

	0.5						0.6	0.65	0.7	0.75	0.8	module	
	1	2	3	5									
	0.63	0.58	0.57	0.60	0.64	TTN						M1_Skeletal muscle	
	0.62	0.58	0.55	0.57	0.61	KLHL41							
	0.62	0.58	0.53	0.58	0.61	CA3							M2_TNF receptor / JNK signaling activation
	0.63	0.61	0.54	0.59	0.59	CMYA5							
	0.61	0.59	0.51	0.58	0.57	MYL3							
	0.62	0.59	0.53	0.57	0.53	ACTN2							
	0.63	0.61	0.55	0.56	0.58	ANKRD2							
	0.67	0.63	0.58	0.62	0.61	TNNC1							
	0.67	0.59	0.53	0.56	0.57	MYL1							
	0.65	0.61	0.55	0.58	0.56	CSRP3							
	0.67	0.61	0.55	0.58	0.58	MYOM2							
	0.61	0.58	0.54	0.56	0.55	MYL11							
	0.62	0.58	0.54	0.53	0.57	CAPN3							
	0.61	0.55	0.53	0.52	0.54	MYBPH							
	0.59	0.52	0.51	0.54	0.54	TNNI3							
	0.68	0.60	0.53	0.60	0.61	MYBPC1							
	0.63	0.55	0.50	0.54	0.55	MYOM3							
	0.55	0.48	0.51	0.54	0.52	MYBPC2							
	0.52	0.48	0.51	0.52	0.52	ART3							
	0.59	0.59	0.56	0.58	0.51	NEB							
	0.52	0.51	0.51	0.52	0.51	MYL5							
	0.52	0.51	0.50	0.53	0.50	MYH1							
	0.54	0.52	0.52	0.54	0.55	PRKN						M3	
	0.53	0.52	0.53	0.58	0.58	NFAT5							
	0.51	0.51	0.51	0.54	0.54	TAX1BP1							
	0.52	0.51	0.51	0.53	0.56	EIF2AK3							
	0.52	0.53	0.51	0.53	0.55	MAP3K5							
	0.52	0.51	0.51	0.53	0.51	TRAF2							
	0.61	0.51	0.50	0.53	0.53	TNFRSF12A							
	0.60	0.59	0.53	0.56	0.59	EDA2R							
	0.51	0.52	0.52	0.55	0.48	MSTN						M4	
	0.55	0.54	0.52	0.56	0.60	DTNB							
	0.54	0.52	0.51	0.55	0.59	SMTN							
	0.54	0.53	0.51	0.55	0.58	DMD							
	0.62	0.63	0.58	0.62	0.64	SYNM							
	0.58	0.57	0.54	0.57	0.59	NOS1							
	0.54	0.53	0.53	0.57	0.57	PTGES2						M5_Extracellular matrix	
	0.56	0.51	0.50	0.54	0.53	CD276							
	0.52	0.50	0.51	0.53	0.51	ITGAM							
	0.52	0.49	0.50	0.53	0.50	ITGB2							
	0.52	0.50	0.50	0.53	0.50	CD38							
	0.48	0.50	0.49	0.51	0.50	MMP3						M6_Regeneration (mixed)	
	0.52	0.50	0.50	0.54	0.51	POSTN							
	0.55	0.49	0.51	0.54	0.54	CCN3							
	0.56	0.50	0.50	0.53	0.53	COL6A3							
	0.55	0.50	0.50	0.52	0.51	OGN							
	0.54	0.50	0.49	0.52	0.51	APOA4						M7	
	0.49	0.51	0.51	0.55	0.53	RBP2							
	0.50	0.51	0.48	0.52	0.51	FABP2							
	0.50	0.52	0.50	0.51	0.51	MYOC							
	0.56	0.54	0.52	0.56	0.49	ITGB6						M8_TGF. activation	
	0.52	0.52	0.50	0.52	0.50	COMP							
	0.58	0.52	0.52	0.56	0.54	THBS4							
	0.56	0.51	0.51	0.53	0.50	ITGAV							
