# HW4

### **Experiment settings**

- 1. 目标:对iris数据集进行dbscan聚类分析。
- 2. 数据集: iris数据集,来自uci公开数据集,大小5kb,特征数量共4个,分别是sepal length,sepal width,petal length,petal width。
- 3. 参数设置: 距离度量采用欧式距离。eps设置为0.1, 0.2, 0.4, 0.8; minPts设置为2, 5, 10,分别观察聚类的结果。
- 4. 聚类效果评价指标:采用轮廓系数评价。
- 5. 实验环境: Python3.10 6. 需要安装的包: sklearn
- 7. 实验过程: 先进行数据预处理, 然后进行dbscan聚类, 画出图像进行可视化分析。

### 选择Iris数据集的原因

- 1. **噪音点处理**: Iris数据集可能包含一些异常值或噪音点。DBSCAN能够识别并处理这些噪音点。
- 2. **不需要预设簇的数量**:与K-Means算法不同,DBSCAN不需要事先指定簇的数量。这对于Iris数据集非常有用,因为如果我们没有关于应有簇数量的先验信息,DBSCAN可以自动确定簇的数量。
- 3. **簇的形状**: Iris数据集中的簇可能不是球形的,而DBSCAN不像K-Means那样假设簇是超球形的。 DBSCAN可以识别任何形状的簇。
- 4. **参数设定**: DBSCAN需要两个参数: 半径 (eps) 和最小点数 (min\_samples) 。这些参数可以通过观察数据的空间分布来合理设置。Iris数据集的特征空间表现出较为清晰的分布,使得这些参数的设置相对较为直观。
- 5. **可解释性**: DBSCAN生成的簇边界有着基于密度的直观解释,这增加了聚类结果的可解释性。

### 数据预处理

Code:

```
# 加载数据集

def load_iris_dataset(filename):
    with open(filename, 'r') as csvfile:
        csvreader = csv.reader(csvfile)
        next(csvreader) # Skip header if present
        dataset = [list(map(float, row[:-1])) for row in csvreader if row] #

Exclude the label
    return dataset
```

下载uci iris数据集,读取csv内容。

### 实现dbscan算法

Code:

```
def rangeQuery(X, P, eps):
    distances = euclidean_distances(X[P].reshape(1, -1), X)
    neighbors = set(np.where(distances <= eps)[1].tolist()) # 使用集合存储
neighbors
    return neighbors</pre>
```

```
def dbscan(X, eps, minPts):
   labels = np.full(X.shape[0], -1)
   for P in range(X.shape[0]):
       if labels[P] != -1:
           continue
       neighbors = rangeQuery(X, P, eps)
       if len(neighbors) < minPts:</pre>
           labels[P] = -2 # Mark as noise
           continue
       C += 1
       labels[P] = C
       neighbors.remove(P) # 删除自身,避免后面重复检查
       seeds = neighbors.copy()
       while seeds:
           Pn = seeds.pop()
           if labels[Pn] == -2:
               labels[Pn] = C
           if labels[Pn] == -1:
               labels[Pn] = C
               Pn\_neighbors = rangeQuery(X, Pn, eps)
               if len(Pn_neighbors) >= minPts:
                   seeds |= Pn_neighbors # 使用集合的并集操作添加新的元素
   return labels
```

### rangeQuery 函数

- 输入参数
  - o X是数据点的集合,通常是一个二维数组,其中每一行表示一个数据点。
  - o P是查询点的索引。
  - o eps 是邻域的半径,表示距离阈值。
- 功能: 该函数用于寻找给定数据点 P 在半径 eps 内的所有邻居。
- 实现细节
  - 。 首先, 计算点 P 到数据集 x 中所有点的欧氏距离。
  - 然后,找出距离小于等于 eps 的点,这些点被认为是 P 的邻居。
  - 。 返回这些邻居点的索引集合。

## dbscan 函数

- ×是数据集。
  - o eps 表示两个数据点被认为是邻居的最大距离。
  - o minPts 是形成稠密区域所需的最小邻居数目。
- 功能: 执行DBSCAN算法, 对数据集 x 进行聚类。
- 实现细节
  - 1. 初始化所有点的聚类标签为-1(尚未分类)。
  - 2. 遍历数据集中的每个点:
    - 如果点已被分类, 跳过。
    - 否则,查询其邻居。
    - 如果邻居数量少于minPts,则将该点标记为噪声(-2)。
    - 如果邻居数量足够,则创建一个新的簇,将该点及其邻居加入簇中。
  - 3. 对于每个新找到的邻居点:

