

謝博宇

pykenny@gmail.com | GitHub: pykenny | LinkedIn: po-yu-hsieh | Website: www.pyhsieh.net

學歷

Boston University, Boston, Massachusetts, United States 2017.09 — 2019.05

Master of Science Student in Computer Science, GPA: 3.66

- Relevant Coursework: Computational Tools for Data Science, Advanced Databases Applications, Machine Learning, Data Mechanics, Natural Language Processing, Embedding Systems

國立臺灣大學 2009.09 — 2014.06

財務金融學系學士

- 主修 GPA : 3.68 , 資訊相關課程 GPA : 3.52
- 資訊相關選修：無線網路基礎與運用、數位人文導論、數位視覺效果

工作經驗

Klaviyo, Boston, Massachusetts, United States 2019.09 — 2020.09

Data Science Software Engineer

- 協助資料科學家蒐集與整理公司內部服務數據，進行產品研究與新功能開發
- 對不同的公司服務資料來源抽樣進行比對，以確定新功能所使用的計算方式與資料庫內容與其他功能提供的資料相符
- 以 React, Django, Flask 開發新功能的樣型，作為內部工具以獲得客戶成長與產品部門的使用回饋
- 自動化並維護 2019-2020 期間服務紀錄數據蒐集程式，以提供公司 COVID-19 專頁的相關研究資料^[1]

國立臺灣大學數位人文研究中心 2016.01 – 2017.07

研究助理

- 協助 Docusky 研究平台^[2]開發 5 項線上個人資料庫建立與文本分析的網頁工具
- 於第七屆數位典藏與數位人文國際研討會 (DADH-2016) 介紹 Docusky 平台，與透過公開工具處理與分析文本的研究成果^[4]

課程專案經驗

Boston StreetCaster^[4] (Spark! Practicum, Boston University) Spring 2019

- 透過波士頓市的人行道地理資料庫與 Google 街景 API 取得當地人行道的街景照片，作為人行道區塊影像辨識系統的輸入資料
- 自動化轉換地理資料的投影座標，設定相機角度參數以取得面向人行道的街景圖片的流程

DNA 序列影像辨識^[5] (Boston University) Fall 2018

- 辨識螢光染色過的 DNA 圖片當中的序列出現位置及種類
- 使用 RetinaNet、TensorFlow、與合成圖片建立判斷序列出現位置的影像辨識模型

- 用 Python 3 實作論文中的 3 種寫作風格差異的文本分析比較公式，並以此研究兩件小說作者歸屬的案例
- 於 2016 參與 DocuSky 開發期間，將此程式改以 JavaScript 實作，並提供前端網頁介面（以 jQuery 開發）作為 DocuSky 官方網站提供的公開分析工具

技術專長

程式語言

Python, JavaScript (Node.js, ECMAScript 6, TypeScript), Java, C

開發技術與工具

- 資料庫：SQL (MySQL)
- 網站應用：Django, React, jQuery, CSS/SCSS, HTML
- 資料科學：Pandas, NumPy
- 程式開發工具：Git/Github, Jupyter

外語能力

- 英文（TOEFL Total 106 (2016); GRE V153/Q167/AW3.0 (2016)）
- 中文（母語）

參考連結

1. Klaviyo 的 COVID-19 電商趨勢專頁:
<https://www.klaviyo.com/covid-19-daily-ecommerce-insights>
2. DocuSky: <https://docusky.org.tw>
3. DADH-2016 演講簡報: <https://pse.is/3c42m3> (short URL)
4. StreetCaster Project Repo: <https://github.com/ddehueck/BostonStreetCaster>
5. XGenomes' Collaboration Project Repo: <https://github.com/tnmcneil/XGenomesProject>