	0.54	0.55	0.53	0.56	0.56	GFAP						M9	
	0.51	0.52	0.48	0.53	0.52	ELAVL4							
	0.81	0.78	0.72	0.68	0.71	NEFL							
	0.61	0.62	0.57	0.59	0.59	RBFOX3							
	0.50	0.53	0.51	0.53	0.51	NDE1						M10	
	0.52	0.51	0.51	0.55	0.55	DCTN2							
	0.55	0.54	0.53	0.57	0.59	TRAK1							
	0.52	0.51	0.51	0.54	0.57	KIFC3							
	0.52	0.50	0.53	0.51	0.50	WWP1						M11	
	0.51	0.51	0.50	0.52	0.51	USP28							
	0.48	0.51	0.51	0.54	0.53	OTUD4							
	0.51	0.51	0.50	0.53	0.57	MYH9						M12	
	0.52	0.51	0.51	0.53	0.52	UNC45A							
	0.51	0.49	0.50	0.53	0.51	EZR							
	0.57	0.52	0.52	0.54	0.52	PPFIA4						M13	
	0.52	0.52	0.51	0.55	0.53	PPFIBP1							
	0.51	0.51	0.50	0.53	0.51	PPFIA1							
	0.52	0.52	0.52	0.53	0.47	PACSIN3						M14	
	0.55	0.55	0.53	0.57	0.56	ADAM12							
	0.55	0.51	0.50	0.53	0.52	EPHA1							
	0.52	0.51	0.51	0.53	0.53	PDZD2						M15	
	0.64	0.61	0.57	0.60	0.63	CORO6							
	0.50	0.46	0.46	0.48	0.52	SORBS1							
	0.53	0.53	0.51	0.53	0.50	KISS1						M16	
	0.51	0.52	0.50	0.52	0.51	CCK							
	0.49	0.54	0.46	0.50	0.49	PPY							
	0.51	0.51	0.52	0.54	0.53	PPP6R2						M17	
	0.51	0.49	0.50	0.53	0.51	MOCS3							
	0.54	0.53	0.52	0.58	0.60	STX4						M18	
	0.63	0.58	0.52	0.56	0.56	TXLNB							
	0.51	0.49	0.49	0.53	0.52	SAV1						M19	
	0.49	0.51	0.50	0.53	0.51	MAP4K1							
	0.64	0.65	0.61	0.58	0.55	CALCB						M20	
	0.60	0.58	0.60	0.62	0.55	CALCA							
	0.51	0.52	0.50	0.53	0.52	IFT172						M21	
	0.52	0.52	0.52	0.54	0.55	SDCCAG8							
	0.49	0.51	0.51	0.53	0.53	SIKE1						M22	
	0.52	0.51	0.50	0.54	0.60	STRN							
	0.58	0.50	0.49	0.55	0.58	FABP3						Unclustered	
	0.52	0.54	0.55	0.55	0.53	KRI1							
	0.49	0.51	0.51	0.52	0.51	PBXIP1							
	0.48	0.51	0.50	0.54	0.51	ALDH3A1							
	0.53	0.52	0.51	0.55	0.59	IRAG2							
	0.53	0.52	0.51	0.53	0.56	FYCO1							
	0.52	0.52	0.52	0.54	0.57	MSANTD3							
	0.52	0.52	0.52	0.53	0.54	MTSS1							
	0.51	0.50	0.50	0.54	0.56	SERPINB8							
	0.50	0.51	0.51	0.54	0.52	MPHOSPH9							
	0.49	0.49	0.49	0.52	0.51	RGMA							
	0.51	0.50	0.48	0.53	0.51	IQGAP2							
	0.52	0.51	0.50	0.53	0.54	TRAFD1							
	0.50	0.47	0.46	0.51	0.51	CA14							
	0.58	0.59	0.57	0.54	0.49	KLK15							
	0.61	0.59	0.56	0.55	0.55	PRND							
	0.57	0.55	0.53	0.51	0.52	ENDOU							
	0.58	0.53	0.51	0.53	0.50	KLK4							
	0.57	0.56	0.55	0.55	0.54	CLEC4G							