- 如果之前被标记为噪声,现在更改为当前簇的标签。
- 如果未被分类,也加入当前簇。
- 如果该邻居点的邻居数量也达到 minPts ,则将其邻居加入到当前考虑的邻居集合中,以此方式扩展簇。
- 4. 最终返回所有点的聚类标签。

### 算法时间复杂度与空间复杂度分析

- **时间复杂度**:对于每一个数据点,我们都执行了一次 rangeQuery。因此,时间复杂度将是 O(n^2)。这是最简单实现版本的时间复杂度,在实际使用中,这个时间复杂度可以通过空间索引数 据结构(如KD树,球树等)来优化。
- 空间复杂度: dbscan 函数主要存储了输入数据集和每个点的标签,因此其空间复杂度为O(n)。

### 指标分析

Code:

```
labels = dbscan(iris, eps=0.2, minPts=5)
end_time=time.time()
print(f'consume time:{end_time-start_time}')
n_clusters = len(set(labels)) - (1 if -1 in labels else 0)
n_noise = list(labels).count(-1)

if n_clusters > 1 and n_noise != len(labels):
    silhouette_avg = silhouette_score(iris, labels)
    print(f"轮廓系数: {silhouette_avg}")
else:
    print("轮廓系数无法计算,需要至少两个簇且不能全部为噪声。")
```

- 1. n\_clusters = len(set(labels)) (1 if -1 in labels else 0): 计算簇的数量。在 dbscan 执行的结果中,-1代表噪声,其他每个不同的正值代表一个簇。通过生成标签的集合并计算长度,可以得到簇的数量。
- 2. n\_noise = list(labels).count(-1): 计算噪声的数量,也就是标签值为-1的数据点的数量。
- 3. 接下来,如果生成的簇的数量大于1且噪声的数量不等于数据的总数量,则计算轮廓系数,否则输出提示信息。
  - 轮廓系数是聚类效果的一个度量,其值范围在-1到1之间。越接近1,表示聚类效果越好;越接近-1,表示聚类效果越差。如果所有数据都是噪声或只有一个簇,轮廓系数无法计算。

#### 可视化分析

Code:

```
# Function to plot pairplot
def plot_pairplot(data, labels):
    # Convert the data to a DataFrame for seaborn compatibility
    df = pd.DataFrame(data, columns=[f'feature{i}' for i in
    range(data.shape[1])])
    df['label'] = labels
    sns.pairplot(df, hue='label', palette='bright')
    plt.show()
```

```
def plot_cluster(labels):
   # 假设 'labels' 是DBSCAN后得到的簇标签数组
   # 'iris' 是原始的数据集数组
   # 获得簇的数量(去除噪声点)
   n_clusters_ = len(set(labels)) - (1 if -1 in labels else 0)
   # 设置不同簇的颜色
   # 注意: 如果簇的数量很多,则需要调整此处的颜色列表
   colors = ['royalblue', 'maroon', 'forestgreen', 'mediumorchid', 'tan',
'deeppink', 'olive', 'goldenrod', 'lightcyan', 'navy']
   vectorizer = np.vectorize(lambda x: colors[x % len(colors)])
   # 为每个簇的样本分配颜色
   colored_labels = vectorizer(labels)
   # 创建散点图
   plt.figure(figsize=(12, 9))
   for class_label, plot_color in zip(range(n_clusters_), colors):
       # 基于簇标签过滤数据点
       class_member_mask = (labels == class_label)
       xy = iris[class_member_mask]
       # 绘制每个簇的数据点
       plt.scatter(xy[:, 0], xy[:, 1], s=50, c=plot_color, label=f'Cluster
{class_label}')
   # 绘制噪声点, 如果有的话
   if -1 in labels:
       # 获取噪声点
       noise\_mask = (labels == -1)
       xy_noise = iris[noise_mask]
       plt.scatter(xy_noise[:, 0], xy_noise[:, 1], s=50, color='k',
label='Noise')
   # 添加图例
   plt.legend()
   # 添加各种标签
   plt.title('DBSCAN Clustering')
   plt.xlabel('Dimension 1')
   plt.ylabel('Dimension 2')
   # 显示图像
   plt.show()
```

