-0.55 -1.49	-1.31	-1.12									0.39	0.46	0.54 0.82	0.62 0.83	0.7 0.82	TTN MYH1
-1.49	0.52	0.54 0.68	0.56 0.68	0.58 0.69	0.6 0.69	0.63 0.69	0.65 0.7	0.67 0.7	0.69 0.7	0.72 0.7	0.74 0.71	0.76 0.71	0.78 0.71	0.8 0.72	0.83 0.72	ANKRD2 MYL5
							0.56	0.61 0.46	0.7 0.5	0.78 0.55	0.85 0.59	0.93 0.63	0.66	1.08 0.7	1.17 0.75	CMYA5 MYL11
									0.78 0.45	0.82 0.49	0.82 0.56	0.82 0.63	0.85 0.69	0.96 0.76	1.16 0.83	CSRP3 CA3
										0.7 0.53	0.76 0.59	0.86 0.69	0.96 0.79	1.06 0.9	1.16 1.01	TNNC1 MYBPC1
										0.59	0.64 0.33	0.69	0.75 0.43	0.81 0.47	0.87 0.53	ACTN2 KLHL41
												0.68 0.69	0.73	0.84 0.85	1.04 0.94	MYBPC2 MYOM2
													0.27	0.29	0.32 0.71 0.44	CAPN3 MYOM3
															0.44	NEB MYBPH ART3
																MYL3 TNNI3
1.17	1.13	1.1	1.07	1.03	1	0.97	0.96	0.95	0.96	0.99	1.03	1.08	1.15	1.22	1.29	MYL1 TRAF2
	0.39	0.4	0.42 0.31	0.44 0.33	0.46 0.35	0.48 0.37	0.51 0.4	0.54 0.42	0.58 0.44	0.61 0.46	0.64 0.48	0.68 0.5	0.72 0.52	0.76 0.54	0.81 0.56	EDA2R PRKN
											0.64 0.49	0.77 0.59	0.72	1.25 0.86	1.51 1	EIF2AK3 TAX1BP1
											0.32	0.33 0.43	0.36 0.54	0.38 0.66	0.4 0.78	TNFRSF12A NFAT5
0.36	0.35	0.35	0.34	0.33	0.33	0.32	0.32	0.31	0.31 0.42	0.31 0.48	0.31 0.56	0.31 0.64	0.9 0.31 0.72	1.14 0.32 0.8	1.38 0.33 0.88	MAP3K5 MSTN SYNM
									0.42	0.46	0.36 0.43 0.54	0.49 0.69	0.72 0.56 0.85	0.62 1.01	0.68 1.18	DTNB DMD
											0.54	0.75 0.38	0.96 0.44	1.19 0.51	1.43 0.59	SMTN NOS1
				0.25	0.27	0.29 0.41	0.31 0.48	0.32 0.55	0.34 0.62	0.36 0.69	0.38 0.76	0.4 0.84	0.42	0.44	0.46 1.05	CD38 PTGES2
						-										CD276 ITGAM
								0.3	0.32	0.33	0.35	0.36	0.38	0.39	0.41	ITGB2 CCN3
											0.27	0.29	0.31	0.33	0.35	COL6A3 MMP3
0.00	0.04	0.0	0.00	0.00	0.77	0.74	0.05	0.50	0.54	0.54						OGN POSTN
-0.98	-0.94	-0.9	-0.86	-0.82	-0.77	-0.71	-0.65	-0.59	-0.54	-0.51 0.31	0.32	0.34	0.35	0.37	0.38	MYOC RBP2 FABP2
			0.35	0.37	0.39	0.41	0.43	0.44	0.45	0.46	0.45	0.43	0.41	0.39	0.37	APOA4 ITGB6
			0.00	0.01	0.03	0.41	0.40	0.44	0.40	0.40	0.40	0.40	0.41	0.03	0.01	THBS4 COMP
								0.33	0.35	0.39	0.42	0.46	0.51	0.56	0.61	ITGAV RBFOX3
													0.48	0.74	1.31	NEFL ELAVL4
0.54	0.53	0.52	0.51	0.5	0.49	0.48	0.47	0.46	0.45	0.44	0.43	0.42	0.41	0.4	0.39	GFAP NDE1
						0.56	0.61	0.67	0.74	0.8	0.87 0.67	0.93 0.78	0.97	1.06 1.17	1.13 1.38	DCTN2 KIFC3
											0.48	0.52 0.53	0.63 0.59	0.8 0.65	0.98 0.71	TRAK1 USP28
0.50	0.50	0.47	0.40									0.4	0.44	0.5	0.57	OTUD4 WWP1
-0.56	-0.52	-0.47	-0.42			0.59	0.66	0.74	0.81	0.89	0.97 0.59	1.05 0.67	1.13 0.77	1.21 0.87	1.29 0.97	EZR UNC45A MYH9
									0.35	0.38	0.59 0.4 0.53	0.67 0.43 0.62	0.46 0.72	0.87 0.48 0.82	0.51 0.94	PPFIA1 PPFIBP1
						0.6	0.66	0.74	0.8	0.85	0.89	0.93	0.72	0.99	1.01	PPFIA4 PACSIN3
						0.0	0.26	0.26	0.27	0.27	0.27	0.28	0.28	0.28	0.29	EPHA1 ADAM12
						0.24	0.26	0.28	0.3 0.41	0.32 0.47	0.33 0.54	0.34 0.61	0.35 0.68	0.37 0.75	0.38 0.82	SORBS1 CORO6
