludnienia w pobliżu oraz ciekawych punktów (teatr, park itp.).
 - Dla każdego przystanku obliczamy liczbę ludzi w pobliżu,
 - Głównym punktom w Krakowie (np. D17, teatry, itp.) nadajemy wartość punktowa.
 - Dla każdego przystanku sumujemy powyższe wartości.
- 2. Rozkładamy linie komunikacyjne po mieście tak, by maksymalizować sume zebranych punktów przez wszystkie linie.
- 3. Wprowadzamy koszt dla linii: koszt ścieżki w grafie, po której jedzie + koszt utworzenia nowej linii.
- 4. Linie przebiegające przez jeden przystanek dziela się punktami,
- 5. Maksymalizujemy sume punktów zebranych przez wszystkie linie.

2.2.2. Dane

- 1. n liczba linii
- 2. m liczba przystanków

Graf

- 1. Wierzchołki to istniejące przystanki z przypisanymi punktami,
- 2. p(j) wartość punktowa przystanku:

 - W początkowej wersji liczba ta jest określona z góry, $p(j) = \sum_{i=0}^{n-1} \frac{w_{j,i}}{f(d_j,i)}$ gdzie $w_{j,i}$ to wartość obiektu (np. liczba mieszkańców w pobliżu) a $d_{i,i}$ to odległość tego bloku od przystanku, f – funkcja skalująca.
 - Funkcja liczona dla danego przystanku j
- 3. Krawędzie to połaczenia między przystankami.
- 4. Koszt krawędzi to odległości między przystankami.

2.2.3. Szukane

 $\boldsymbol{x}_{i,j}$ - czy linia i zatrzymuje się na przystanku j, gdzie:

- 1. $i \in [0, n-1]$
- 2. $j \in [0, m-1]$

2.2.4. Hiperparametry

- 1. α koszt zatrzymania się na przystanku,
- 2. β koszt nowej linii,
- 3. R hiper parametr zbiegania.

2.2.5. Funkcja kosztu

$$l_j = \sum_{i=0}^{n-1} x_{i,j} \qquad \text{liczba lin}$$

$$q_j = \frac{p_j \cdot (1 + \frac{R}{l_j})^{l_j}}{l_j} \to \frac{e^R}{l_j} \qquad \text{ile punktor}$$

$$S_i$$

$$cost_j = \begin{cases} \sum_{i=0}^{n-1} x_{i,j} \cdot (q_j - \alpha) & l_j > 0 \\ -\Delta & l_j = 0 \end{cases}$$
 penals
$$f(x) = \sum_{j=0}^{m-1} cost_j - \sum_{i=0}^{n-1} [S_i - \beta]$$

liczba linii zatrzymujących się na przystanku j

ile punktów każda linia uzyskuje z przystanku j długość ścieżki linii i w grafie

penalizacja nieodwiedzonych przystanków

funkcja kosztu

3. Opis algorytmów

Nasz problem rozwiązywaliśmy algorytmami genetycznymi.

3.1. Reprezentacja środowiska

Jak już zostało wspomniane, zajmowaliśmy się problemem optymalizacji istniejącej sieci komunikacyjnej, bez tworzenia nowych połączeń.

3.1.1. Reprezentacja mapy

Mapa z przystankami jest reprezentowana jako ważony graf z biblioteki NetworkX.

3.1.2. Reprezentacja genotypu

Genotyp składa się z listy linii autobusowych:

```
class Genotype:
    def __init__(self , lines: list[Line]):
        self.lines = lines
```

3.1.3. Reprezentacja linii

Linia posiada następujące parametry:

- 1. id id linii,
- 2. stops przystanki, na których się zatrzymuje,
- 3. edges wszystkie krawędzie, przez które linia przejeżdża,
- 4. edge color kolor linii; do reprezentacji graficznej,
- 5. edge style styl krawędzi linii; do reprezentacji graficznej,

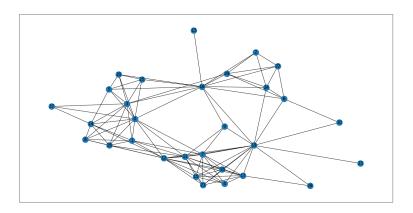
class Line:

```
def __init__(self, stops: list[int], best_paths):
    self.id = Line.get_next_id()
    self.stops = stops # ordered list of stops
    self.edges = []
    self.edge_color = [...]
    self.edge_style = [...]
```

3.2. Rozwiązanie początkowe

Na początku, chcąc się skupić na realizacji algorytmu, wygenerowaliśmy losowo sieć połączeń. Powstała ona przez wygenerowanie N punktów na płaszczyźnie, a następnie

połączeniu ich między sobą z pewnym prawdopodobieństwem. Dawało to całkiem dobre rezultaty:



Rysunek 3.1. Przykładowa wygenerowana mapa

3.3. Symulacja

Algorytm 1 Symulacja

```
1: function SYMULUJ(liczba pokoleń, x)
      populacja = POPULACJA_POCZĄTKOWA()
2:
      ZAPISZ POPULACJĘ()
3:
4:
      for i \leftarrow 0 to liczba_pokoleń – 1 do
         populacja = USUŃ PUSTE(populacja)
5:
         populacja dopasowanie = FITNESS(populacja)
6:
         populacja = FUNKCJA PRZETRWANIA(populacja, populacja dopasowanie)
7:
         populacja nowa = NOWA POPULACJA(populacja)
                                                                ▶ Tutaj zachodza
   mutacje i krzyżowania
       Co x epok:
         ZAPISZ POPULACJĘ()
9:
      end for
10:
11: end function
```