画出成对关系图与聚类散点图。

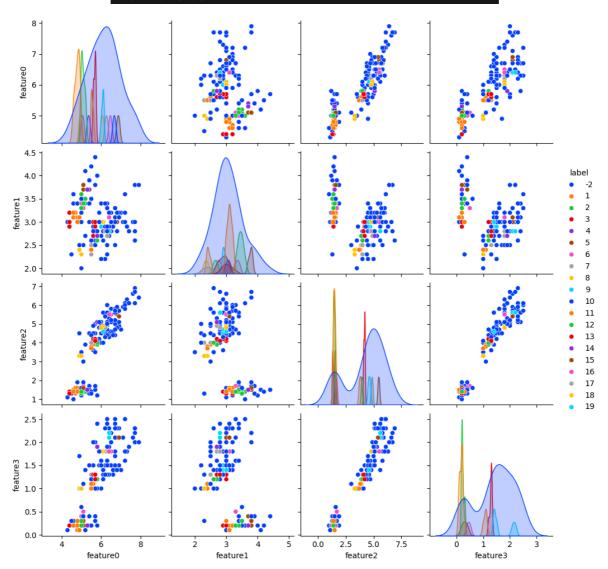
#### Result

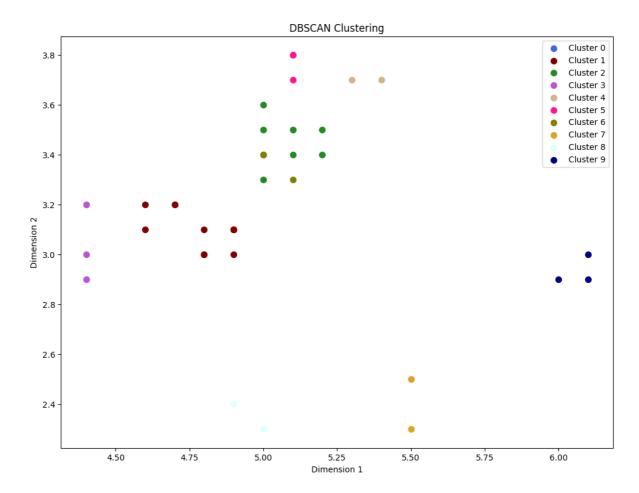
运行时间、运行结果与可视化比较分析

#### eps=0.2 minPts=2

经过观察,轮廓系数<0说明聚类效果很差,且成对关系图发现不同类的聚类有很大部分重合,证明此参数选择不合理。

consume time:0.025002717971801758 轮廓系数: -0.25717882502797673

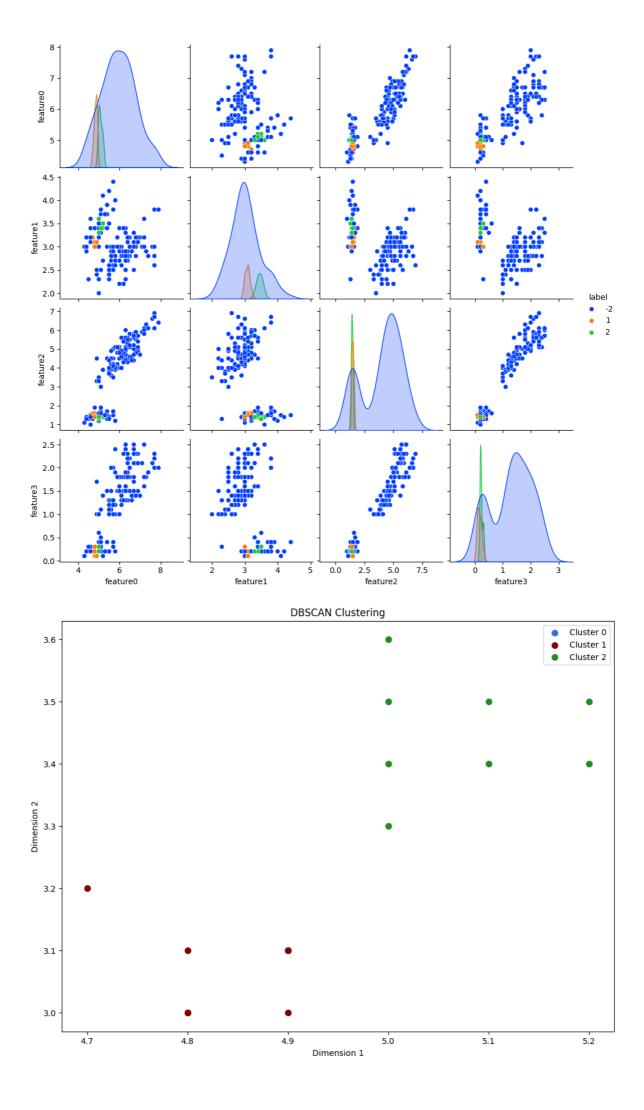




