aff4 -	0.00	0.00	0.00	0.00	0.86	0.00	0.00	0.00	0.00	_ (0.8
brd4 -	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.17	•	0.0
e2f1 -	0.00	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	- (0.7
ell2 -	0.00	0.00	0.00	0.00	0.73	0.00	0.00	0.00	0.00		0.6
gabpa -	0.00	0.00	0.15	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00		0.0
hcfc1 -	0.00	0.00	0.12	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	- (0.5
myc -	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.08	0.00	0.00	0.00		0.4
nr2c2 -	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.02	0.00	Γ,	0.4
phf8 -	0.07	0.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	- (0.3
rcor1 -	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.51	0.00	0.00		0.0
sfmbt1 -	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.00	0.00	_ '	0.2
yy1 -	0.00	0.00	0.09	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	- (0.1
znf143 -	0.00	0.00	0.10	0.08	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00		0.0
	GSE20303 -	GSE22478 -	GSE31417 -	GSE39263 -	GSE40632 -	GSE44672 -	GSE45441 -	GSE46237 -	GSE51633 -	- (0.0