Powyżej przedstawiony został podstawowy silnik symulacji. W każdej epoce wykonuje on następujące kluczowe czynności:

- Usuwa niedopuszczalne rozwiązania (linie bez przystanków, organizmy bez linii),
- Oblicza funkcję dopasowania,
- Uruchamia funkcję przetrwania, która likwiduje wybrane osobniki,
- Uruchamia funkcję nowej populacji, która dokonuje mutacji i krzyżowań.
 Na tym poziomie nie definiujemy co dana funkcja robi. Zostało to zrobione poniżej.

3.4. Selekcja

Została przez nas zaimplementowana najprostsza funkcja zostawiająca 1/5 najlepszych osobników.

3.5. Mutacja

3.5.1. LineMutator

Tworzy nowe mutacje dla danej linii. Możliwe mutacje:

- 1. rotation to right
- 2. cycle rotation
- 3. invert odwraca kolejność przystanków, pomiędzy losowymi indeksami start oraz end.
- 4. erase_stops losowo usuwa zadaną liczbę przystanków z linii,
- 5. add_stops losowo dodaje zadaną liczbę przystanków, spośród tych, które w linii nie występują.

3.5.2. GenotypeMutator

Możliwe mutacje:

- 1. erase_line tworzy nowy genotyp, usuwając losową linię,
- 2. create line tworzy nowy genotyp, dodając losowo wygenerowaną linię,
- 3. split line tworzy nowy genotyp, rozdzielając losową, losową linię dwie różne.
- 4. merge_lines tworzy nowy genotyp, łącząc w losowej kolejności zadaną liczbę losowych linii,
- 5. cycle stops shift -???

3.6. Krzyżowanie

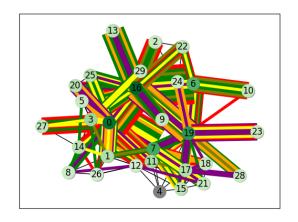
3.6.1. GenotypeCrosser

- 1. merge_genotypes tworzy nowy genotyp, łącząc losową liczbę losowych linii z dwóch danych genotypów,
- 2. cycle stops shift -???

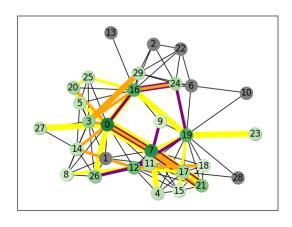
4. Aplikacja

5. Eksperymenty

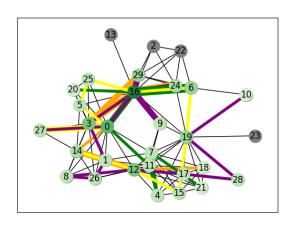
5.1. Eksperyment z losowym stosowaniem mutacji i krzyżowań



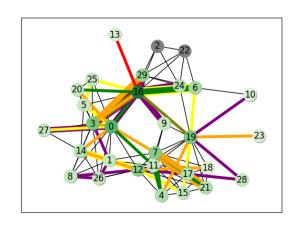
Rysunek 5.1. Populacja 0 dopasowanie -121.46



Rysunek 5.2. Populacja 3 dopasowanie 1.71

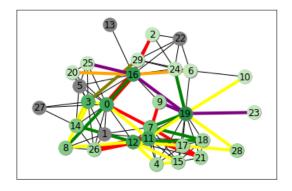


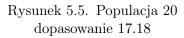
Rysunek 5.3. Populacja 5 dopasowanie 11.08

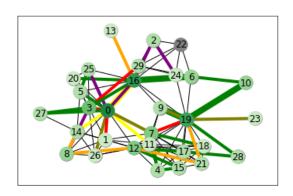


Rysunek 5.4. Populacja 10 dopasowanie 14.40

Jak widzimy, już po 10 epokach sieć połączeń znacznie się wyklarowała. Funkcja dopasowania wzrosła znacząco od generacji 0 do 10.

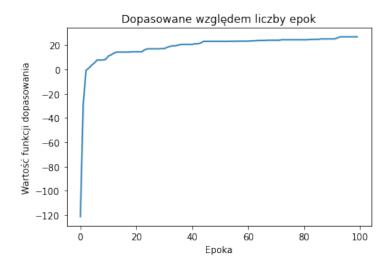






Rysunek 5.6. Populacja 100 dopasowanie 24.64

Sieć pokryła jeszcze więcej przystanków. Tempo wzrostu funkcji dopasowania zmalało.



Rysunek 5.7. Wykres funkcji dopasowania

Jak widać, rzeczywiście tempo dopasowywania się modelu znacznie spada w poźniejszych etapach symulacji.

6. Podsumowanie

Problem generowania linii autobusowych jest bardzo skomplikowany. W celu jego rozwiązania, przydatne są algorytmy genetyczne. Z odpowiednią liczbą nowych generacji jesteśmy w stanie osiągnąć ciekawe wyniki. Nie są one jednak w pełni satysfakcjonujące.