### eps=0.2 minPts=5

同上, 聚类效果也很差。

▶ consume time:0.03514981269836426 轮廓系数: 0.18025315745322368



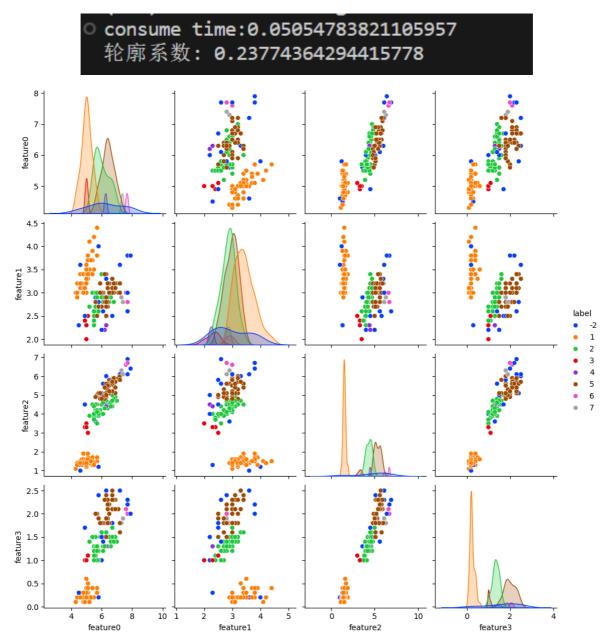
#### eps=0.2 minPts=8

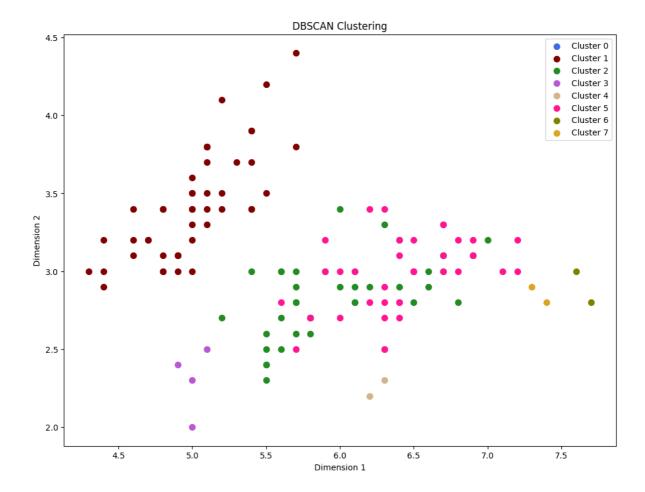
全部聚成了一个簇, 聚类失败。

consume time: 0.031002044677734375轮廓系数无法计算,需要至少两个簇且不能全部为噪声。