0.96	0.75	0.53	0.41						0.29	0.31	0.46 0.33	0.53 0.35	0.68 0.35	0.85 0.31	1.02 0.26	PDZD2 KISS1
	0.87	0.89	0.92	0.94	0.97	1	1.03	1.06	1.08	1.11	1.14	1.17	1.2	1.23	1.25	CCK PPY
								0.4	0.41 0.17	0.42 0.18	0.43 0.19	0.44	0.45 0.21	0.46	0.47	MOCS3 PPP6R2
0.81	0.85	0.89	0.93	0.98	1.02	1.06	1.1	1.15	1.19	1.23	1.27	0.44 0.18 1.32	0.55 0.2 1.36	0.71 0.22 1.4	0.89 0.25 1.45	STX4 TXLNB MAP4K1
0.01	0.00	0.09	0.93	0.90	0.42	0.44	0.47 0.47	0.5 0.5	0.53 0.55	0.56 0.59	0.58 0.65	0.61 0.7	0.64 0.77	0.67 0.83	0.7 0.89	SAV1 CALCA
							0.17	0.0	0.00	0.67	0.78	0.92	1.06	1.2	1.35	CALCB SDCCAG8
			-0.58										0.52	0.24 0.66	0.26 0.82	IFT172 STRN
					0.53	0.55	0.58	0.61 0.33	0.64 0.36	0.67 0.41	0.69 0.45	0.72 0.47	0.75 0.47	0.78 0.47	0.81 0.46	SIKE1 FABP3
0.79 0.34	0.77 0.35	0.75 0.36	0.73 0.38	0.72 0.39	0.7	0.68 0.41	0.66 0.42	0.64 0.43	0.62 0.44	0.61 0.45	0.6 0.46	0.47	0.48	0.49	0.5	ALDH3A1 AFAP1L1
-0.87 -0.43	-0.4 0.55	-0.37	0.45 -0.34	0.51 -0.31	0.44 -0.3	0.37	0.35	0.42	0.51	0.56	0.52	0.44	0.4	0.41	0.47	CLEC4G HPCAL4
-0.59	-0.55	-0.5	-0.45	-0.41 0.54	-0.36 0.58 0.38	-0.33 0.64 0.38	0.7 0.37	0.77 0.37	0.83 0.38	0.89 0.38	0.95 0.39	1.01 0.4	1.07 0.41	1.13 0.43	-0.3 1.2 0.44	ADAMTSL5 WASF3 GOLGA4
					0.00	-0.33	-0.33 0.41	-0.33 0.48	-0.33 0.57	-0.33 0.66	-0.33 0.75	-0.33 0.84	-0.33 0.92	-0.33 1.01	-0.33 1.11	MELTF NGRN
							0.41 0.2 0.26	0.48 0.22 0.28	0.25 0.29	0.27	0.29 0.29	0.84 0.31 0.27	0.92 0.34 0.24	0.36 0.22	0.38	PHOSPHO1 CRTAC1
							0.16	0.19	0.22 0.68	0.23	0.21 0.96	0.19 1.14	0.18 1.32	0.2 1.49	0.23 1.66	PBXIP1 FYCO1
									0.4 0.28	0.45	0.54 0.32	0.62 0.31	0.71 0.28	0.79 0.25	0.88	TRAFD1 KLK8
										1.15 0.72	1.29 0.86	1.5 1	1.72 1.15	1.93 1.3	2.16 1.45	JCAD CALCOCO1
										0.65 0.41	0.67 0.5	0.69 0.61	0.72 0.72	0.74 0.83	0.77 0.94	KLK4 SERPINB8
										0.51 0.38	0.55 0.41	0.6 0.47	0.65 0.53	0.7 0.59	0.75 0.65	CAP2 MSANTD3
										0.28	0.3 0.66 0.31	0.33 0.78 0.33	0.36 0.94 0.35	0.39 1.1 0.38	0.42 1.26 0.4	HSPB6 MTSS1 IQGAP2
											0.31	0.33 0.42 0.35	0.35 0.46 0.43	0.38 0.52 0.52	0.4 0.59 0.63	PRND MPHOSPH9
												0.3	0.43 0.32 0.82	0.32 0.35 1.07	0.83 0.38 1.37	HS6ST2 IRAG2
													0.27	0.3	0.32 0.63	IGFBP6 DUSP29
																MEGF10 RGMA
										<u> </u>						ENPP5 IGFL3
																SPINK7
																IDI2
																ENDOU IL32
																ENDOU IL32 KLK15 KRI1
																ENDOU IL32 KLK15 KRI1 RAD51AP2 CA14
[-16,-15)	[-15,-14)	[-14,-13)	[-13,-12)	[-12,-11)	[-11,-10)	[-10,-9)	[-9,-8)	[-8,-7)	[-7,-6)	[-6,-5)	[-5,-4)	[-4,-3)	[-3,-2)	[-2,-1)	[-1,0)	ENDOU IL32 KLK15 KRI1 RAD51AP2

Module M1_Skeletal muscle M2_TNF receptor / JNK signaling activation M5_Extracellular matrix M6_Regeneration (mixed) M8_TGF. activation -2 M10 M11 M12 M13 M14 M15 M16 M17 M18 M19 M20 M21 M22 Unclustered