-0.55 -1.49	-1.31	-1.12									0.39	0.46	0.54 0.82	0.62 0.83	0.7 0.82	TTN MYH1	2 Module M1_Skeletal muscle
1.40	0.52	0.54 0.68	0.56 0.68	0.58 0.69	0.6 0.69	0.63 0.69	0.65 0.7	0.67 0.7	0.69 0.7	0.72 0.7	0.74 0.71	0.76 0.71	0.78 0.71	0.8 0.72	0.83 0.72	ANKRD2 MYL5	M2_TNF receptor / JNK signaling activation M3
							0.56	0.61 0.46	0.7 0.5 0.78	0.78 0.55 0.82	0.85 0.59 0.82	0.93 0.63	0.66	1.08 0.7	1.17 0.75	CMYA5 MYL11 CSRP3	0 M4 M5_Extracellular matrix M6_Regeneration (mixed)
									0.78	0.82 0.49 0.7	0.82 0.56 0.76	0.82 0.63 0.86	0.85 0.69 0.96	0.96 0.76 1.06	1.16 0.83 1.16	CA3 TNNC1	M7 M8_TGF. activation
										0.53 0.59	0.59 0.64	0.69 0.69	0.79 0.75	0.9 0.81	1.01 0.87	MYBPC1 ACTN2	M9 M10 M11
										0.3	0.33	0.38	0.43	0.47	0.53	KLHL41 MYBPC2	M12 M13
												0.69	0.77	0.85 0.29	0.94 0.32 0.71	MYOM2 CAPN3 MYOM3	M14 M15 M16
															0.44	NEB MYBPH	M17 M18
																ART3 MYL3 TNNI3	M19 M20 M21
1.17	1.13	1.1	1.07	1.03	1	0.97	0.96	0.95	0.96	0.99	1.03	1.08	1.15	1.22	1.29	MYL1 TRAF2	M22 Unclustered
1.17	0.39	0.4	0.42	0.44	0.46 0.35	0.48 0.37	0.51	0.54 0.42	0.58 0.44	0.99 0.61 0.46	0.64 0.48	0.68	0.72 0.52	0.76 0.54	0.81	EDA2R PRKN	
											0.64 0.49	0.77 0.59	1 0.72	1.25 0.86	1.51 1	EIF2AK3 TAX1BP1	
											0.32	0.33 0.43	0.36 0.54 0.9	0.38 0.66 1.14	0.4 0.78 1.38	TNFRSF12A NFAT5 MAP3K5	
0.36	0.35	0.35	0.34	0.33	0.33	0.32	0.32	0.31	0.31 0.42	0.31 0.48	0.31 0.56	0.31	0.31	0.32	0.33	MSTN SYNM	
									0.32	0.37	0.43 0.54	0.49	0.56	0.62	0.68	DTNB DMD	
												0.75 0.38	0.96 0.44	1.19 0.51	1.43 0.59	SMTN NOS1	
				0.25	0.27	0.29 0.41	0.31 0.48	0.32 0.55	0.34 0.62	0.36 0.69	0.38 0.76	0.4	0.42 0.91	0.44	0.46 1.05	CD38 PTGES2	
																CD276 ITGAM ITGB2	
								0.3	0.32	0.33	0.35 0.27	0.36 0.29	0.38 0.31	0.39 0.33	0.41 0.35	CCN3 COL6A3	
																MMP3 OGN	
-0.98	-0.94	-0.9	-0.86	-0.82	-0.77	-0.71	-0.65	-0.59	-0.54	-0.51				_	_	POSTN MYOC	
										0.31	0.32	0.34	0.35	0.37	0.38	RBP2 FABP2 APOA4	
			0.35	0.37	0.39	0.41	0.43	0.44	0.45	0.46	0.45	0.43	0.41	0.39	0.37	ITGB6 THBS4	
																COMP	
								0.33	0.35	0.39	0.42	0.46	0.51 0.48	0.56 0.74	0.61	RBFOX3 NEFL	
																ELAVL4 GFAP	
0.54	0.53	0.52	0.51	0.5	0.49	0.48 0.56	0.47 0.61	0.46 0.67	0.45 0.74	0.44	0.43 0.87 0.67	0.42 0.93 0.78	0.41 1 0.97	0.4 1.06 1.17	0.39 1.13 1.38	NDE1 DCTN2 KIFC3	
											0.48	0.52	0.63	0.8	0.98	TRAK1	
											0.40	0.4	0.44	0.5	0.57	OTUD4 WWP1	
-0.56	-0.52	-0.47	-0.42			0.59	0.66	0.74	0.81	0.89	0.97	1.05	1.13	1.21	1.29	EZR UNC45A	
									0.35	0.38	0.59 0.4	0.67 0.43	0.77 0.46	0.87 0.48	0.97 0.51	MYH9 PPFIA1	