### eps=0.4 minPts=2

聚类数量多,轮廓系数小且成对图显示重合较多,聚类较差。

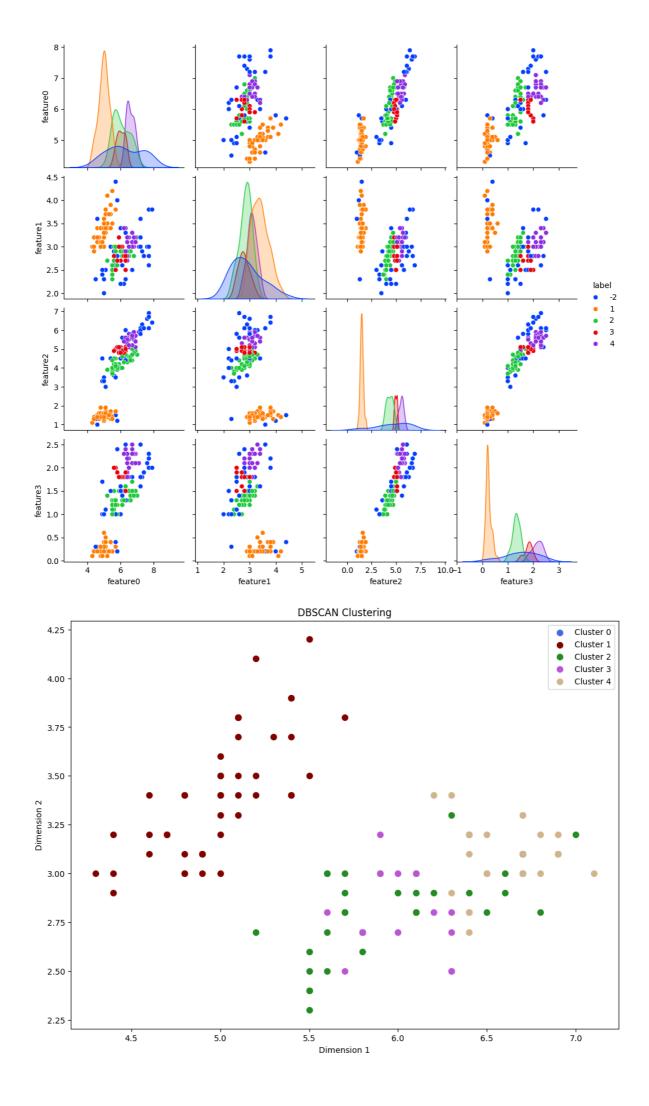




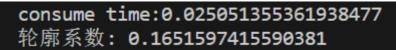
### eps=0.4 minPts=5

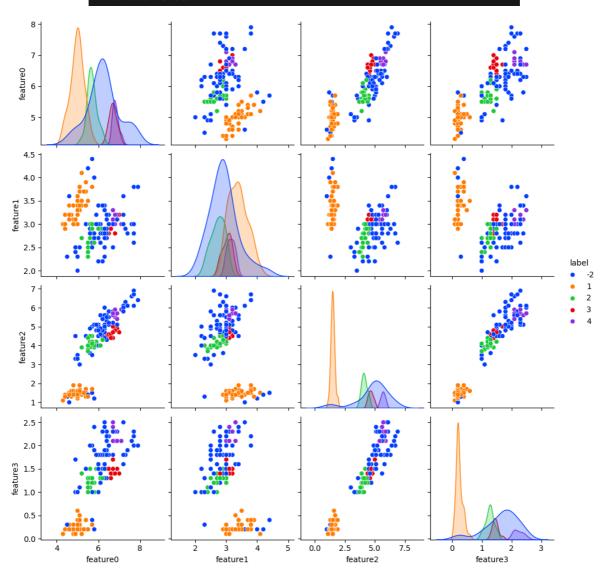
同上, 聚类较差。

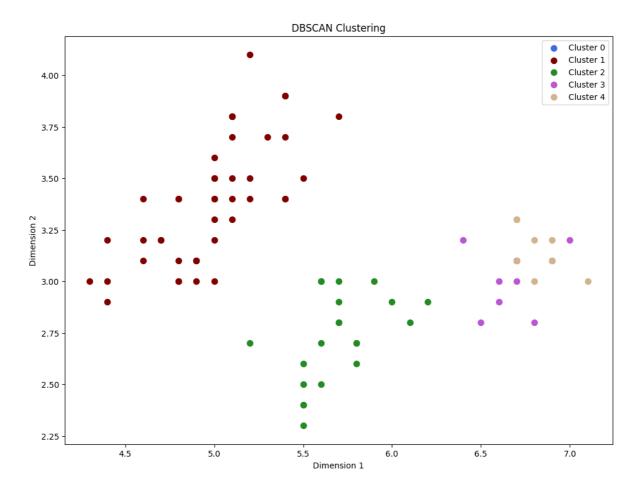
consume time:0.029967784881591797 轮廓系数: 0.2736076815092494



