Bài 3: DÃY SỐ TƯƠNG ĐỒNG

Cho 1 dãy gồm c chữ số và 3 thao tác trên dãy số đó:

- Thay đổi: Cộng hoặc trừ mỗi phân tử của dãy cho cùng 1 số.
- Hoán vị: Hoán vị các phần tử của dãy.
- Kết hợp: kết hợp 2 thao tác trên.

Sau khi thực hiện 1 trong 3 thao tác trên ta được 1 dãy số mới là dãy tương đồng với dãy số đã cho.

Ví du: cho dãy gồm 3 số 4 6 7, một số dãy tương đồng của dãy này là:

3 5 6 (thay đổi: trừ đi 1)

6 8 9 (thay đổi: cộng thêm 2)

6 47 (hoán vị)

5 3 6 (kết hợp: trừ đi 1 và hoán vị)

Yêu cầu: Cho 2 dãy số:

- Dãy 1: gồm n ($1 \le n \le 20000$) số nguyên, mỗi số có giá trị từ 1 đến 88.
- Dãy 2: gồm c ($1 \le c \le 10$) số nguyên, mỗi số có giá trị từ 1 đến 88.

Tìm số dãy con tương đồng của dãy 2 trong dãy 1 và vị trí xuất hiện của nó.

Dữ liệu vào: cho trong file văn bản homseq. inp có cấu trúc như sau:

- Dòng đầu ghi số *n*, *n* dòng tiếp theo mỗi dòng ghi 1 số nguyên cho biết thông tin dãy 1.
- Dòng n+2 ghi số c, c dòng tiếp theo mỗi dòng ghi 1 số nguyên cho biết thông tin dãy 2.

Kết quả: ghi ra file văn bản homseq. out có cấu trúc như sau:

- Dòng đầu ghi số k cho biết số dãy tương đồng tìm được.
- -k dòng tiếp theo mỗi dòng ghi 1 số (theo thứ tự tăng dần) cho biết vị trí xuất hiện của dãy con tương đồng tìm được.

Ví dụ:

homseq.inp	homseq.out
б	2
1	2
8	4
5	
7	
9	
10	
3	
4	
6	
7	