## Relatório 2º Projeto ASA 2021/2022

Diogo Melita, 99202 Diogo Gaspar, 99207 Grupo: al038

## 1 Descrição do Problema e da Solução

Como segundo projeto para ASA, foi proposta a realização de um algoritmo que, dado um grafo dirigido G = (V, E):

- Verificasse se G corresponde a uma **árvore genealógica válida**: um grafo acíclico, onde cada nó tem no máximo dois antecessores.
- Dados dois nós,  $u, v \in G$ , devolvesse o conjunto de ancestrais comuns mais próximos entre eles, LCA.

Será importante, antes de qualquer outra coisa, definir ancestral comum mais próximo. Um nó diz-se **ancestral comum mais próximo** de dois nós u e v caso não exista nenhum nó que dele descenda e que seja ancestral comum de u e v. Tendo isto em conta, a solução encontrada tem por base a Depth-First Search, DFS, para ambos os pontos acima referidos.

Para verificar a **validade** do grafo, é realizada uma DFS tal como abordado nas aulas teóricas pelo grafo transposto de G, marcando cada nó com **cores**. Se ao visitar as adjacências de um nó for encontrado um nó que está a ser atualmente visitado - estado grey - foi encontrada uma  $back\ edge$ , e, por consequência, **um ciclo**. A verificação da quantidade de antecessores é bastante mais trivial - se o vértice-destino do arco a ser adicionado já tiver 2 antecessores, o algoritmo pode parar, visto que a árvore não será válida.

A solução para o problema dos LCA é mais simples do que pode parecer à primeira vista, principalmente tendo em conta a definição referida mais acima. É importante realçar que todos os nós são, aqui, inicializados a white. Num primeiro momento, realizase uma DFS ao grafo transposto de G, partindo de u (um dos vértices-argumento). Todos os vértices encontrados pela DFS são marcados com a cor black, recuperando aqui alguma lógica da DFS acima mencionada. É, de seguida, realizada uma segunda DFS ao mesmo grafo transposto, partindo agora de v (o outro vértice-argumento). A procura marca um nó com gray caso atualmente não esteja no estado black e tenha sido encontrado na procura que partiu de u. Todos os nós seus antecessores são marcados a black, garantindo que, no final do algoritmo, os nós marcados a gray são necessariamente os únicos ancestrais comuns mais próximos de u e v. Um vértice só pode ser marcado com black uma vez, evitando "subidas" desnecessárias pelo grafo.

## 2 Análise Teórica

Considere-se um grafo G=(V,E). O custo espacial da leitura e tratamento de dados é, aqui, O(|V|) - é mantido um vector de vectores com, no máximo, |V| entradas, cada uma delas com um vector de, no máximo, dois elementos. A complexidade temporal da mesma secção é de O(|E|), já que, na pior das hipóteses, são lidas todas as |E| arestas do grafo.

A verificação de ciclos corresponde a uma DFS pelo grafo transposto, com complexidade temporal O(|V| + |E|) e espacial O(|V|) (é mantido um vector com |V| entradas).

Por fim, a determinação dos LCA consiste em duas outras DFS, uma primeira mais simples e uma segunda que passa, na pior das hipóteses, duas vezes por cada aresta, ambas com complexidade temporal O(|V| + |E|). São guardados dois outros vectores com |V| entradas, para guardar o estado de cada nó em cada procura, pelo que esta secção tem complexidade espacial O(|V|).

Olhando para o algoritmo como um todo, é possível afirmar que este tem, então, complexidade temporal O(|V| + |E|) e complexidade espacial O(|V|).

## 3 Avaliação Experimental dos Resultados

Para analisar o algoritmo, foi utilizada a ferramenta hyperfine para benchmarking, tendo sido gerados grafos com  $V + E \in [150000, 1500000]$  através da ferramenta fornecida pela docência, randGeneoTree.

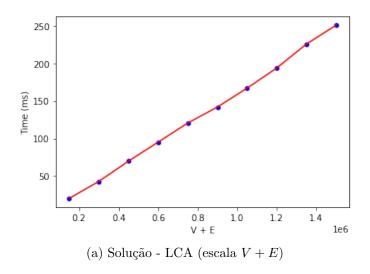


Figura 1: Complexidade temporal da solução apresentada para o problema proposto

Os valores obtidos demonstram uma tendência linear, considerando o eixo das abcissas com escala V+E, pelo que a complexidade temporal proposta para o algoritmo fica, assim, comprovada.