謝博宇

pykenny@gmail.com | GitHub: pykenny | LinkedIn: po-yu-hsieh | Website: pyhsieh.net

學歷

Boston University (波士頓大學), Boston, Massachusetts, United States

2017.09 — 2019.05

Master of Science in Computer Science, GPA: 3.66

• Relevant Coursework: Computational Tools for Data Science, Advanced Databases Applications, Machine Learning, Data Mechanics, Natural Language Processing, Embedding Systems

國立臺灣大學 2009.09 — 2014.06

財務金融學系學士

- 主修 GPA: 3.68, 資訊相關課程 GPA: 3.52
- 資訊相關選修:無線網路基礎與運用、數位人文導論、數位視覺效果

工作經驗

Klaviyo, Boston, Massachusetts, United States

2019.09 - 2020.09

Data Science Software Engineer

- 協助資料科學家蒐集與整理公司內部服務數據,進行產品研究與新功能開發
- 對不同的公司服務資料來源抽樣進行比對,以確定開發中功能所使用的計算方式與資料庫 內容與其他功能提供的資料相符
- 以 React, Django, Flask 開發新功能的樣型,作為內部工具以獲得客戶成長與產品部門的使用回饋
- 自動化並維護 2019-2020 期間服務紀錄數據蒐集程式,以提供公司 COVID-19 專頁的相關研究資料[1]

國立臺灣大學數位人文研究中心

2016.01 - 2017.07

研究助理

- 協助 Docusky 研究平台[2]開發 5 項線上個人資料庫建立與文本分析的網頁工具
- 於第七屆數位典藏與數位人文國際研討會(DADH-2016)介紹 Docusky 平台,與透過公開工具處理與分析文本的研究成果^[3]

課程專案經驗

Boston StreetCaster^[4] (Spark! Practicum, Boston University)

Spring 2019

- 透過波士頓市的人行道地理資料庫與 Google 街景 API 取得當地人行道的街景照片,作為人行道區塊影像辨識系統的輸入資料
- 自動化轉換地理資料的投影座標,設定相機角度參數以取得面向人行道的街景圖片的流程

DNA 序列影像辨識^[5] (Boston University)

Fall 2018

- 辨識螢光染色過的 DNA 圖片當中的序列出現位置及種類
- 使用 RetinaNet、TensorFlow、與合成圖片建立判斷序列出現位置的影像辨識模型

文本風格分析工具(國立臺灣大學)

Spring 2014

- 用 Python 3 實作論文中的 3 種寫作風格差異的文本分析比較公式,並以此研究兩件小說作者歸屬的案例
- •於 2016 參與 DocuSky 開發期間,將此程式改以 JavaScript 實作,並提供前端網頁介面(以 jQuery 開發) 作為 DocuSky 官方網站提供的公開分析工具

技術專長

程式語言

Python, JavaScript (Node.js, ECMAScript 6, TypeScript), Java, C

開發技術與工具

• 資料庫: SQL (MySQL)

• 網站應用: Django, React, jQuery, CSS/SCSS, HTML

• 資料科學: Pandas, NumPy, scikit-learn

•程式開發工具:Git/Github, Jupyter

外語能力

- 英文 (TOEFL Total 106 (2016); GRE V153/Q167/AW3.0 (2016))
- 中文 (母語)

參考連結

- 1. Klaviyo 的 COVID-19 電商趨勢專頁: https://www.klaviyo.com/covid-19-daily-ecommerce-insights
- 2. DocuSky: https://docusky.org.tw
- 3. DADH-2016 演講簡報: https://pse.is/3c42m3 (short URL)
- 4. StreetCaster Project Repo: https://github.com/ddehueck/BostonStreetCaster
- 5. XGenomes' Collaboration Project Repo: https://github.com/tnmcneil/XGenomesProject