											0.53	0.62	0.72	0.82	0.94	PPFIBP1 PPFIA4	
						0.6	0.66 0.26	0.74 0.26	0.8	0.85 0.27	0.89	0.93 0.28	0.96 0.28	0.99	1.01 0.29 0.42	PACSIN3 EPHA1	
						0.24	0.26	0.28	0.3 0.41	0.32 0.47	0.33	0.34	0.35 0.68	0.37 0.75	0.38	ADAM12 SORBS1 CORO6	
0.96	0.75	0.53	0.41						0.29	0.47	0.46	0.53	0.68	0.85	1.02	PDZD2	
0.00	0.87	0.89	0.92	0.94	0.97	1	1.03	1.06	1.08	1.11	1.14	1.17	1.2	1.23	1.25	CCK PPY	
								0.4	0.41 0.17	0.42 0.18	0.43 0.19	0.44	0.45 0.21	0.46 0.22	0.47 0.23	MOCS3 PPP6R2	
												0.44 0.18	0.55 0.2	0.71 0.22	0.89 0.25	STX4 TXLNB	
0.81	0.85	0.89	0.93	0.98	1.02 0.42	1.06 0.44	1.1 0.47	1.15 0.5	1.19 0.53	1.23 0.56	1.27 0.58	1.32 0.61	1.36 0.64	1.4 0.67	1.45 0.7	MAP4K1 SAV1	
							0.47	0.5	0.55	0.59	0.65	0.7	0.77	0.83	0.89	CALCA CALCB	
										0.67	0.78	0.92	1.06	1.2 0.24	1.35 0.26	SDCCAG8 IFT172	
			-0.58		0.53	0.55	0.58	0.61	0.64	0.67	0.69	0.72	0.52 0.75	0.66 0.78	0.82 0.81	STRN SIKE1	
0.79	0.77	0.75	0.73	0.72	0.7	0.68	0.66	0.33	0.36	0.41	0.45	0.47	0.47	0.47	0.46	FABP3 ALDH3A1	
0.34 -0.87 -0.43	0.35 -0.4	0.36 -0.37	0.38 0.45 -0.34	0.39 0.51 -0.31	0.4 0.44 -0.3	0.41 0.37	0.42 0.35	0.43 0.42	0.44 0.51	0.45 0.56	0.46 0.52	0.47 0.44	0.48	0.49 0.41	0.5 0.47	AFAP1L1 CLEC4G HPCAL4	
-0.59	-0.55	-0.5	-0.45	-0.41 0.54	-0.36 0.58	-0.33 0.64	0.7	0.77	0.83	0.89	0.95	1.01	1.07	1.13	-0.3 1.2	ADAMTSL5 WASF3	
					0.38	0.38 -0.33	0.37 -0.33 0.41	0.37 -0.33 0.48	0.38 -0.33 0.57	0.38 -0.33 0.66	0.39 -0.33 0.75	0.4 -0.33 0.84	0.41 -0.33 0.92	0.43 -0.33 1.01	0.44 -0.33 1.11	GOLGA4 MELTF NGRN	
							0.2 0.26	0.22 0.28	0.25 0.29	0.27 0.3	0.29 0.29	0.31 0.27	0.34 0.24	0.36 0.22	0.38	PHOSPHO1 CRTAC1	
							0.16	0.19	0.22	0.23 0.8	0.21 0.96	0.19	0.18 1.32	0.2 1.49	0.23 1.66	PBXIP1 FYCO1 TRAED1	
									0.4 0.28	0.45 0.3 1.15	0.54 0.32 1.29	0.62 0.31 1.5	0.71 0.28 1.72	0.79 0.25 1.93	2.16	TRAFD1 KLK8 JCAD	
										0.72 0.65	0.86 0.67	1 0.69	1.15 0.72	1.3 0.74	1.45 0.77	CALCOCO1 KLK4	
										0.41 0.51 0.38	0.5 0.55 0.41	0.61 0.6 0.47	0.72 0.65 0.53	0.83 0.7 0.59	0.94 0.75 0.65	SERPINB8 CAP2 MSANTD3	
										0.38	0.41	0.47 0.33 0.78	0.36 0.94	0.39	0.65	HSPB6 MTSS1	
											0.31	0.33	0.35	0.38	0.4	IQGAP2 PRND	
												0.35	0.43 0.32 0.82	0.52 0.35 1.07	0.63 0.38 1.37	MPHOSPH9 HS6ST2 IRAG2	
													0.27	0.3	0.32 0.63	IGFBP6 DUSP29	
																MEGF10 RGMA	
																ENPP5 IGFL3 SPINK7	
																IDI2 ENDOU	
																IL32 KLK15	
																KRI1 RAD51AP2 CA14	
																CELSR2 FGFBP1	
[-16,-15)	[–15,–14)	[-14,-13)	[-13,-12)	[-12,-11)	[-11,-10)	[-10,-9)	[-9,-8)	[-8,-7)	[-7,-6)	[-6,-5)	[-5,-4)	[-4,-3)	[-3,-2)	[-2,-1)	[-1,0)		