

CLUSTAL multiple sequence alignment by MUSCLE (3.8)

NM_000518.5

ACATTTGCTTCTGACACAAGTGTGTTCACTAGCAACCTCAAACAGACACCATGGTGCATC

ex1

ATGGTGCATC

NM_000518.5

TGACTCCTGAGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG

ex1

TGACTCCTGTGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG

NM_000518.5

TTGGTGGTGAGGCCCTGGGCAGGCTGCTGGTGGTCTACCCTTGGACCCAGAGGTTCTTTG

ex1

TTGGTGGTGAGGCCCTGGGCAGGCTGCTGGTGGTCTACCCTTGGACCCAGAGGTTCTTTG

NM_000518.5

AGTCCTTTGGGGATCTGTCCACTCCTGATGCTGTTATGGGCAACCCTAAGGTGAAGGCTC

ex1

AGTCCTTTGGGGATCTGTCCACTCCTGATGCAGTTATGGGCAACCCTAAGGTGAAGGCTC

NM_000518.5

ATGGCAAGAAAGTGCTCGGTGCCTTTAGTGATGGCCTGGCTCACCTGGACAACCTCAAGG

ex1

ATGGCAAGAAAGTGCTCGGTGCCTTTAGTGATGGCCTGGCTCACCTGGACAACCTCAAGG

NM_000518.5

GCACCTTTGCCACACTGAGTGAGCTGCACTGTGACAAGCTGCACGTGGATCCTGAGAACT

ex1

GCACCTTTGCCACACTGAGTGAGCTGCACTGTGACAAGCTGCACGTGGATCCTGAGAACT

NM_000518.5

TCAGGCTCCTGGGCAACGTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCATCACTTTGGCAAAGAATTCA

ex1

TCAGGCTCCTGGGCAACGTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCATCACTTTGGCAAAGAATTCA

NM_000518.5

CCCCACCAGTGCAGGCTGCCTATCAGAAAGTGGTGGCTGGTGTGGCTAATGCCCTGGCCC

ex1

CCCCACCAGTGCAGGCTGCCTATCAGAAAGTGGTGGCTGGTGTGGCTAATGCCCTGGCCC

NM_000518.5

ACAAGTATCACTAAGCTCGCTTTCTTGCTGTCCAATTTCTATTAAAGGTTCTTTGTTCC

ex1

ACAAGTATCACTAAGCTCGCTTTCTTGCTGTCCAATTT-----

NM_000518.5

CTAAGTCCAACACTAACTGGGGGATATTATGAAGGGCCTTGAGCATCTGGATTCTGCC

ex1

NM_000518.5

ex1

TAATAAAAAACATTTATTTTCATTGCAA
