## Bài 2: homseq.pas

Hai dãy số nguyên được gọi là tương đồng với nhau nếu:

- Có cùng số phần tử.
- Từ dãy này ta có thể biến thành dãy kia bằng cách:
  - 1. Cộng thêm mỗi phần tử của 1 dãy cho cùng 1 số nguyên.
  - 2. Đảo thứ tự các phần tử trong dãy.
  - 3. Thực hiện cả 2 thao tác trên.

Ví dụ: với dãy số (4, 6, 7), khi đó ta có thể tạo một số dãy tương đồng bằng cách:

- Cộng thêm từng phần tử của dãy cho -1 ta được dãy tương đồng là (3, 5, 6)
- Đảo thứ tự các phần tử trong dãy ta được dãy tương đồng là (6, 4, 7)
- Kết hợp cộng -1 và đảo phần tử ta được dãy tương đồng là (5, 3, 6)

## Yêu cầu:

Cho 2 dãy số nguyên: dãy thứ nhất gồm n số  $(1 \le n \le 20000)$  và dãy thứ hai gồm c số  $(1 \le c \le 10)$ , các giá trị số nguyên nằm trong đoạn từ 1 đến 88. Hãy tìm xem có bao nhiều dãy con liên tiếp của dãy thứ nhất tương đồng với dãy thứ hai.

**Dữ liệu vào:** cho trong file văn bản homseq.inp có cấu trúc như sau:

- Dòng đầu tiên ghi số *n*
- Từ dòng thứ 2 đến dòng thứ n + 1, mỗi dòng ghi 1 số nguyên của dãy thứ nhất.
- Dòng thứ n + 2 ghi số c
- Từ dòng n + 3 đến dòng n + c + 2, mỗi dòng ghi 1 số nguyên của dãy thứ hai.

Kết quả: ghi ra file văn bản homseq.out có cấu trúc như sau:

- Dòng đầu ghi số k cho biết số lượng dãy con tương đồng tìm được
- *k* dòng tiếp theo, mỗi dòng ghi 1 số cho biết vị trí bắt đầu của từng dãy con tìm được trong dãy thứ nhất (sắp theo thứ tự tăng dần)

## Ví dụ:

homseq.inp	homseq.out	Giải thích
6	2	Hai dãy con tương đồng của
1	2	(4, 6, 7) tìm được là:
8	4	(8, 5, 7): bắt đầu ở vị
5		trí 2 bằng cách cộng 1 và
7		đảo thứ tự
9		(7, 9, 10): bắt đầu ở vị
10		trí 4 bằng cách cộng 3
3		
4		
6		
7		