eps=0.4 minPts=8





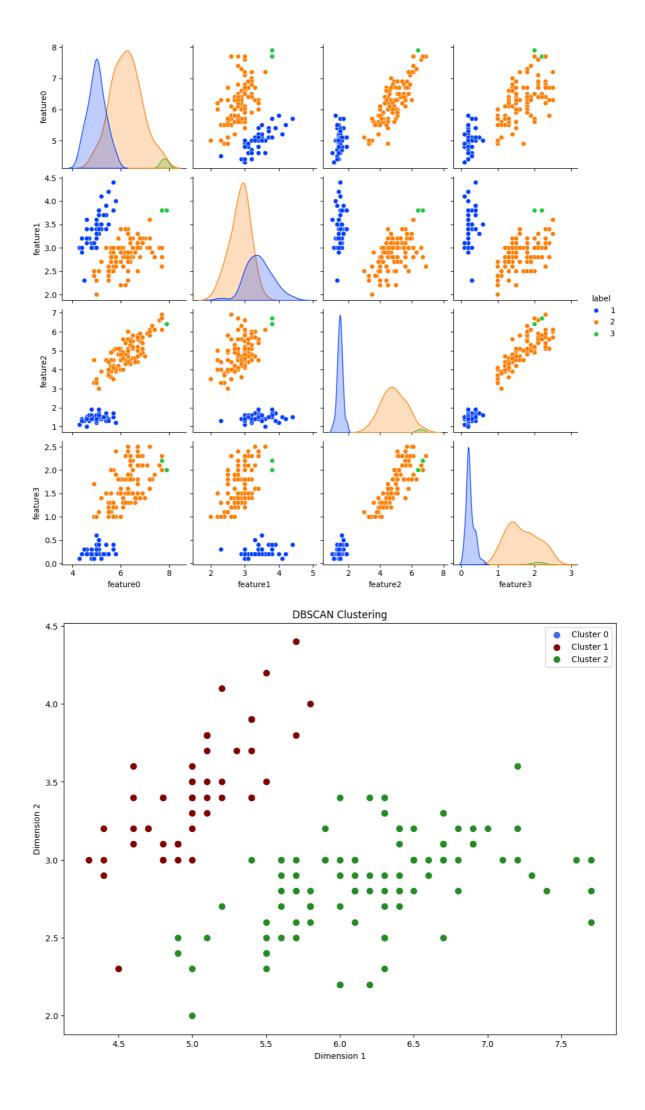


## eps=0.8 minPts=2

聚成了2类,聚类效果不错。

consume time:0.03447747230529785

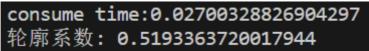
轮廓系数: 0.5090689670612821

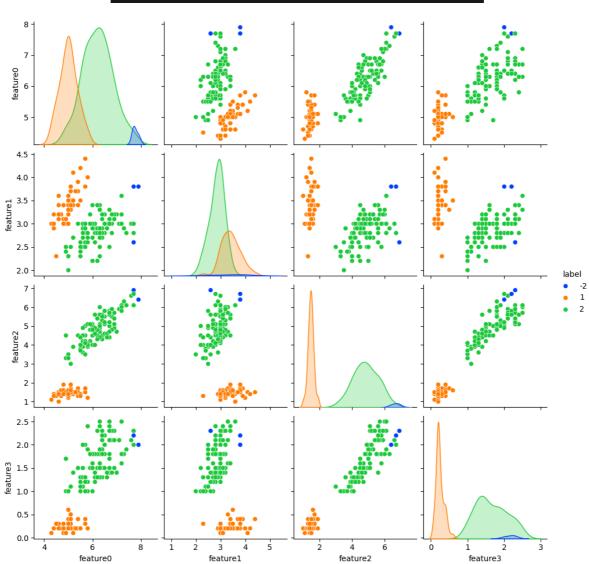


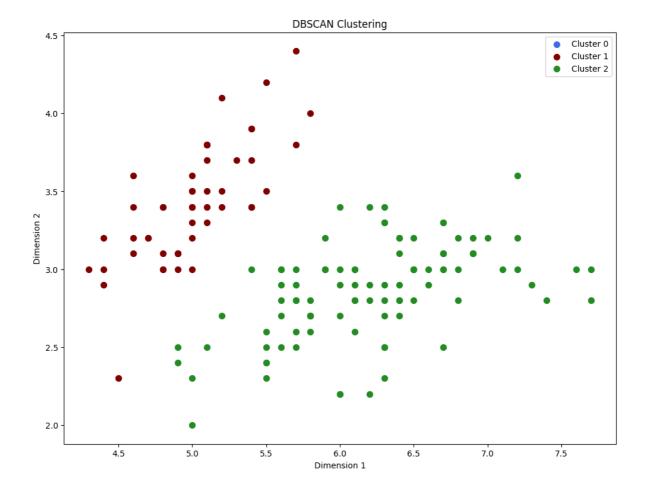
### eps=0.8 minPts=5

与上面eps=0.8 minPts=2结果相同。

# eps=0.8 minPts=8







综上,dbscan对于eps与minpts的选择很有说法,对最终聚类结果影响非常大。比如对iris数据集,太小的eps与minpts会使聚类结果非常差。而合适的eps与minpts(如最后几个)能使其得出较为合理的聚类结果。