1. EMED: 这个字体我不喜欢，需要改成eMED。第一个e要求小写。在这句话"A platform for exploring epigenome in mammalian embryonic development”的上面。
2. Quickly Take A Insight Look 改成 “Video showing mamalian early embryogenesis”。
3. Quickly Find What You Are Looking For 改成 “Epigenetic Data Browsers and Repositories”。
4. 修改contact。见eMED Logo/contact.docx
5. 修改NEWS， 见eMED Logo/News and updates.docx
6. 数据库logo用eMED Logo里面的“logo1.png”
7. “circadian rhythm” 全部改成 “embryonic development”
8. DataCollection1-文件夹里面的文件放到 DOWNLOADS
9. Statistics里面展示DataCollection1里面的5个表格。
10. Statistics按照这个模板展示：<http://cistrome.org/cr/cs.php>，统计结果见文件夹“category”，分为5种统计方式：**Species，Cell Types，Techniques，ChIP-seq.Factors和Library.Layout**。更新一下**Techniques，这个我更新过数据。**
11. “A platform for exploring epigenome in mammalian embryonic development” 字体调整高亮些，调大些。
12. Homepage的视频框架调小，其上面的展示流程图的框架调大。
13. 右上角的“**SEARCH:**”去除，或者只检索本网站内部内容。
14. SEARCHING BROWSER需要分开成两个栏目，一个是“SEARCH”，一个是“BROWSER”
15. 请替换主页中的eMED Category System Workflow图片为eMED Logo/workflow1.png,其他图片依次替换为：<http://159.226.67.237:6080/sun/eMED/Version1/pages/3-columns.html>中的“Embryo Development Process”，“Cell fate regulation in early mammalian development”，“Genome-wide mapping of H3K4me3 in mouse gametes and pre-implantation embryos”和“Dynamics of the histone modification landscape in early mouse embryos”的图片。注意：标题依次修改为“eMED Analysis Workflow”、“Embryo Development Process”、“Cell fate regulation in early embryo”、“H3K4me3 in mouse early embryos”、“Dynamics of the histone modification landscape”

数据导入MySQL；

1. 文件夹eMED\_importDB里面的数据为导入数据，见文件RNA.eMED.mouse.all.tissue.FPKM.txt，Symbol为检索ID，每一列为发育过程中的细胞，每一个检索到的基因按照发育时间点画线图。