ana3-BG-Entropie (ana3-BG-transition-predictability)

Analyse der Vorhersagbarkeit von Akkordübergängen

- a. Vgl. der Entropie einer Akkordstichprobe aus allen Akkorden mit Akkorden mit bestimmter Eigenschaft (alle aus demselben Datensatz)
- b. Vgl. der Entropie von Akkordstichproben eines Datensatzes mit Akkorden eines anderen
 - 1. Normal, Differenzierung aller Akkordtoken (wie in ana3a)
 - 2. Reduktion auf Stufen (I, II, ..)

ana3a-BG-transition-predictability.R

Dieses Programm führt einen Hypothesentest über die Vorhersagbarkeit bestimmter Akkordübergänge durch. Dies über Untersuchung der normalisierten bedingten Entropie. Für einen Übergang $A \to B$ erfasst Sie die Unsicherheit über den folgenden Akkord $B \in Z$ der Zielakkordmenge unter der Annahme, dass A bekannt ist. Sie lässt sich als Erwarungswert der Unsicherheit für den Übergang $A \to \cdots$ verstehen und ist definiert als

$$\bar{E}(B=c_i \in Z|A=c) = \frac{\sum_{i=1}^n p(c \to c_i) \times \log_2 \frac{1}{p(c \to c_i)}}{\log_2 |Z|}$$

Es soll untersucht werden, ob die norm. bed. Entropie von Akkorden mit bestimmten Eigenschaften (Vorhalte, Umkehrungen, Alterationen, Orgelpunkte, Tonikalisierungen) von der norm. bed. Entropie zufälliger Akkordstichproben abweicht.

Für den Hypothesentest können folgende Hypothesen formuliert werden:

 H_0 : Die Entropie von Akkorden mit Eigenschaft ist nicht signifikant anders.

 H_1 : Die Entropie von Akkorden mit Eigenschaft ist grösser oder kleiner.

Liegt der p-Wert $\pi_M = \frac{2}{k} \times \min(u_M, o_M)$ über der gewählten Irrtumswahrscheinlichkeit kann H_0 angenommen werden, liegt er darunter, kann H_1 angenommen werden.

Das Programm ist folgendermassen aufgebaut:

- (0) Zuallererst der Untersuchungsgegenstand und Parameter festgelegt:
 - (0a) Die zu untersuchenden Dateien
 - (0b) Die zu untersuchende Akkordeigenschaft

```
chord_feature <- "Vorh"

feature_filter <- function(i) {

if (!is.na(specific_harmonic_tab$changes[i]) &&

specific_harmonic_tab$changes[i] != "" &&

specific_harmonic_tab$changes[i] != 0 && !any(grepl("\\+",

specific_harmonic_tab$changes[i]))) {

5 1

6 } else {

7 0

78 }
```

- (0c) Es besteht die Möglichkeit, nach Tongeschlecht der Tonartabschnitten zu filtern
- (0d) Hier können Umfang und Anzahl der Stichproben für den Hypothesentest festgelegt werden

```
66 proben_umfang <- 100 # Grösse (Umfang) einer Probe
67 anz proben <- 10000 # Anz. Proben
```

(A-B) Dann ana1a-UG-rank-freq.R genuzt, um ein Dataframes zu erstellen, welches jedem Akkord (chord) einen Häufigkeitsrang (rank) und die relative Häufigkeit (relative frequency) zuordnet

- (A) 4a-combined-data.R um eine grosse .tsv Tabelle über alle Stücke und Sätze zu erhalten
- (B) Erstellt ein Rang-Häufigkeits-Dataframes
- (1) Nimmt Stichproben aus allen Akkorden und berechnet die norm. bed. Entropie für diese
 - (1a) Erstellt eine umfassende Matrix aller Akkordübergänge

(1b) Berechnet und erstellt ein Dataframe, welches jedem Akkord (chord) seine bed. Entropie (entropy) und seine norm. bed. Entropie zuordnet (norm entropy)

(1c) Wählt Stichproben von Akkorden und berechnet den Mittelwert der Entropie der Stichprobenakkorde. Eintrag in Tabelle für jede Stichprobe. Dies mit der 'sample' Funktion, mit 'replace = T' erlauben wir Wiederholungen, durch 'prob' werden die Stichproben wahrscheinlichkeitsgewichtet gewählt.

```
270 probe <- sample(</li>
271 all_chords,
272 proben_umfang,
273 replace = T,
274 prob = chord freq df$relative frequency)
```

- (2) Berechnet die mittlere norm. bed. Entropie aller Akkorde mit Akkordeigenschaft
 - (2a) Erstellt eine Matrix aller Akkordübergänge, die von einem Akkord mit Akkordeigenschaft ausgehen
 - (2b) Berechnet und erstellt ein Dataframe, welches jedem Akkord (chord) mit Akkordeigenschaft seine bed. Entr. (entropy) und norm. bed. Entr. zuordnet (norm entropy)
 - (2c) Berechnet den Erwartungswert (wahrscheinlichkeitsgewichteter Mittelwert)

```
feat_entropy_df$rel_freq <- rowSums(feat_transition_matrix)/
sum(feat_transition_matrix)

entropy_expected_feat <- sum(feat_entropy_df$norm_entropy *
feat_entropy_df$rel_freq)
```

(C) Berechnet den p-Wert

```
379 u_M <- sum(sample_df$sample_mean < entropy_mean_feat, na.rm = T)
380 o_M <- sum(sample_df$sample_mean > entropy_mean_feat, na.rm = T)
381 p M <- (2/anz proben) * min(u M, o M) # p-Wert
```

(D) Zuletzt ist es möglich ein Diagramm mit den mittl. norm. bed. Entr. der Stichproben und der mittl. norm. bed. Entr. der Akkorde mit Akkordeigenschaft ausgeben zu lassen.

Dieses Programm funktioniert ähnlich wie ana3a-BG-transition-predictability.R, nur werden zwei Hypothesentests durchgeführt. Einmal ob die Entropie des Basisdatensatz mit der des Vergleichsdatensatz abweicht und umgekehrt. Es lässt sich ebenfall ein Diagramm ausgeben.

ana3b-BG-compare-entropy-reduced.R

Dieses Programm funktioniert ähnlich wie ana3b-BG-compare-entropy.R, nur werden nicht die einzelnen Akkordzeichen betrachtet sondern auf die Stufe reduziert. Dazu wird statt dem Feld 'chord' in den Datensätze das Feld 'numeral' genutzt, in welchem ausschliesslich die Stufe (ohne Berüchksichtigung von Akkordmerkmalen wie Umkehrungen etc.) erfasst ist. Es lässt sich ebenfall ein Diagramm ausgeben.

¹ Die Tabellen müssen, damit sie von den Skripten erkannt und eingelesen werden können, wie folgt benannt werden:

[KOM]-[A][xx]-M[x].tsv

wobei KOM für das Komponistenkürzel steht (LVB für L. v. Beethoven, WAM für W. A. Mozart), A für die Stückart (S für Sonate, Q für Streicherquartett) mit der üblichen Nummerierung (xx aus 00-99) und M für den Satz mit Nummer (x aus 0-9)

Die Datei zum dritten Satz der ersten Beethovensonate heisst also: LVB-S01-M3.tsv